

**Caracterización citogenética de dos especies de *Eligmodontia* (Rodentia, Cricetidae, Sigmodontinae): identificación y descripción de NORs**

Buschiazzo, L.M.(1), Ojeda, A.A.(2), Novillo, A.A.(3), Ojeda, R.(2), Lanzone, C.(1).

(1) Laboratorio de Genética Evolutiva (LGE), Instituto de Biología Subtropical (IBS). CONICET-UNaM, Misiones. (2) Grupo de Investigaciones de la Biodiversidad (GIB), Instituto Argentino de Zonas Áridas (IADIZA). CCT-CONICET Mendoza. (3) Instituto de Biodiversidad Neotropical (IBN). CCT-CONICET Tucumán. leandro.buschiazzo@gmail.com

Dentro del género *Eligmodontia* se incluyen *E. moreni* y *E. puerulus*, especies hermanas que habitan biomas colindantes del Monte y Puna argentinos, respectivamente, y cuya cladogénesis reciente fue sustentada por análisis moleculares. Estudios previos mostraron que *E. moreni* presenta un complemento cromosómico único, con número diploide ( $2n$ ) de 52 y número fundamental (NFa) de 50, mientras que *E. puerulus* es cromosómicamente variable ( $2n= 31-37$ ; NFa= 48), debido a rearrreglos Robertsonianos. Sin embargo, ambos taxones fueron pobremente caracterizados con bandeos diferenciales. Entre éstos, la tinción con nitrato de plata ( $AgNO_3$ ) marca las proteínas de las regiones organizadoras nucleolares (NORs), y son marcadores útiles en estudios evolutivos. Estas regiones tienen un patrón fluorescente característico: DAPI negativo/CMA<sub>3</sub> positivo. Aquí caracterizamos citogenéticamente individuos de *E. puerulus* (N= 13) y *E. moreni* (N= 2), de diferentes poblaciones del noroeste argentino, mediante tinciones de  $AgNO_3$  y bandeo con fluorocromos base específicos (DAPI/CMA<sub>3</sub>). Buscamos identificar los pares cromosómicos portadores de NORs para profundizar el conocimiento de la evolución cromosómica de estas especies hermanas. *Eligmodontia puerulus* presentó regiones  $AgNO_3$  positivas en cinco pares cromosómicos, los cuales marcaron diferencialmente según el individuo analizado. Entre éstos, los bibraquiados 3 y 7 presentaron  $Ag$ -NORs, asociadas a constricciones secundarias, con patrón de bandas característico: DAPI negativo/CMA<sub>3</sub> positivo. En cambio, los restantes pares (acrotelocéntricos 11, 13 y 14) exhibieron regiones  $AgNO_3$  positivas DAPI positivas/CMA<sub>3</sub> negativas: un patrón de bandeo opuesto al esperado para NORs. Ambos ejemplares de *E. moreni* presentaron  $Ag$ -NORs en las constricciones de los pares 3 y 7, con el patrón fluorescente esperado. Estos resultados muestran fuentes adicionales de variabilidad en *E. puerulus*, que podrían ser NORs adicionales. Pero esto debe ser confirmado con FISH, ya que en algunos taxones existen secuencias que acumulan proteínas no siendo NORs. Esto indica una compleja evolución cromosómica y genómica de *E. puerulus*, no restringida a los rearrreglos Robertsonianos. Subsidiado por: PIP-CONICET 2015-0258. PICT N° 537, Agencia I+D+i.