



IV Congresso Brasileiro de Recursos Genéticos

Recursos genéticos no Brasil:
a base para o desenvolvimento sustentável

Centro de Convenções
Expo Unimed | Curitiba-PR

08 a 11
de novembro de 2016



CONTAGENS CROMOSSÔMICAS PARA NOVOS ACESSOS E ESPÉCIES *CUPHEA* COLETADAS NO BRASIL

Marisa Toniolo Pozzobon¹; ShirleyA. Graham²; Taciana Barbosa Cavalcanti¹

¹Embrapa Recursos Genéticos e Biotecnologia. ²Missouri Botanical Garden.*E-mail para correspondência: marisa.pozzobo@embrapa.br.

Cuphea P. Browne é o maior e mais complexo gênero da família Lythraceae, composta na maioria ervas perenes de regiões tropicais e subtropicais da América. Para a família com 28 gêneros e cerca de 600 espécies, $x=8$ é considerado o número cromossômico básico inicial. O número básico é um fator importante a ser considerado, a fim de auxiliar na compreensão dos mecanismos evolutivos que levam a diversificação das espécies em plantas. Dentro do gênero *Cuphea*, contagens cromossômicas indicam que as variações no número de cromossomos têm sido uma força significativa na especiação. Há uma grande variação nos números cromossômicos, alguns representam claramente séries poliplóide, mas outros são aneuploides, e diferindo em um ou mais números de ambos, o diploide ou estado poliploide. O objetivo do presente trabalho foi determinar o número de cromossomos em uma grande amostra de espécies e acessos de *Cuphea* do sudeste do Brasil, especialmente entre as espécies em que a ampla variação na morfologia dificulta sua circunscrição taxonômica. O material para a análise, inflorescências jovens, foi coletado diretamente no campo. As contagens cromossômicas realizadas através da análise de células meióticas usando para tal, técnica usual de fixação e coloração. Trinta e cinco acessos foram examinados, incluindo espécies de ambos os subgêneros e de cinco dos 13 seções. Um total de 12 espécies foram contadas, com quatro espécies reportadas pela primeira vez. As novas contagens ampliam a variação no número de cromossomos conhecidos em oito dos doze espécies. Números cromossômicos variaram de $2n=14$ a $2n=36$. O principal resultado foi a observação de que a poliploidia e aneuploidia através da perda ou ganho de cromossomos é uma característica constante do gênero.

Palavras-chave: Citogenética; meiose; Lythraceae.

Agradecimentos: ao CNPq e EMBRAPA.