

PROGRAMA CIENTÍFICO

Jueves, 9 de Febrero de 2012

Sesión 1: Proteómica Cuantitativa (10:00-11:30h) 25

- **Nuevas herramientas para nuevos retos en proteómica cuantitativa 27**
Antonio Serna Sanz - ABSciex
- **Caracterización del secretoma asociado a metástasis de cáncer colorrectal mediante SILAC utilizando el sistema celular KM12 28**
Marta Mendes, Rodrigo Barderas, María López-Lucendo, Roi Villar-Vázquez, Tamar San Hipólito-Marín, Alberto Peláez, Rubén A. Bartolomé, Sofía Torres, Ignacio Casal
- **Estudio comparativo del secretoma de condrocitos articulares humanos analizados mediante las técnicas iTRAQ e SILAC 29**
Valentina Calamia, Jesús Mateos, Patricia Fernández-Puente, Lucía Lourido, Beatriz Rocha, Carolina Fernández, Cristina Ruiz-Romero, Francisco J. Blanco
- **DIRECT DETECT - Sistema revolucionario para la cuantificación de biomoléculas 30**
Javier Sánchez-García – Merck Millipore
- **El análisis proteómico del interactoma intracelular revela que las tetraspaninas modulan el repertorio de proteínas que forman parte de los exosomas de linfocitos T humanos 31**
Daniel Pérez-Hernández, Inmaculada Jorge, María Yáñez-Mo, Mónica Sala-Valdés, M^a Ángeles Ursa, Francisco Sánchez-Madrid, Jesús Vázquez
- **Validación por SRM de marcadores de la actividad TGF- β en CSF de pacientes con glioma 32**
Núria Colomé, Gerard Folch, M^a Ángeles Artaza, Luna Martín, Marta Monge, Ricardo Gonzalo, Joan Seoane, Francesc Canals

Café y Pósters (11:30-12:00h)

Sesión 2: Modificaciones Post-traduccionales (12:00-13:00h) 33

- **Efecto de la activación linfocitaria sobre el fosfoproteoma del linfocito T primario humano: estudio mediante marcaje isotópico y espectrometría de masas 35**
Vanessa Casas, Marina Gay, Montserrat Carrascal, Emilio Gelpí, Joaquín Abián
- **Análisis molecular de la ubiquitinación de RIG-I en el contexto de la infección por el virus Influenza 36**
Rocío Daviña Núñez, Matthias Budt, Thorsten Wolff

- **El preconditionamiento isquémico induce cambios en las proteínas de la fosforilación oxidativa y atenúa el daño oxidativo durante la isquemia-reperfusión por mecanismos independientes de la señalización citosólica** 37

Pilar Caro, Pablo Martínez-Acedo, Estefanía Núñez, Elisabet Miró-Casas, Raquel Mesa, Marisol Ruiz-Meana, David García-Dorado, Jesús Vázquez

- **Proteomics through integrated MALDI and ESI** 38

Marcus Macht, Arnd Ingendoh, Arndt Asperger, Andrea Kiehne, Detlev Suckau, Michael Becker, Peter Hufnagel – Bruker Daltonics

Sesión 3: Arrays de proteínas, análisis de datos y biología de sistemas (13:00-14:00h) 39

- **Construcción de microarrays de proteínas a partir de genotecas de expresión para el estudio de la interfase molecular garrapata-hospedador** 41

Verónica Díaz-Martín, Raúl Manzano-Román, Manuel Fuentes, Ana Oleaga, Eduardo de la Torre, Ana Hernández, Ricardo Pérez-Sánchez

- **¿Puedo confiar en mis experimentos de SRM?** 42

Pedro Navarro, Lucía Espona Pernas, Hannes Röst, Lars Malmström, Ruedi Aebersold

- **Análisis cuantitativo en profundidad del proteoma de células de músculo liso vascular tratadas con angiotensina II** 43

Fernando J. García-Marqués, Elena Bonzón Kulichenko, Jesús Vázquez

- **El modelado matemático en el estudio de mecanismos de señalización celular: Apoptosis inducida por interferón de tipo I** 44

Irene Otero-Muras, Joerg Stelling

Comida y pósters (14:00-15:30h)

Sesión 4: Proteómica Biomédica (15:30-18:00h) 45

- **Descubrimiento de Biomarcadores Mediante Estrategias Multi-ómicas** 47

Jaume Morales – Agilent Technologies

- **Papel de NFkB como posible biomarcador en el desarrollo de Cáncer de pulmón en pacientes previamente diagnosticados de EPOC** 49

M Dolores Pastor, Ana Nogal, Sonia Molina, Ricardo Menéndez, Eduardo Márquez, M. José de Miguel, Amancio Carnero, Luis Paz-Ares

- **Determinación del perfil proteico diferencial de líquido sinovial de pacientes con artrosis y artritis reumatoide mediante nanoLC acoplada a MALDI-TOF/TOF** 50

Jesús Mateos, Lucía Lourido, Patricia Fernández-Puente, Valentina Calamia, Carlos Fernández-López, Natividad Oreiro, Cristina Ruiz-Romero, Francisco Blanco García

- **Análisis proteómico de exosomas de orina humana en la búsqueda de marcadores de nefropatía diabética** 51
Irene Zubiri, A. Benito-Martin, E. Calvo, M. Posada, M. Martin-Lorenzo, F. De la Cuesta, J.A. Lopez, M. G. Barderas, B. Fernandez-Fernandez, A. Ramos, A. Ortiz, F. Vivanco, G. Alvarez-Llamas
- **Caracterización por proteómica del tejido muscular esquelético como órgano endocrino** 52
Arturo Roca-Rivada, Jana Alonso, Omar Al-Massadi, Cecilia Castelao, Lucía L Senín, Luisa M Seoane, Felipe F Casanueva, María Pardo
- **Aproximación a la patogenia de la aterosclerosis. Análisis del secretoma de arterias humanas sanas y con distintos grados de afección** 53
Fernando de la Cuesta, María G. Barderas, Enrique Calvo, Irene Zubiri, Aroa S. Maroto, Verónica M. Darde, Tatiana Martín-Rojas, Félix Gil-Dones, María Posada, Teresa Tejerina, Juan A. Lopez, Fernando Vivanco, Gloria Álvarez-Llamas
- **DISC-1 regula la expresión del neuropéptido antidepresivo VGF en neuronas** 54
Adriana Ramos, Carmen R.Seoane, Isaac Rosa, Jana Alonso, Verian Bader, Carsten Korth, Ángel García, Jesús R. Requena
- **Validación de un nuevo método de extracción proteica de tejidos fijados en formalina e incluidos en bloques de parafina** 55
Teresa Rodriguez-Rigueiro, Manuel Valladares-Ayerbes, Mar Haz-Conde, Moisés Blanco, Guadalupe Aparicio, Patricia Fernández-Puente, Francisco J. Blanco, M^a Jose Lorenzo, Luis A. Aparicio y Angélica Figueroa
- **Uso de la técnica de MALDI-Imaging para la caracterización de un modelo murino en estudios de enfermedad celíaca** 56
Sebastián Trejo, Silvia Bronsoms, Fernando Trejo, Yolanda Sanz, Xavier Avilés
- **Targeted MS quantification assays for signal transduction protein pathways** 57
Michaela Scigelova - Thermo Fisher Scientific

Viernes, 10 de Febrero de 2012

- Sesión 5: Proteómica de Microorganismos y Parásitos (9:30-11:00)** 59
- **Proteoma de la superficie endotelial de la vena porta en ratones infectados con *Schistosoma bovis*** 61
Eduardo de la Torre-Escudero, Luz Valero, Ana Hernández-González, Verónica Díaz-Martín, Raúl Manzano-Román, Ricardo Pérez-Sánchez, Ana Oleaga
- **Evaluación de la variabilidad de la expresión proteica en poblaciones de *Perkinsus Olseni*, protozoo parásito de moluscos marinos, mediante electroforesis bidimensional y espectrometría de masas** 62
Sergio Fernández, Antonio Villalba, Asunción Cao

- **Proteómica aplicada a la mejora de nuevos procesos industriales en *Corynebacterium glutamicum*: Producción de ácidos dicarboxílicos** 63
Carlos Barreiro, María Fernanda Vasco, Miriam Martínez-Castro, Juan Francisco Martín
- **Caracterización de un proteoma mínimo: *Mycoplasma genitalium*** 64
Noemí Párraga-Niño, Nuria Colomé, Francesc Canals, Enrique Querol, Mario Ferrer-Navarro
- **Inmunoproteómica de la respuesta a la infección sistémica en ratón con una cepa de *Saccharomyces cerevisiae* procedente de suplementos dietéticos** 65
Carolina Hernández-Haro, Silvia Llopis, Lucía Monteoliva, Concha Gil, María Molina

Café y Pósters (11:00-11:30h)

Sesión 6: Proteómica Vegetal y Animal (11:30-13:30h) 67

- **Análisis del proteoma del exudado estigmático** 69
Juan David Rejón, François Delalande, Christine Schaeffer-Reiss, Krzysztof Zienkiewicz, Juan de Dios Alché, María Isabel Rodríguez-García, Alain Van Dorsselaer, Antonio J. Castro
- **Caracterización del proteoma de las envolturas interna y externa de cloroplasto de *Pisum sativum*** 70
Elain F. Gutierrez-Carbonell, Giuseppe Lattanzio, Jorge Rodriguez-Celma, Daniela Duy, Julia Kehr, Katrin Philippar, Ana Flor López-Millán, Javier Abadía
- **Aislamiento y caracterización de proteínas implicadas en la meiosis de arroz** 71
Melania Collado-Romero, Pilar Prieto
- **Disección del metabolismo de la baya de vid durante el desarrollo mediante las técnicas de proteómica cuantitativa DIGE e iTRAQ** 72
María José Martínez Estesó, María Teresa Vilella, Juan Casado Vela, Susana Selles Marchart, María Ángeles Pedreño, Roque Bru
- **Increasing the System Peak Capacity of LC-MS/MS Work-Flows for Qualitative and Quantitative Protein Profiling by Incorporating Ion Mobility Separations** 73
Robert Tonge, Mark McDowall, James Langridge, Tim Riley, Scott Geromanos – Waters Corporation
- **Activación de las calpaínas en la glándula mamaria tras el destete: Identificación mediante proteómica de nuevas dianas** 74
Iván Ferrer-Vicens, Teresa Arnandis, Concha García, Estefanía Fernández, Elisa Alonso-Yuste, Elena R García-Trevijano, Luís Torres, Juan R Viña, Rosa Zaragoza
- **Proteómica para la identificación de biomarcadores en estudios medioambientales** 75
Eduardo Chicano-Gálvez, Ricardo Fernández-Cisnal, Inmaculada Osuna-Jiménez, Amalia Vioque-Fernández, Nieves Abril, José Alhama, José Luis Gómez-Ariza, Juan López-Barea, Carmen Pueyo