

رسی فراوانی پورین های Ompk35 و Ompk36 در سویه های کلبسیلاپنومونیه تولیدکننده بتالاکتاماز و فاقد بتالاکتاماز

پگاه شکیبا¹، نورخدا صادقی فرد^{2*}، محمدرضا ذوالفقاری¹، سبحان غفوریان²، عباس
ملکی²، رضا محبی²، رضا رنجبر³

- (1) گروه میکروبیولوژی، دانشکده علوم پایه، دانشگاه آزاد اسلامی واحد قم
- (2) مرکز تحقیقات میکروب شناسی بالینی، دانشگاه علوم پزشکی ایلام
- (3) مرکز تحقیقات بیولوژی مولکولی، دانشگاه علوم پزشکی بقیه الله تهران

تاریخ دریافت: 89/6/29

تاریخ پذیرش:

90/9/16

چکیده

مقدمه: کلبسیلاپنومونیه پاتوژن فرصت طلبی است که امروزه به عنوان یکی از مهم ترین باکتری های دخیل در عفونت های بیمارستانی است و سبب بیماری های مختلفی مانند عفونت دستگاه ادراری، سپتی سمی، پنومونی و عفونت های داخل شکمی در بیماران بستری در بیمارستان می گردد. در این مطالعه به بررسی بیان پورین های غشای خارجی در کلبسیلاپنومونیه و ارتباط آن با آنزیم های بتالاکتاماز وسیع الطیف پرداخته شد.

مواد و روش ها: ایزوله های باکتری با روش های مرسوم آزمایشگاهی شناسایی شدند. برای شناسایی سویه های تولیدکننده آنزیم بتالاکتاماز وسیع الطیف، حساسیت سویه ها به آنتی بیوتیک های بتالاکتام سفتازیدیم، سفوتاکسیم، سفتریاکسون، سفپودوکسیم، آزوترونام اندازه گیری شد. سویه های تولیدکننده آنزیم های بتالاکتاماز با طیف گسترده با استفاده از دیسک های ترکیبی، سفتازیدیم/کلاولانیک اسید، سفوتاکسیم/کلاولانیک اسید، سفپودوکسیم/کلاولانیک اسید تأیید شدند. در مرحله بعد با استفاده از PCR و SDS-PAGE وجود و بیان این پورین ها در سویه های کلبسیلاپنومونیه تولید کننده بتالاکتاماز و فاقد بتالاکتاماز بررسی شد.

یافته های پژوهش: در بین ایزوله ها، 42/30 درصد با

روش های تأییدی PCR حاوی ESBL بودند. مقایسه بیان پورین های بتالاکتاماز وسیع الطیف (ESBL)، پورین OmpK35 و OmpK36 در سویه های تولید کننده ESBL و فاقد ESBL، به تعداد مساوی از آن ها انتخاب و مشاهده شد که بیان پورین های OmpK35 و OmpK36 در سویه های دارای ESBL به ترتیب 54/54 درصد و 72/72 درصد است، در حالی که

مقدمه

کلبسیلاپنومونیه پاتوژن فرصت طلبی است که امروزه به عنوان یکی از مهم ترین باکتری های دخیل در عفونت های بیمارستانی شناخته می شود و سبب بیماری های مختلفی مانند عفونت دستگاه ادراری، سپتی سمی، پنومونی و عفونت های داخل شکمی در بیماران بستری در بیمارستان می گردد، (21). عفونت های کلبسیلا در خارج از بیمارستان کمتر دیده می شود، (21). این ارگانیزم به دلیل

پلاسمیدهای کدکننده

بتالاکتامازهای وسیع الطیف (ESBL) Extended Spectrum (Beta Lactamases)، به تعدادی از آنتی بیوتیک ها از جمله سفالوسپورین های وسیع الطیف مقاوم شده اند. از این رو درمان عفونت های ناشی از این باکتری علی رغم آسان بودن راه های شناسایی آن با شکست روبرو می شود. تولید

بتالاکتامازهای وسیع الطیف Extended Spectrum (Spectrum Beta Lactamases) با استفاده قبلی از آنتی بیوتیک ها مرتبط می باشد، (3،12،21).

بتالاکتامازهای

وسیع الطیف در کلبسیلاپنومونیه اولین بار در سال 1983 در آلمان شناخته شدند، (21). امبر این آنزیم ها را براساس تشابه توالی و مکانیسم های کاتالیتیک به چهار گروه اصلی شامل کلاس های A، B، C و D تقسیم

کردند، (6). کلاس های A، C و D که در مکانیسم فعالیتشان یک سرین در جایگاه فعال خود دارند، در حالی که بتالاکتامازهای کلاس B به کاتیون های دو ظرفیتی (zn+2) برای

هیدرولیز بتالاکتام نیاز دارند. آنزیم های بتالاکتاماز در تقسیم بندی دیگری توسط بوش، جاکوبی، و مدیروس براساس پروفایل سوبسترا، ممانعت کنندگی و خصوصیات فیزیکی نظیر وزن مولکولی، نقطه ایزوالکتریک، به چهار گروه 1 تا 4 طبقه بندی شده اند، (21).

نمونه های بالینی کلبسیلاپنومونیه بیشتر دارای بتالاکتامازهای وسیع الطیف TEM و SHV می باشند که متعلق به گروه دو بتالاکتامازها بر طبق تقسیم بندی بوش، جاکوبی، مدیروس و مطابق با گروه بندی امبر در کلاس A قرار دارند، (2،17). این

آنزیم ها در اصل موتانت های TEM-1، TEM-2 و SHV-1 هستند. امروزه بیش از 90

تیپ TEM و بیش از 25 تیپ SHV وجود دارد. تیپ های TEM و SHV بتالاکتامازهای وسیع الطیف

اغلب در اشریشیاکلی و کلبسیلاپنومونیه وجود دارند. برای مثال TEM-1 در کلبسیلا و بسیاری از سویه های دیگر، به تنهایی یا همراه با SHV-1 انتشار یافته است. (2)

اپیدمیولوژی مقاومت ناشی از

بتالاکتاماز وسیع الطیف هدف چندین پروژه

شود، (4،11،15،18). پورین های غشا خارجی کلبسیلاپنومونیه در حفاظت در مقابل چالش کشندگی با گونه های همولوگ یا مشابه، در فعال سازی سیستم کمپلمان، در اکتساب آهن و در تراوایی برای عوامل آنتی میکروبی درگیر می شوند. در مقایسه با باکتری های همانند اشریشیاکلی، در مورد OMP های کلبسیلاپنومونیه کمتر مطالعه شده است، (10). ژن پورین های اصلی کلبسیلاپنومونیه Ompk36 و Ompk35 کروموزوم قرار داد و در صورت ورود پلاسمید حاوی آنزیم های بتالاکتاماز وسیع الطیف به سویه ها و ایجاد موتاسیون از بیان این پورین ها جلوگیری می شود. پس با ورود ترانسپوزون ها به داخل ژن Ompk36، این ژن به خوبی بیان و پورین تولید نمی شود، (19). در این مطالعه به بررسی فراوانی پورین های Ompk35 و Ompk36 در ایزوله های کلبسیلاپنومونیه تولید کننده ESBL و فاقد ESBL پرداخته شد.

مواد و روش ها

جداسازی و تشخیص باکتری: نمونه های بالینی از بیمارستان های امام خمینی (ره)، قائم و مصطفی خمینی شهر ایلام و بیمارستان میلاد تهران انجام شد. در این مطالعه 52 سویه کلبسیلاپنومونیه از عفونت های مجاری ادراری جداسازی شدند. کلیه سویه ها با استفاده از روش های استاندارد

بوده است. تحقیقاتی که در طول سال های 1987-1991 انجام شده است، نشان می دهند که مقاومت به سفنازیدیم از 1 درصد در سال های 1987-1989 به 40 درصد در 1990-1991 رسیده است. در مطالعه ای که در نیویورک انجام شده است نشان می دهد که 16 درصد کلبسیلاپنومونیه های جدا شده به سفنازیدیم مقاوم بودند. در کلبسیلاپنومونیه پلی ساکارید کپسولی، LPS، و برخی پروتئین های غشای خارجی (OMP) تعیین کننده بیماری زایی هستند، اما نقش پورین های کلبسیلاپنومونیه در مقاومت آنتی بیوتیکی تاکنون به طور دقیق بررسی نشده است، (1). یک خانواده از این OMPs، پورین ها هستند که در مقادیر بالایی در غشای خارجی حضور دارند و همه پورین های شناخته شده به لحاظ ساختاری، مجموعه ای از 3 بتابارل موازی هستند که هر یک از آن ها، حاوی یک زنجیره پلی پپتید منفرد باشند، (8). پورین های اصلی کلبسیلاپنومونیه OmpK35 و OmpK36 هستند که OmpK35 شبیه OmpF در باکتری اشریشیاکلی است که بیان آن در شرایط اسمولاریته بالا کاهش می یابد در حالی که OmpK36 مشابه OmpC در اشریشیاکلی است، که در شرایط اسمولاریته بالا که معمولاً به وسیله غلظت های بالای نمک ایجاد می شوند، بیان می

تشخیصی و بیوشیمیایی
تائید شدند.
جداسازی باکتری های تولید بتالاکتاماز: جدا سازی باکتری های تولید کننده آنزیم بتالاکتاماز با استفاده از روش دیسک دیفیوژن (Kirby-Baure) صورت گرفت. دیسک های تهیه شده از شرکت هایمدیا به شرح زیر می باشند: سفزازیدیم (30µg)، سفودوکسیم (30µg)، سفتریاکسون (30µg) و آزترونام (30µg). بعد از 24 ساعت انکوباسیون در 37 درجه سانتی گراد، نتایج آنتی بیوگرام با استفاده از جدول استاندارد قرائت گردید. (NCCLS, Wayne, PA 1998)

تست تائیدی فنوتیپی: در این روش کلیه سویه های مقاوم به آنتی بیوتیک های بتالاکتام مورد استفاده در مرحله قبل مورد آزمایش قرار گرفتند. هدف از این آزمایش جداسازی سویه های

کننده آنزیم ESBL بود. دیسک های مورد استفاده در این مرحله، سفزازیدیم/کلاوولانیک اسید، سفوتاکسیم کلاوولانیک اسید، سفپودوکسیم/کلاوولانیک اسید (تهیه شده از شرکت های مدیا) بودند. بعد از انکوباسیون در 37 درجه سانتی گراد به مدت 24 ساعت چنانچه قطر هاله عدم رشد در حضور دیسک های ترکیبی در مقایسه با دیسک سفسالوسپورین ها 5 میلی متر یا بیشتر باشد به عنوان سویه تولید کننده ESBI مدنظر قرار می گیرند.

بررسی پورین های Ompk35 و Ompk36: با استفاده از روش واکنش پلیمرازی و جدکننده این پورین ها در سویه کلبسیلاپلومونیه تائید شد. توالی پرایمرهای مورد استفاده در جدول شماره 1 نشان داده شده است.

در مرحله بعد ایزوله های باکتری بر روی محیط نوترینت برات (عصاره گوشت، پپتون پروتئاز) به مدت 18 ساعت انکوبه شدند و هنگام

جدول شماره 1. توالی پرایمرهای مورد استفاده در روش PCR

primers	Sequence of primers	Size of amplicon
Ompk35	F: 5-ATGGCGACACCAGCAGCGAC - 3 R: 5-CGTAGCCGATGGACGGACGC - 3	717 bp
Ompk36	F: 5-ACAACGGTCGTGGCGCTCTG - 3 R: 5- ACCGCGCTGCGAGTGAAAT-3	512 bp

رسیدن باکتری به فاز لگاریتمی سوسپانسیون باکتری با دور 10000 g به مدت 20 دقیقه سانتریفوژ گردید و رسوب را در 20

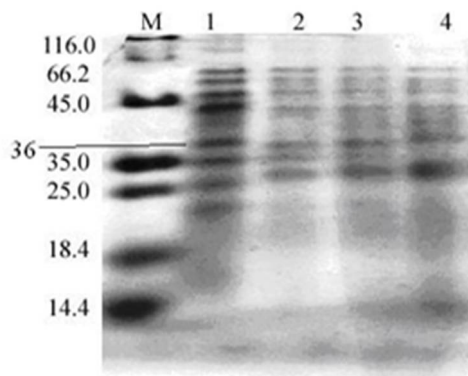
مورد نظر در دمای 4 درجه سانتی گراد به مدت یک ساعت سانتریفیوژ گردید و مایع رویی جدا شد. سپس به رسوب آب مقطر اضافه کرده و بدین ترتیب پروتئین های غشایی خارجی جداسازی شدند. در مرحله بعد با SDS-PAGE وجود پورین ها مورد بررسی قرار گرفتند. (22)

به طور کلی باند 35KD و 36KD در ژل SDS برای همه سویه ها (جز یک مورد) مشاهده شد که نشان دهنده بیان این پورین ها در اکثر سویه های فاقد بتالاکتاماز وسیع الطیف (NON-ESBL) می باشد. اما در میان 22 سویه تولیدکننده آنزیم بتالاکتاماز وسیع الطیف (ESBL)، 12 سویه فقط پورین Ompk35 را بیان کردند و 16 سویه نیز فقط پورین Ompk36 را بیان نمودند، (شکل شماره 1). به طور کلی بیان پورین های Ompk35 و Ompk36 در سویه های تولید کننده آنزیم بتالاکتامازهای وسیع الطیف (ESBL) به ترتیب 54/54 درصد و 72/72 درصد بود. اما بیان این پورین ها (Ompk35 و Ompk36) در سویه هایی که فاقد آنزیم بتالاکتاماز وسیع الطیف (ESBL) بودند، به ترتیب 95/45 درصد و 100 درصد بود. با روش PCR مشخص گردید همه سویه های کلبسیلاپنومونیا دارای ژن های Ompk35 و Ompk36 هستند.

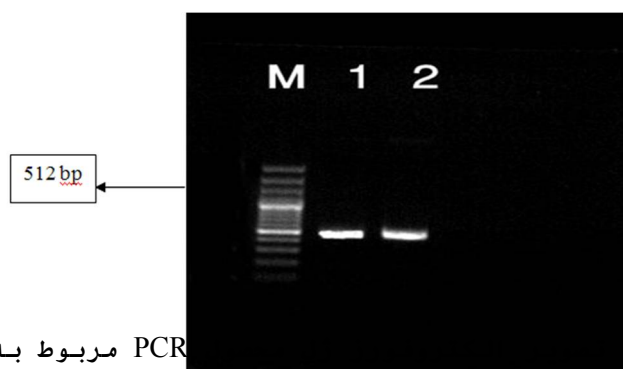
میلی لیتر Tris-Mg حل گردید. سپس سونیکاسیون سلول های شناور به مدت 15 ثانیه انجام گرفت. در ادامه با سانتریفیوژ محلول به مدت یک ساعت در دمای 4 درجه سانتی گراد، و رسوب را در محلول لوریل سدیم 2 درصد به میزان 10 میلی لیتر حل گردید. در مرحله بعد محلول به دست آمده به مدت 30 دقیقه در دمای اتاق نگهداری شد. مجدداً محلول یافته های پژوهش

در این بررسی به ترتیب 46/15 درصد، 21/15 درصد، 21/15 درصد، 42/30 درصد، 42/30 درصد از سویه ها به سفتازیدیم سفوتاکسیم و سفتریاکسون و سفپودوکسیم و آزوترونام، مقاوم بودند. از میان سویه هایی که مقاوم به یکی از سفالوسپورین های نسل سوم و آزوترونام بودند، با تست های تائیدی فنوتیپی (با استفاده از دیسک های ترکیبی) مشخص شد که از میان 52 ایزوله، 30 مورد تولیدکننده ESBL و 22 مورد فاقد ESBL هستند.

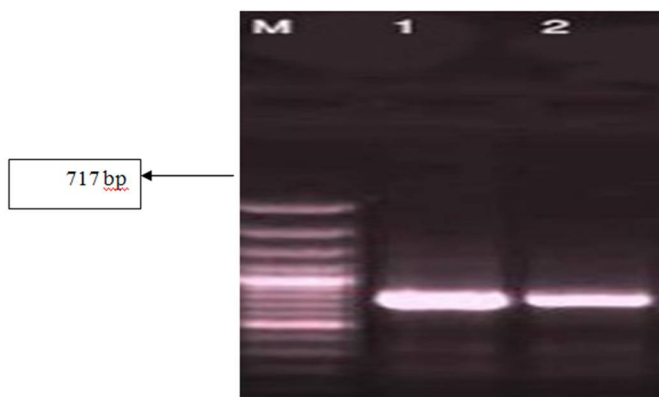
جهت مقایسه بیان پورین ها در سویه های تولیدکننده ESBL و سویه های فاقد ESBL به تعداد مساوی از این سویه ها انتخاب گردید. در بین 22 سویه فاقد آنزیم بتالاکتاماز وسیع الطیف مورد آزمایش، تمامی سویه ها به جز یک مورد هر دو پورین Ompk35 و Ompk36 را بیان کردند (یک مورد فقط Ompk36 را بیان نمود).



شکل شماره 1. تصویر SDS-PAGE ژل پروتئین های غشاء خارجی ایزوله های کلبسیلاپنومونیه ردیف M: مارکر (SM0431)
 ردیف 1 و 2 : سویه های تولید کننده هر دو پورین Ompk35 و Ompk36
 ردیف 3 و 4 : سویه های تولید کننده پورین Ompk36



شکل شماره 2 PCR مربوط به ژن Ompk36
 ردیف M: مارکرمولکولی 100 جفت بازی
 ردیف 1 : سویه کلبسیلاپنومونیه دارای ESBL
 ردیف 2 : سویه کلبسیلاپنومونیه فاقد ESBL



شکل شماره 3. تصویر ژل الکتروفورز محصول PCR مربوط به ژن Ompk35

ردیف M: مارکر مولکولی 100 جفت بازی

ردیف 1: سویه کلبسیلاپنومونیه دارای ESBL

ردیف 2: سویه کلبسیلاپنومونیه فاقد ESBL

بحث و نتیجه گیری

پورین ها در کنش متقابل محیط خارجی و باکتری ها نقش اساسی را ایفا می کنند و در مقادیر زیادی در غشای خارجی باکتری های گرم منفی حضور دارند. از پورین های غشاء خارجی می توان به OmpC و OmpF در اشریشیاکلی و سایر انتروباکتریاسه ها اشاره نمود. در این تحقیق وجود دو پورین Ompk35 و Ompk36 با روش SDS-PAGE بررسی گردید. این پورین ها در مقادیر زیادی از سویه کلبسیلاپنومونیه بدون در نظر گرفتن منبع جداسازی آن ها، یافت می شوند. نام اغلب پروتئین های غشای خارجی در کلبسیلاپنومونیه بر گرفته از وزن مولکولی

آن ها می باشد، مانند Ompk35 و Ompk36 و Ompk37. از جمله نقش هایی که برای پورین های اصلی کلبسیلاپنومونیه در نظر گرفته شده است کمک به نفوذپذیری نسبت به آنتی بیوتیک های از جمله سفتازیدیم و سفوتاکسیم می باشد. در این باکتری با ورود پلاسمیدهای کدکننده آنزیم بتالاکتاماز وسیع الطیف (ESBL) شاهد مقاومت آنتی بیوتیکی به ویژه به آنتی بیوتیک های بتالاکتام هستیم. در واقع در این باکتری پس از ورود

پلاسمیدهای کدکننده ESBL، موتاسیون در سکانس ژنی این پورین ها ایجاد می شود که از بیان آن ها جلوگیری می کند. در صورت عدم بیان این پورین ها (Ompk35 و Ompk36) به مقاومت سویه ها در برابر آنتی بیوتیک های بتالاکتام کمک قابل توجهی می نماید، زیرا همان طور که اشاره شد در تراوایی آنتی بیوتیکی دخالت دارند. بنا بر این فراوانی تولید این پورین ها را در سویه های حساس و سویه های مقاوم با بتالاکتاماز را مورد بررسی قرار گرفت. در این تحقیق مشاهده شد که سویه های کلبسیلاپنومونیه دارای ESBL، Ompk36 بیشتر از Ompk35 بیان می نمایند و در سویه های فاقد ESBL نسبت به سویه های تولیدکننده ESBL این پورین ها بیشتر بیان می شوند. در میان سویه های فاقد ESBL تنها یک سویه یافت شد که Ompk35 را بیان نکرد و تمامی سویه ها Ompk36 را بیان کردند. در سویه های تولیدکننده ESBL تنها یک سویه فاقد هر دو پورین مشاهده شد. در بررسی هایی هم که در سال 1999 توسط مارتینز و همکاران در دانشگاه سویل بر روی پورین Ompk36 و مقاومت به کاربام ها و سفالوسپورین ها انجام دادند، به این نتیجه رسیدند که عدم بیان پورین ها از جمله Ompk36 به

مقاومت آنتی بیوتیکی سویه های دارای آنزیم های TEM و SHV کم می کند و یا این که فقدان پورین همراه آنزیم AmpC باعث افزایش مقاومت به آگزامینو بتالاکتام ها می شود، (18). در سال 2007 در کره جنوبی لی و همکاران در بررسی روی 42 نمونه اظهار کردند که کاهش حساسیت به ایمی پنم در میان سویه های کلبسیلا پنومونیه به خاطر حضور پلاسمید AmpC و کاهش بیان پورین های Ompk36 و Ompk35 می باشد، (13). در مطالعه گولمز و همکاران در ترکیه در بررسی ایزوله های اشریشیاکلی و کلبسیلا پنومونیه دارای OXA-48 مشاهده نمودند که بیان پورین ها متوقف می شود و نتیجه گرفتند که به این نتیجه رسیدند که سویه های جدا شده دارای مقاومت بالا به کاربایم ها بوده و پورین های اصلی را بیان نمی کنند، (9). هرناندز نیز در مطالعه خود در بررسی ارتباط بین تغییر غشای خارجی و حساسیت به عوامل ضد میکروبی در میان سویه های

کلبسیلا پنومونیه دریافت افزایش MIC برای آمینوگلیکوزیدها، فلوروکوئینولون ها، تتراسایکلین و کلرامفنیکل در سویه هایی که نقص در پورین پیدا نمودند، مشاهده نشد، اما MIC نسبت به آمپی سیلین، سفالوتین، سفوکسیتین، سفوتاکسیم و سفتازیدیم برای سویه هایی که نقص در پورین مشاهده شد که نتیجه گرفتند نقص در پورین فاکتوری برای افزایش مقاومت به عوامل ضد میکروبی نیست اما همراه با تولید بتالاکتامازها باعث افزایش مقاومت به آنتی بیوتیک های بتالاکتام می شود، (15). بنا بر این، با توجه به نتایج این مطالعه و مقایسه با نتایج مطالعات گذشته که به مواردی از آن ها اشاره شد، همواره در سویه های تولیدکننده ESBL فراوانی تولید پورین های اصلی کلبسیلا پنومونیه (Ompk35 و Ompk36) کمتر از سویه های فاقد ESBL می باشد.

References

- 1-Albertí S, Rodríguez-Quiñones F, Schirmer T, Rummel G, Tomás JM, Rosenbusch JP, et al. A Porin from klebsiella pneumoniae: Sequence homology, three-dimensional model, and complement binding. *Infect Immun* 1995; 63:903-10.
- 2-Carmen Conejo M, Hernández R, Pascual Á. Effect of porin loss on the activity of tigecycline against Klebsiella pneumoniae producing extended-spectrum β -lactamases

- or plasmid-mediated AmpC-type β -lactamases. *Diagnostic Microbiology Infectious Disease* 2008;61:343-5.
- 3-Corvec S, Caroff N, Cosano D. Increased resistance to β -lactams in a Klebsiella pneumoniae strain: role of a deletion downstream of the pribnow box in the bla shv-1 promoter. *Int J Antimicrobial Agents* 2006;28:308-12.
- 4-Doménech-Sánchez A, Martínez-Martínez L, Hernández-Allés S, del Carmen

- Conejo M, Pascual A, Tomás JM, et al. Role of klebsiella pneumoniae OmpK35 Porin in Antimicrobial Resistance. *Antimicrob Agents Chemother* 2003;47:3332-5.
- 5-Dutzler R, Rummel G, Albertí S, Hernández-Allés S, Phale P, Rosenbusch J, et al. Crystal structure and functional characterization of OmpK36, the nosmoporin of klebsiella pneumoniae. *Structure* 1999;7:425-34.
- 6-Fahd K, Isabel C, Timothy G. Molecular analysis of beta-lactamase structure and function. *Int J Med Microbiol* 2002;292:127-37.
- 7-Fukigai S, Alba J, Kimura S. Nosocomial outbreak of genetically related IMP-1 β -lactamase-producing *Klebsiella pneumoniae* in a general hospital in Japan. *Int J Antimicrobial Agents* 2007;29:306-10.
- 8-Georg E. The structure of bacterial outer membrane proteins. *Biochimica Biophysica Acta* 2002;1565:308-17.
- 9-Gülmez D, Woodford N, Palepou M, Mushtaq S. Carbapenem-resistant *Escherichia coli* and *Klebsiella pneumoniae* isolates from turkey with OXA-48-like carbapenemases and outer membrane protein loss. *Int J Antimicrobial Agents* 2008;31:523-6.
- 10-Hernandez S, Albert S, Jose Gil. Porin expression in clinical isolates of *Klebsiella pneumoniae*. *Microbiology* 1999;145:673-9.
- 11-Hernández-Allés S, Conejo M, Pascual A. Relationship between outer membrane alterations and susceptibility to antimicrobial agents in isogenic strains of *Klebsiella pneumoniae*. *J Antimicrobial Chemotherapy* 2000;46:273-7.
- 12-K. Poole. Resistance to β -lactam antibiotics, *CMLS* 2004;2200-223.
- 13-Lee K, Yong D, Choi Y. Reduced imipenem susceptibility in *Klebsiella pneumoniae* clinical isolates with plasmid-mediated CMY-2 and DHA-1 β -lactamases co-mediated by porin loss. *Int J Antimicrobial Agents* 2007;29:201-6.
- 14-Martínez-Martínez L, Pascual A, Hernández-Allés S, et al. Roles of β -Lactamases and porins in activities of carbapenems and cephalosporins against *Klebsiella pneumoniae*. *Antimicrob Agents Chemother* 1999;43:1669-73.
- 15-Ngoc Nguyen T, Samuelson P. Chromosomal sequencing using a PCR-based biotin-capture method allowed isolation of the complete gene for the outer membrane protein A of *Klebsiella pneumoniae*. *Gene* 1998;210:93-101.
- 16-Podschun R and U. Ullmann. *Klebsiella* spp as nosocomial pathogens: epidemiology, taxonomy, typing methods, and pathogenicity factors. *Clin Microbiol Rev* 1998;11:589-603.
- 17-Essack SY, Hall LM, Livermore DM. *Klebsiella pneumoniae* isolate from south africa with multiple TEM, SHV and β -lactamase. *Int J Antimicrob Agents* 2004;23:398-400.
- 18-Škopková M, Siebor E, Rovná D. Outer membrane protein profiles of clonally related *Klebsiella pneumoniae* isolates that differ in cefoxitin resistance. *FEMS Microbiology Letters* 2005;243:197-203.
- 19-Song W. In vivo selection of carbapenem-resistant *Klebsiella pneumoniae* by OmpK36 loss during meropenem treatment. *Diagnostic Microbiology and Infectious Disease* 2009;65:447-9.
- 20-Soo Parka Y, Yoob S, Seoc M, Kima J. Risk factors and clinical features of infections caused by plasmid-mediated AmpC β -lactamase-producing enterobacteriaceae. *Int J Antimicrobial Agents* 2009;34:38-43.
- 21-Urbanb C. *Klebsiella* and extended spectrum β -lactamases. *Int J Antimicrobial Agents* 1999;8:2045-60.
- 22-Vicente BJ, Luis MM. Outer Membrane Profiles of Clonally Related *Klebsiella pneumoniae*. *Methods Mol Med* 2001;48:189-197.

Frequency of Ompk35 And Ompk36 in Strains of Klebsiella Pneumonia Producing Extended Spectrum Beta-lactamases And Non-extended Spectrum Beta-lactamases

Shakib P¹, Sadeghifard N^{*2}, Zolfaghary M.R¹, Gafouryan S², Maleki A², Mohebi R², Ranjbar R³

(Received: 20 Sep. 2010

Accepted: 7 Dec. 2011)

Abstract

Introduction: Klebsiella pneumonia is a major nosocomial pathogen causing pneumonia, urinary tract infections, and bacteremia, particularly in immune-compromised patients. The aim of our study was expression of OMPK36 and OMPK35 in ESBLs production and non-ESBLs K.pneumoniae.

Materials & Methods: Clinical isolates of K.pneumoniae were identified. ESBLs were assayed by Phenotypic (screening and confirming) and genotypic (PCR) methods. OMPK35 and OMPK36 were tested by polymerase chain reaction and SDS- PAGE.

Findings: Our findings showed that 42.3% of K.pneumoniae were ESBLs positive. Twenty-two K.pneumoniae producing ESBLs and Twenty-two non-ESBLs K.pneumoniae were selected for porines detection. We found out that 54.54% and 72.72% of K.pneumoniae producing

ESBLs were positive for Ompk35 and Ompk36 respectively, while our findings in non-ESBLs K.pneumoniae showed that 95.94% and 100% of isolates were positive for Ompk35 and Ompk36, respectively.

Discussion & Conclusion: Many of clinical isolates of non- ESBL K. pneumoniae had expressed both Ompk35 and Ompk36 porins, while our results in ESBLs positive K.pneumoniae had only showed expression of Ompk36. A few of non-ESBLs and ESBLs K.pneumoniae were found as negative for both OMPK35 and OMPK36. Our findings released that lack of porins in K.pneumoniae are defined as an antibiotic- resistant mechanism in many isolates.

Keywords: ESBLs (Extended spectrum beta-lactamases), Ompk35, Ompk36

1. Dept of Microbiology, Faculty of Basic Sciences, Islamic Azad University of Qom, Qom, Iran

2. Clinical Microbiology Research Center, Ilam University of Medical Sciences, Ilam, Iran

3. Molecular Biology Research Center, Baqiyatallah University of Medical Sciences, Tehran, Iran

*(corresponding author)