

23

**ESTUDIO DE LOS POLIMORFISMOS GENETICOS DE LOSGENES CYP1A1
y GSTM1 EN RELACION AL CANCER ORAL Y PRECANCER**

CARRICA A, GALINDEZ F, UNAMUNO V, DON J, BARRA J, SECCH DI,
BRUNOTTO D, ZARATE A*

Facultad de Odontología -Universidad Nacional de Cordoba- Argentina

OBJETIVOS: Estudiar las variantes polimórficas de los genes CYP1A1 y GSTM1, involucrados en la activación (Fase I) o la detoxificación (Fase II) de los carcinógenos del tabaco, en relación a precáncer y cáncer oral.

MÉTODOS: Estudio transversal, de pacientes (n=75), mayores de 18 años, ambos géneros, atendidos en la Cátedra de Estomatología "A", Facultad de Odontología, UNC, con diagnóstico: cáncer oral (CO), líquenes planos orales (LOP), leucoplasias orales (LKO); los controles (Con) fueron pacientes con ausencia de lesiones relacionadas a cáncer oral. Los datos clínicos, medioambientales y de hábitos fueron registrados mediante Historia Clínica. Para estudios genéticos se extrajo ADN de citologías exfoliativas de los pacientes (Zarate et al, 2013) para identificación de polimorfismos de CYP1A1 y GSTM1, por PCR convencional. La asociación entre variables fue evaluada por análisis de correspondencia. Trabajo aprobado por Comité de Ética e Investigación del Adulto- Hospital Córdoba- Nº 1378.

RESULTADOS: Gen CYP1A1: Se encontró genotipo homocigota m1/m1 (variante normal) en 66 % de CO, 75% en LKO, en 47%, de LOP y 61% de Con. Gen GSTM1: se encontró genotipo no null (variante normal) en 68% de CO, 69% de LKO, 56% LOP, Con 61%. Sin embargo, no se encontró asociación significativa entre las variantes polimórficas estudiadas y riesgo de cáncer o precáncer oral.

CONCLUSIONES: Nuestras observaciones coinciden con resultados obtenidos en estudios de poblaciones caucásicas. Es bien sabido que existe una relación de los polimorfismos con diferencias étnicas y de distribución geográfica.

PALABRAS CLAVE: *Polimorfismos CYP1A1 y GSTM1, cáncer, precáncer*

23

**STUDY OF THE GENETIC POLYMORPHISMS OF THEGENES CYP1A1 and
GSTM1 IN RELATION TO ORAL CANCER AND PRECANCER**

CARRICA A, GALINDEZ F, UNAMUNO V, DON J, BARRA J, SECCH DI,
BRUNOTTO D, ZARATE A*

Facultad de Odontología -Universidad Nacional de Cordoba- Argentina

OBJETIVES: To study the polymorphic variants of the CYP1A1 and GSTM1 genes involved in the activation (Phase I) or detoxification (Phase II) of tobacco carcinogens, in relation to precancer and oral cancer.

METHODS: Cross-sectional study of patients (n = 75), older than 18 years old, both genders, attended at the "A" Stomatology Chair, Faculty of Dentistry, UNC, with diagnosis of: oral cancer (OC), oral lichen planus (OLP), oral leukoplakia (OLK); the controls (Con) were patients with absence of lesions related to oral cancer. Clinical, environmental and habit data were recorded using Clinical History. For genetic studies DNA exfoliative cytology was extracted from patients (Zarate et al, 2013) for identification of CYP1A1 and GSTM1 polymorphisms by conventional PCR. The association between variables was evaluated by correspondence analysis. This work was approved by Committee of Ethics and Research of Adult - Córdoba Hospital - Nº 1378.

RESULTS: CYP1A1 gene: homozygous genotype m1 / m1 (normal variant) was found in 66% OC, 75% in OLK, 47% in OLP and 61% in Con. GSTM1 gene: genotype not null (normal variant) was found in 68% OC, 69% OLK, 56% OLP, Con 61%. However no significant association among polymorphic variants and oral precancer and cancer was observed.

CONCLUSIONS: Our findings are similar with results observed in Caucasian populations. It is known that there is a relationship among polymorphisms, ethnics and geographic location.

KEY WORDS: *CYP1A1 and GSTM1 polymorphisms, cancer, pre-cancer*