## P-05

キンギョの鰓後腺におけるカルシトニン I 及び II mRNA の検出

福島綾香<sup>1</sup>・古澤之裕<sup>2</sup>・田渕圭章<sup>3</sup>・高崎一朗<sup>3</sup>・近藤 隆<sup>2</sup>・和田重人<sup>4</sup>・ 服部淳彦<sup>5</sup>・早川和一<sup>6</sup>・北村敬一郎<sup>7</sup>・笹山雄一<sup>1</sup>・鈴木信雄<sup>1</sup>

<sup>1</sup>金沢大・環日セ・臨海、<sup>2</sup>富山大・医・放射線基礎医学、<sup>3</sup>富山大・生命科学先端研究セ・遺伝子実験施設、<sup>4</sup>富山大・附属病院・歯科口腔外科、<sup>5</sup>東京医科歯科大学・教養・生物、<sup>6</sup>金沢大・薬・衛生化学、
<sup>7</sup>金沢大・保健・検査

カルシトニン(CT)は哺乳類以外の脊椎動物では鰓後腺から分泌される。我々はキンギョの鰓後腺から高速液体クロマトグラフィーを用いて CT を純化して、構造を決定した(CTI) Sasayama et al., 1993 )。 さらにキンギョのゲノムから、CTIとは異なるカルシトニン(CTII)を単離した(Suzuki et al., 1999 )。 そこで本研究では、TaqMan 法により CTIと CTII を区別して増幅する方法を開発し、その方法を用いて成熟したキンギョの雌雄の鰓後腺における CTIと CTII の発現を解析した。

キンギョの CT 遺伝子 (96bp)の中でプライマーを作成した。それぞれのプライマーで増幅した後、ダイレクトシークエンスにより CT I と CT II の増幅を確認した。その後、TaqMan プローブを作成して、 鰓後腺における発現を解析した。 さらに血液中の CT 濃度、カルシウム濃度及び生殖腺指数との関係も解析した。

その結果、TaqMan 法により CT I と CT II を特異的に増幅させるプライマーを設計することができ、雌の方が CT I 及び CT II の発現量が高いことがわかった。さらに血液中の CT 濃度と鰓後腺で発現している CT I 及び CT II との間に正の相関があり、特に、雌において血液中のカルシウム濃度と鰓後腺で発現している CT I と有意な正の相関が認められた。現在他の組織(ウロコ)における発現を解析中であり、併せて報告する。