

POLIMORFISMOS NA REGIÃO 5' UTR DO GENE *NRAMP1* EM EQUINOS DA RAÇA PANTANEIRA

Oliveira F.S.¹, Walker C.C.², Santos S.³, Juliano R.S.³, Egito A. A.^{4*}

¹Bolsista DTI CNPq

²Universidade Federal de Mato Grosso do Sul, Campo Grande, MS

³EMBRAPA Pantanal, MS

⁴EMBRAPA Gado de Corte, Campo Grande, MS. *andrea.egito@embrapa.br

Palavras chaves:

Adaptabilidade

Patógenos intracelulares

Resistência inata

Sequenciamento

Resumo

Genes ligados a resposta imune podem apresentar alelos favoráveis relacionados à resistência inata que podem ser utilizados para fomentar a criação e o uso em programas de melhoramento genético de raças localmente adaptadas. O gene *NRAMP1* (Natural Resistance Associated Macrophage Protein 1) foi identificado em várias espécies animais e está relacionado à resistência natural a patógenos intracelulares. Este trabalho teve por objetivo avaliar, via sequenciamento, polimorfismos existentes na região 5' não traduzida (UTR) deste gene. Foram amplificadas 39 amostras de DNA de equinos da raça Pantaneira, mediante a utilização dos *primers* HNR2R e I1ENRR. Um fragmento de 194pb foi amplificado e sequenciado. Suas sequências foram editadas e alinhadas a uma sequência referência pelo programa *SeqScap*[®]. Foram identificados cinco SNPs distintos na amostra avaliada, sendo esses: -38 (C/T); -45 (G/A); -57 (C/T); -67 (G/A) e -113 (C/T), o que indica uma alta variabilidade desta região. Estudos futuros serão conduzidos visando associar os alelos observados com a adaptabilidade desta raça e sua resistência a doenças.

Agradecimentos: À Embrapa e ao CNPq.