

## ANÁLISIS DE ADULTOS DE *CLINOSTOMUM* SP. IDENTIFICADAS EN BASE A DATOS MOLECULARES, PARÁSITAS DE *ARDEA COCOI*

**Di Cesare, Luca<sup>1</sup>; Croci, Yasmín<sup>2</sup>; Jorge Barneche<sup>2</sup>; Hernán Povedano<sup>3</sup>; Marcelo Acosta<sup>4</sup>; Ferrari, Walter<sup>2</sup>; Montes, Martín M<sup>2</sup>; Plaul, Silvia E<sup>1</sup>; Martorelli, Sergio<sup>2</sup>.**

<sup>1</sup> Laboratorio de Histología y Embriología Descriptiva, Experimental y Comparada (LHYEDEC), Facultad de Ciencias Veterinarias, Universidad Nacional de La Plata, Av. 60 y 118 s/n. La Plata, Argentina <sup>2</sup> Centro de Estudios Parasitológicos y Vectores (CEPAVE), Consejo Nacional de Investigaciones Científicas y Técnicas, Universidad Nacional de La Plata (CONICET-UNLP), Calle 120 s/n e/ 60 y 64, La Plata, Argentina. <sup>3</sup> Universidad Nacional de La Plata, Facultad de Ciencias Naturales y Museo, División Ornitología, La Plata, Buenos Aires, Argentina. <sup>4</sup> Facultad de Humanidades y Ciencias, Ciudad Universitaria Santa FE RN 168 Km 0, Universidad Nacional del Litoral. E-mail: dicesare@fcv.unlp.edu.ar

Durante un estudio parasitológico de dos garzas (*Ardea cocoi*) provenientes de Magdalena (Buenos Aires) y el Rincón, Dpto. la Capital (Santa Fe) se encontraron en cavidad oral y esófago digeneos de la familia Clinostomidae. Ejemplares de dichos parásitos se guardaron en alcohol 96% para estudios moleculares y otros fueron conservados en formol para realizar tinciones y estudios morfológicos. Se secuenció el gen COI de 4 ejemplares, dos provenientes de cada provincia. Las secuencias obtenidas se editaron en el programa Geneious y a partir de secuencias de la familia Clinostomidae depositadas en el Genbank se construyó una matriz que se alineó en la plataforma online MAFFT. Con el programa MEGA X se calculó la distancia génica (p-value). El árbol filogenético se obtuvo con el programa MrBayes. Los ejemplares de Magdalena y uno de los ejemplares de Santa Fe no coinciden genéticamente con ninguna de las especies de *Clinostomum* sp. depositadas en el GenBank representando un nuevo linaje/especie. A su vez, uno de los ejemplares de Santa Fe es una identidad diferente a las anteriores y también representa un nuevo linaje/especie. Trabajos recientes, usando diversos marcadores moleculares mostraron una gran diversidad oculta en este género de digeneos en el mundo, con una gran cantidad de especies registradas y muchas otras por ser descubiertas de las que solo se conocen las secuencias obtenidas de metacercarias. En Argentina es la primera vez que se secuencian adultos de este género. Estudios genéticos que se basan en metacercarias de diferentes hospedadores del país están arrojando resultados promisorios y hacen suponer que en el futuro se podrán describir más especies de *Clinostomum* sp.

PALABRAS CLAVE: *Clinostomum* sp., *Ardea cocoi*, Argentina, COI, adultos

FINANCIAMIENTO: PIP 0015 otorgado por el CONICET

## METACERCARIAS DE DIGENEA EN *HYPHESSOBRYCON WAJAT* ALMIRÓN & CASCIOTTA, 1999 EN LA LAGUNA DEL PARQUE GENERAL MANUEL BELGRANO, SANTA FE

**Furlan, Exequiel O.<sup>1</sup>; Chemes, Silvina B.<sup>2</sup>; Scarabotti, Pablo A.<sup>2</sup>; Suárez, Carlos F.<sup>1</sup>**

<sup>1</sup> Estudiante de Licenciatura en Biodiversidad, Facultad de Humanidades y Ciencias (UNL), Ciudad Universitaria s/n°, Barrio El Pozo (SZ3000A) - SANTA FE. <sup>2</sup> Cátedra de Ecología, Dpto. Ciencias Naturales, Facultad de Humanidades y Ciencias (UNL), Ciudad Universitaria s/n°, Barrio El Pozo (SZ3000A) - Santa Fe. E-mail: exequiefurlan@gmail.com

Los ambientes acuáticos urbanos brindan servicios ecosistémicos valiosos tales como esparcimiento, provisión de agua y control de inundaciones. Sin embargo, muchos de estos servicios entran en riesgo debido a la falta de monitoreo y medidas de manejo que garanticen el mantenimiento de su integridad biológica. El Parque General Manuel Belgrano (PGMB) se encuentra ubicado en la zona sur de la ciudad de Santa Fe y posee una laguna aislada del riacho Santa Fe por un terraplén artificial. Este cuerpo de agua contiene una comunidad de unas 20 especies de peces, con una alta abundancia del pequeño carácido *Hyphessobrycon wajat*. Este trabajo tuvo como objetivo estudiar los ectoparásitos asociados a la población de *H. wajat* residente en la laguna del PGMB. Se examinaron 30 ejemplares capturados en mayo de 2018 (longitud estándar 35,07 ± 1,7 mm; peso promedio 0,93 ± 0,23 g), siendo el 40% hembras. Se procedió a una examinación exhaustiva bajo lupa de tegumento, aletas, boca, narinas y aparato branquial para la extracción de ectoparásitos asociados. Mediante técnicas de tinción y conservación se fijaron los helmintos extraídos y se identificaron taxonómicamente. El 100% de los peces solo presentó quistes en aletas y opérculos, con una abundancia media de infestación de 37,8 (± 20,8) parásitos/pez. Los quistes corresponderían a metacercarias de Digenea del género cf. *Acanthostomum* (Familia Acanthostomidae). Presentaron coloración traslúcida, una longitud promedio de 165 µm (± 17,5) y un ancho promedio de 128 µm (± 18,4). Estas metacercarias se caracterizan por una ventosa oral rodeada con un anillo bucal simple con un promedio de 22 espinas (± 2) y el acetábulo de menor tamaño. Este registro constituye el primer aporte a la parasitofauna asociada a *H. wajat* (Characidae), especie nativa y frecuente en ambientes leníticos de la región. Seguir analizando el parasitismo de los peces del PGMB resulta de vital importancia para comprender la integridad biológica de este cuerpo de agua.

PALABRAS CLAVE: ictioparásitos, Digenea, Characidae, *Hyphessobrycon wajat*.

FINANCIAMIENTO: Proyecto CAI+D 50120150100168LI, UNL y Programa de Becas de Iniciación a la Investigación para Estudiantes de Carreras de Grado (CIENTIBECA), UNL.