

« Pour maigrir, faisons de la bile / To lose weight, let us make bile »

Pascal Ferré

M/S : médecine sciences, vol. 22, n° 4, 2006, p. 363-365.

Pour citer ce document, utiliser l'information suivante :

URI: <http://id.erudit.org/iderudit/012807ar>

DOI: 10.7202/012807ar

Note : les règles d'écriture des références bibliographiques peuvent varier selon les différents domaines du savoir.

Ce document est protégé par la loi sur le droit d'auteur. L'utilisation des services d'Érudit (y compris la reproduction) est assujettie à sa politique d'utilisation que vous pouvez consulter à l'URI <https://apropos.erudit.org/fr/usagers/politique-dutilisation/>

Érudit est un consortium interuniversitaire sans but lucratif composé de l'Université de Montréal, l'Université Laval et l'Université du Québec à Montréal. Il a pour mission la promotion et la valorisation de la recherche. Érudit offre des services d'édition numérique de documents scientifiques depuis 1998.

Pour communiquer avec les responsables d'Érudit : info@erudit.org



ment réactive d'oxoferryl [Fe(IV)O], qui peut hydroxyler la méthyl-lysine ; la déméthylation produit alors du formaldéhyde. Les premières histone déméthylases de ce type caractérisées sont JHMD1A (FBXL11) et JHMD1B (FBXL10) qui déméthylent spécifiquement la lysine 36 de l'histone H3 sous sa forme mono- ou di-méthylée, mais pas sous sa forme tri-méthylée [13].

Alors que la découverte des premières histone déméthylases représente une avancée majeure dans la biologie de la chromatine et de l'épigénétique, elle soulève également de nombreuses questions. La méthylation des arginines peut être le résultat d'une induction hormonale, mais si leur déméthylation est associée à l'apparition d'une citrulline, comment une nouvelle induction peut-elle avoir lieu ? La citrulline constitue-t-elle une nouvelle marque du code histone ? Les amine oxidases (environ 20 membres) et les protéines à domaine

JmjC (environ 70 membres) répondent en termes de nombre à la complexité de la méthylation des lysines contrôlée par plus de 70 protéines à motif méthyl-transférase spécifique (le domaine SET). Toutefois, aucune protéine capable de déméthyliser les tri-méthyl-lysines n'a encore été identifiée, bien que la réaction d'hydroxylation des groupes méthyles en soit théoriquement capable. Et si la méthylation des histones est aussi dynamique, quels sont les mécanismes responsables de l'héritabilité de l'organisation de la chromatine et de son maintien au cours des mitoses successives ? ♦

Histone demethylation unravelled ?

RÉFÉRENCES

1. Strahl BD, Allis CD. The language of covalent histone modifications. *Nature* 2000 ; 403 : 41-5.
2. Jenuwein T, Allis CD. Translating the histone code. *Science* 2001 ; 293 : 1074-80.
3. Ray-Gallet D, Gérard A, Polo S, Almouzni G. Variations sur le thème du « code histone ». *Med Sci (Paris)* 2005 ; 21 : 384-9.
4. Byvoet P, Shepherd GR, Hardin JM, Noland BJ. The distribution and turnover of labelled methyl groups in histone fractions of cultured mammalian cells. *Arch Biochem Biophys* 1972 ; 148 : 558-67.
5. Saccani S, Natoli G. Dynamic changes in histone H3 Lys 9 methylation occurring at tightly regulated inducible inflammatory genes. *Genes Dev* 2002 ; 16 : 2219-24.
6. Cuthbert GL, Daujat S, Snowden AW, et al. Histone deimination antagonizes arginine methylation. *Cell* 2004 ; 118 : 545-53.
7. Wang Y, Wysocka J, Sayegh J, et al. Human PAD4 regulates histone arginine methylation levels via demethyliminium. *Science* 2004 ; 306 : 279-83.
8. Shi Y, Lan F, Matson C, et al. Histone demethylation mediated by the nuclear amine oxidase homolog LSD1. *Cell* 2004 ; 119 : 941-53.
9. Forneris F, Binda C, Vanoni MA, et al. Human histone demethylase LSD1 reads the histone code. *J Biol Chem* 2005 ; 280 : 41360-5.
10. Shi Y, Matson C, Lan F, et al. Regulation of LSD1 histone demethylase activity by its associated factors. *Mol Cell* 2005 ; 19 : 857-64.
11. Metzger E, Wissmann M, Yin N, et al. LSD1 demethylates repressive histone marks to promote androgen-receptor-dependent transcription. *Nature* 2005 ; 437 : 436-9.
12. Trewick SC, McLaughlin PJ, Allshire RC. Methylation : lost in hydroxylation? *EMBO Rep* 2005 ; 6 : 315-20.
13. Tsukada Y, Fang J, Erdjument-Bromage H, et al. Histone demethylation by a family of JmjC domain-containing proteins. *Nature* 2006 ; 439 : 811-6.
14. Kubicek S, Jenuwein T. A crack in histone lysine methylation. *Cell* 2004 ; 119 : 903-6.

NOUVELLE

Pour maigrir, faisons de la bile

Pascal Ferré

> L'obésité est devenu un problème majeur de santé publique lié entre autres à la multitude des complications qu'elle engendre (par exemple, le diabète de type 2). Son développement est la conséquence de variations rapides et récentes de l'environnement nutritionnel et social. D'un point de vue énergétique, les causes de l'obésité sont simples. Si l'on a stocké des calories sous forme d'acides gras dans le tissu adipeux, c'est que, pendant une période plus ou moins longue, les apports caloriques (alimentation) ont dépassé les dépenses. Les dépenses peuvent être schématiquement divisées en une partie incompressible (métabolisme de base)

liée au fonctionnement obligatoire de nos cellules, et une partie variable, dépendante de paramètres comme l'absorption de nourriture (thermogenèse post-prandiale), l'activité physique et l'adaptation aux conditions climatiques. Si l'on veut maigrir, il faut donc jouer sur l'un ou l'autre des plateaux de la balance énergétique, les entrées ou les sorties.

Augmenter l'activité physique se révèle pour la plupart des obèses très difficile. Peut-on alors envisager d'augmenter « artificiellement » la dépense énergétique (maigrir en regardant son émission préférée...) ? Dans la cel-

Inserm U671,
Université Pierre et Marie Curie, Paris 6,
Centre Biomédical des Cordeliers,
15, rue de l'École de Médecine, 75270 Paris Cedex 06, France.
pferré@bhdc.jussieu.fr

lule, la production d'énergie chimique sous forme d'ATP s'effectue dans la chaîne respiratoire des mitochondries. La chaîne respiratoire oxyde les coenzymes réduits provenant de l'utilisation des substrats énergétiques (Figure 1) et pompe des protons à l'extérieur de la matrice mitochondriale. L'énergie créée par le gradient de protons sert ensuite à synthétiser de l'ATP (la monnaie énergétique cellulaire) à partir d'ADP, grâce à l'ATP synthase qui peut être considérée comme un dissipateur du gradient de protons puisqu'elle permet

le retour des protons dans la matrice mitochondriale. Il existe un couplage très étroit entre l'activité de la chaîne respiratoire et la synthèse d'ATP. L'ATP ne peut se former que si la chaîne respiratoire fonctionne et crée un gradient de protons. La chaîne respiratoire ne peut fonctionner que si de l'ADP est transformé en ATP, en d'autres termes uniquement lorsque l'ATP ayant été consommé, il a engendré de l'ADP. Donc pour maigrir, il faut consommer beaucoup d'ATP, comme lors d'un exercice musculaire, afin d'oxyder des substrats. Et si l'on pouvait « découpler » le système chaîne respiratoire/synthèse d'ATP ? Il existe un système naturel de découplage dans les mitochondries d'un tissu adipeux particulier, le tissu adipeux brun, localisé en général autour des grosses artères et au niveau interscapulaire. Très riche en mitochondries, il possède des vacuoles lipidiques multiloculaires. Dans ce tissu, une protéine spécifique appelée UCP1 (*uncoupling protein 1*) insérée dans la membrane mitochondriale permet aux protons de rentrer dans la matrice

(Figure 1) [1]. La chaîne respiratoire fonctionne alors en oxydant les cofacteurs réduits provenant de la β -oxydation des acides gras, sans produire d'ATP mais en convertissant l'énergie chimique en chaleur. Ce système est effectivement spécialisé dans la production de chaleur et on le retrouve en général chez les jeunes mammifères (y compris chez le nouveau-né humain) chez lesquels le rapport surface/volume rend difficile le maintien de l'homéostasie thermique. Le tissu adipeux brun disparaît chez l'adulte sauf chez les rongeurs et les mammifères hibernants. Ce découplage naturel est activé par le système sympathique en cas de stress lié au froid. Les hormones thyroïdiennes le stimulent également et l'on peut souligner que l'activation sympathique augmente dans le tissu adipeux brun l'expression d'une 5'-désiodinase de type 2 qui convertit la thyroxine (T4) en tri-iodothyronine (T3) active. Dans un article publié dans *Nature* [2], le groupe de J. Auwerx met en évidence une manière totalement inattendue d'activer le découplage mitochondrial dans le

tissu adipeux brun de rongeurs, en utilisant un acide biliaire ajouté à la nourriture des animaux. Les acides biliaires – acide cholique et acide désoxycholique – sont des dérivés amphiphiles du cholestérol qui peuvent être conjugués à la taurine ou à la glycine. Ils sont produits par l'hépatocyte et déversés dans la bile. Ils solubilisent le cholestérol dans l'hépatocyte favorisant son élimination dans la bile et par ailleurs permettent la dégradation par les lipases des triglycérides alimentaires en formant avec ceux-ci des émulsions stables dans la lumière intestinale. Environ 95 % des acides biliaires déversés dans l'intestin sont ré-absorbés au niveau iléal et peuvent être réutilisés (cycle entéro-hépatique). Leur production est contrôlée par le récepteur nucléaire FXR (*farnesoid X receptor*). Lorsque ce récepteur est activé par les acides biliaires [3], cela entraîne l'expression d'un répresseur (SHP, *small heterodimer partner*) de la transcription des enzymes intervenant dans leur synthèse [4].

Dans cet article, les auteurs ont étudié des souris qui consomment un régime riche en graisse. Elles grossissent par rapport à des animaux consommant le régime habituel riche en glucides complexes, et leur tissu adipeux est hypertrophié. L'ajout de 0,5 % (poids) d'acide cholique au régime riche en graisse entraîne une élévation d'un facteur quinze des concentrations circulantes d'acide cholique et de ses dérivés et annule la prise de poids de ces souris malgré une prise alimentaire identique. Leur consommation d'oxygène est plus élevée, ce qui reflète une augmentation des dépenses énergétiques. Leur tissu adipeux brun est effectivement activé : diminution des réserves lipidiques, augmentation de l'expression de la protéine découplante UCP1, des enzymes de l'oxydation des acides gras et de la surface des crêtes mitochondriales. Un agoniste spécifique du récepteur nucléaire FXR ajouté au régime ne peut reproduire ces effets et aucune expression de ce récepteur n'est d'ailleurs

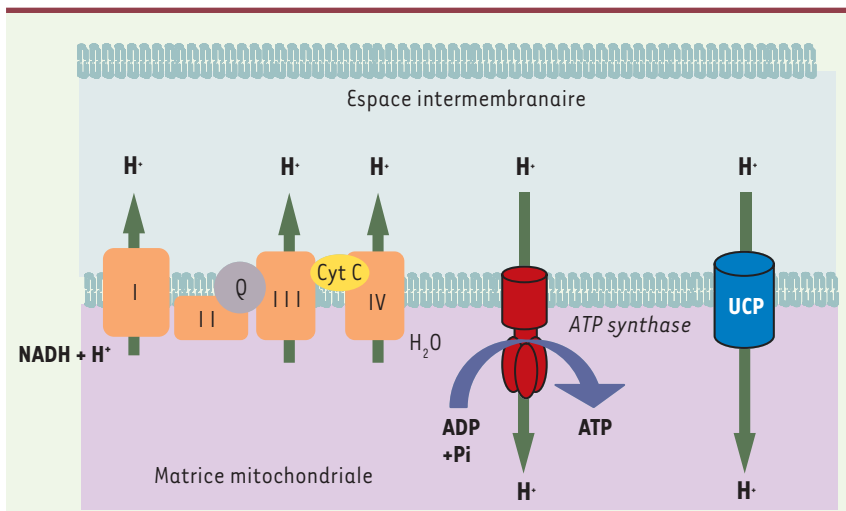


Figure 1. Chaîne respiratoire mitochondriale et protéine découplante. L'oxydation des coenzymes réduits et le cheminement des électrons à travers les quatre complexes de la chaîne respiratoire aboutissent à la réduction de l'oxygène moléculaire et s'accompagnent de l'éjection de protons dans l'espace intermembranaire. Ce gradient de protons est utilisé par l'ATP synthase pour synthétiser l'ATP. La protéine découplante (UCP), en assurant le passage des protons dans la matrice, permet le découplage entre la production d'ATP et le fonctionnement de la chaîne respiratoire. Q : coenzyme Q ; Cyt C : cytochrome C.

détectée dans le tissu adipeux brun. Les auteurs démontrent que l'acide biliaire se lie en fait à un récepteur membranaire couplé aux protéines G (TGR5) [5], ce qui favorise la production d'AMPc, induit l'expression de la iodothyronine désiodinase de type 2 et stimule ainsi par l'intermédiaire de la T3 l'activité thermogénique du tissu adipeux brun. Contrairement aux rongeurs, l'homme adulte ne possède pas de tissu adipeux brun. Les auteurs démontrent cependant que dans des cultures primaires de

myoblastes humains, les acides biliaires activent la iodothyronine désiodinase de type 2 et stimulent la consommation d'oxygène. On ne peut en l'occurrence impliquer ici la protéine UCP1, absente du muscle. Il est cependant très bien établi que les hormones thyroïdiennes augmentent la thermogénèse en diminuant l'efficacité métabolique (découplage mitochondrial), bien que les mécanismes cellulaires sous-jacents fassent encore l'objet de nombreuses recherches [6]. Les hormones

thyroïdiennes font maigrir mais leurs effets secondaires (nervosité, troubles digestifs, troubles cardiaques...) sont trop divers pour qu'elles soient utilisées comme outil anti-obésité. Le mécanisme décrit chez les rongeurs, augmentation de la thermogénèse par les acides biliaires, pourrait être néanmoins pertinent chez l'homme dans le cadre d'une action anti-obésité, par l'intermédiaire de modifications locales et modérées de la concentration de T3.

Quelle pourrait être la signification physiologique des effets périphériques des acides biliaires? La majorité des acides biliaires arrivant par la veine porte après leur ré-absorption intestinale est captée par le foie. Cependant, après un repas, leur concentration périphérique augmente de façon significative et ils pourraient alors « avertir » les organes périphériques de la disponibilité en nutriments et être en partie responsable de la thermogénèse post-pandiale. ♦

To lose weight, let us make bile

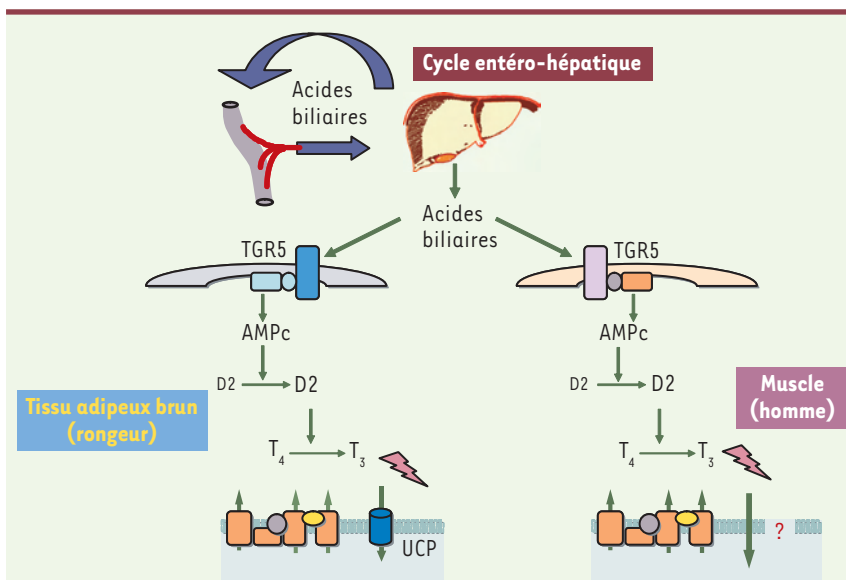


Figure 2. Acides biliaires et dissipation de l'énergie. Selon l'article de Watanabe *et al.*, une partie des acides biliaires provenant de la réabsorption intestinale après un repas échappe à la capture hépatique. Chez les rongeurs, ils se lient à un récepteur couplé aux protéines G (TGR5) situé sur la membrane plasmique des adipocytes bruns. La production d'AMPc stimule l'expression d'une iodothyronine désiodinase de type 2 qui augmente les concentrations intracellulaires de T3. Celles-ci stimulent alors le découplage mitochondrial par l'intermédiaire de l'UCP et la dissipation d'énergie sous forme de chaleur. Chez l'homme, un système identique pourrait permettre la dissipation de l'énergie dans les cellules musculaires par un mécanisme dépendant de l'hormone thyroïdienne T3, mais différent du système UCP et non encore totalement élucidé.

RÉFÉRENCES

1. Rousset S, Alves-Guerra MC, Mozo J, *et al.* The biology of mitochondrial uncoupling proteins. *Diabetes* 2004 ; 53 : S130-5.
2. Watanabe M, Houten SM, Matakai C, *et al.* Bile acids induce energy expenditure by promoting intracellular thyroid hormone activation. *Nature* 2006 ; 439 : 484-9.
3. Makishima M, Okamoto AY, Repa JJ, *et al.* Identification of a nuclear receptor for bile acids. *Science* 1999 ; 284 : 1362-5.
4. Lu TT, Makishima M, Repa JJ, *et al.* Molecular basis for feedback regulation of bile acid synthesis by nuclear receptors. *Mol Cell* 2000 ; 6 : 507-15.
5. Kawamata Y, Fujii R, Hosoya M, *et al.* A G Protein-coupled receptor responsive to bile acids. *J Biol Chem* 2003 ; 278 : 9435-40.
6. Lanni A, Moreno M, Lombardi A, Goglia F. Thyroid hormones and uncoupling proteins. *FEBS Lett* 2003 ; 543 : 5-10.

ILLUSTRATIONS DES ARTICLES (vignettes) : p. 374 : triple hélice d'ADN (photo Sheng Sun-Jian - © Photothèque Inserm) - p. 381 : adipocytes en culture (photo Michel Depardieu - © Photothèque Inserm) - p. 389 : image IRM d'une résection de gliome infiltrant de bas grade (© photo Hugues Duffau) - p. 396 : cellules nerveuses (photo Pascal Dournaud - © Photothèque Inserm) - p. 405 : laboratoire des filovirus P4 Inserm Jean Mérieux (© photo Viktor Volchkov) - p. 411 : atteinte rénale de la maladie de Fabry (© photo Jean-Pierre Grünfeld) - p. 416 : carcinome basocellulaire (© photo Nicole Basset-Seguain) - p. 423 : muqueuse du duodénum chez l'homme (photo Rafael Oriol - © Photothèque Inserm) - p. 430 : Gregor Mendel - p. 434 : la mort de Napoléon.