



## XXXV SALÃO de INICIAÇÃO CIENTÍFICA

6 a 10 de novembro

<b>Evento</b>	Salão UFRGS 2023: SIC - XXXV SALÃO DE INICIAÇÃO CIENTÍFICA DA UFRGS
<b>Ano</b>	2023
<b>Local</b>	Campus Centro - UFRGS
<b>Título</b>	Identificação e classificação dos fatores de transcrição MYB reguladores de antocianina em <i>Psidium cattleianum</i> (Myrtaceae)
<b>Autor</b>	THIAGO DIAS DA SILVEIRA
<b>Orientador</b>	ANDRÉIA CARINA TURCHETTO ZOLET

*Psidium cattleianum* (Myrtaceae), conhecido popularmente como araçá-rosa, é uma árvore frutífera nativa do Brasil que ocorre ao longo de toda a costa atlântica, especialmente na parte sul do país. Dentre os compostos bioquímicos presentes no araçá, as antocianinas têm chamado a atenção de pesquisadores nos últimos anos. Estudos recentes indicam que a ingestão de alimentos com alta concentração de antocianinas podem ajudar na prevenção de doenças cardiovasculares e neurodegenerativas. Logo, a biossíntese das antocianinas tornou-se um tópico importante a ser estudado. Tal biossíntese é regulada por uma sequência de fatores, incluindo a atuação dos fatores de transcrição MYB. Os objetivos dessa pesquisa são identificar os membros da família de genes MYB presentes no genoma do araçá, classificar estes genes em seus determinados grupos e encontrar quais desses MYBs atuam como reguladores na biossíntese de antocianinas. Inicialmente, foram utilizadas as ferramentas BLASTP e HMMER para fazer uma busca por MYBs no genoma do araçá. Desta busca original, foram tabelados 293 genes para análise posterior. Os genes foram examinados e os que apresentavam domínio característico MYB foram encaminhados para o alinhamento, onde seus domínios foram analisados novamente, com o propósito de confirmar quais genes pertenciam ao grupo 2R-MYB. De 293 genes encontrados na busca inicial, 144 foram confirmados como 2R-MYB e encaminhados para a etapa final que consistia na montagem de uma filogenia. Para essa filogenia, foram utilizados genes 2R do araçá e de outras 6 espécies que já tiveram estudos correlacionando os MYBs com as antocianinas. Como o projeto ainda não está terminado, resultados finais ainda não foram obtidos. Entretanto, conseguimos encontrar como resultados parciais a confirmação da existência de 144 genes do grupo 2R-MYB, assim como uma filogenia completa, onde é possível identificar os MYBs 2R devidamente divididos nos subgrupos previamente encontrados na literatura.