

DIVERSIDAD GENÉTICA DE MUESTRAS PRECOLOMBINAS DE LA REPÚBLICA ARGENTINA

Dejean, CB; Carnese, FR

Sección Antropología Biológica, ICA. Fac. Filosofía y Letras, UBA. Puan 480 of. 407 (1406), CABA. antbiol@filo.uba.ar

El objetivo de este trabajo es comparar la variabilidad genética de grupos prehispanicos del noroeste argentino (Pampa Grande, 1310 ± 40 AP; Cortaderas Derecha 600 AP) respecto de las poblaciones amerindias actuales de Sudamérica. A partir del ADN antiguo de las muestras prehistóricas se determinaron marcadores uniparentales (ADNmt y cromosoma Y). Se detectaron los 4 haplogrupos clásicos descriptos para Sudamérica A, B, C y D. A su vez, si bien no se observaron haplotipos del cromosoma Y idénticos a los de la base de datos consultadas, las coincidencias, con una diferencia de uno o dos alelos, se presentaron con individuos de origen amerindio y/o asiático. La diversidad génica y haplotípica de los linajes maternos y paternos, así como también las estimadas a partir de los marcadores autosomales fueron similares a las observadas en indígenas actuales. Estos datos sugieren que un grupo único de individuos podría haber originado la diversidad actual de los nativos americanos, y que esa variabilidad no se vio afectada por un efecto cuello de botella como consecuencia de la conquista europea.

Palabras clave: ADN antiguo, diversidad, grupos prehistórico.

Keywords: Ancient DNA, diversity, prehistoric groups.

Apoyo financiero: UBACyT - CONICET.