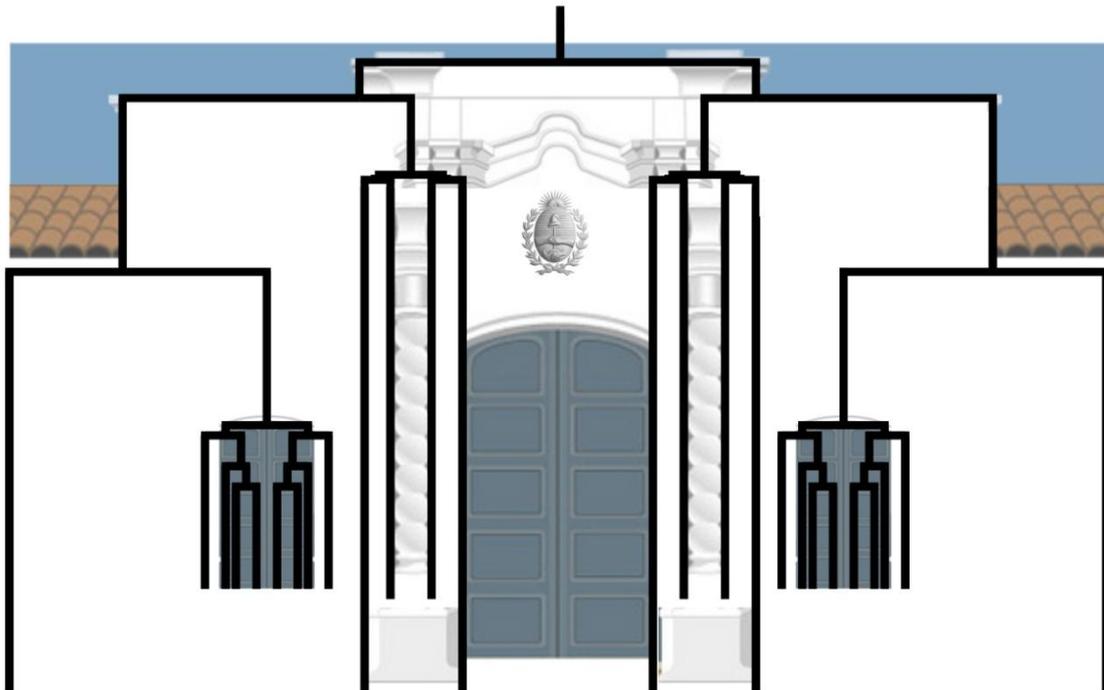

**LIBRO DE RESÚMENES XIII REUNIÓN
ARGENTINA DE CLADÍSTICA Y
BIOGEOGRAFÍA**

San Miguel de Tucumán, Tucumán, Argentina

8-10 de Abril de 2019



La tribu Rhodniini incluye a *Rhodnius* Stål y *Psammolestes* Bergroth. Evidencias enzimáticas, moleculares y morfométricas sugieren monofilia de la tribu y parafilia de *Rhodnius*. Sin embargo, no se han realizado análisis combinando marcadores moleculares y morfométricos. Hemos reanalizado la filogenia en Rhodniini, adicionado datos como medidas de las cabezas, configuraciones alares, y datos moleculares, en 12 terminales. Se utilizaron cuatro especies de Triatomini como grupos externos y ocho de Rhodniini. Se registraron configuraciones de coordenadas (x, y) del ala y 12 medidas de la cabeza. El alineamiento de las secuencias nucleotídicas de seis marcadores disponibles en GenBank se realizó con MUSCLE. Los análisis filogenéticos se ejecutaron con TNT 1.5 para la matriz combinada mediante 1000 réplicas, alternando el uso de algoritmos de búsqueda, en cada réplica. En estos análisis, las coordenadas se optimizaron con parsimonia, minimizando iterativamente las distancias entre posiciones de los puntos entre configuraciones consensos de ancestros y descendientes. Los análisis cladísticos en la matriz combinada, arrojaron un árbol de mínima longitud (L=2579,98 IC=0,86 IR=0,53). La topología del árbol con matriz combinada y el de datos moleculares, muestran parafilia de Rhodniini. El nodo *pictipes+brethesi* es soportado por morfometría de cabeza, 16S y COI. El nodo de Triatomini es soportado por dos caracteres de la cabeza, ala y 16S, 18S, cytb, y monofilia de *Psammolestes* por cabeza y ala. El nodo *neivai+prolixus+robustus+colombiensis* por morfometría alar, cabeza y 16S. Estos resultados contraponen la hipótesis de monofilia en Rhodniini y apoyan posibles eventos cladogénicos que ocasionaron la divergencia de estas especies.

Desenredando los agrupamientos en Anisembiidae (Embioptera)

Szumik, Claudia^{1*}; Verónica V. Pereyra¹; M. Laura Juárez¹

¹Unidad Ejecutora Lillo (CONICET – Fundación Miguel Lillo), Miguel Lillo 251, Tucumán, Argentina. szu.claudia@gmail.com

Del primer al último análisis cladístico publicado del Orden Embioptera, la familia Anisembiidae aparece como grupo monofilético. Sin embargo, la mitad de los géneros de Anisembiidae creados por Edward S. Ross – especialista del orden – aparecen para o polifiléticos (e.g. *Bulbocerca*, *Dactylocerca*, *Pelorembia*, *Stenembia*). Esta familia exclusivamente americana, contaba – a fines de los 90 – con un puñado de géneros (4-5) y alrededor de 40 especies. Entre el 2001 y 2004, Ross ya más cerca de los 100 que de los 90, publica en la revista de su museo (Occ. Papers of California Academy Science) seis compendios sobre embiópteros. Uno de ellos es una revisión de la familia Anisembiidae, donde describe alrededor de 70 especies y 15 géneros nuevos (la mitad de ellos monotípicos), como también, grupos, tribus y subfamilias. En este compendio es bien evidente una postura del especialista que estaría en conflicto con un principio básico en sistemática: lograr una clasificación estable; los agrupamientos deben estar sustentados por la evidencia. Como resultado de esta particular interpretación de Ross de la sistemática, este compendio incluye nuevos géneros creados para especies muy autapomórficas o el uso de la geografía política como criterio para redefinir grupos (e.g. *Anisembia* exclusiva de Texas, *Mesembia* exclusiva de Cuba). Por lo tanto, en este trabajo nos proponemos analizar la totalidad del grupo (aprox. 110 especies) y desenmarañar los agrupamientos de Ross en un contexto filogenético.

Filogenia de *Astyanax* (Characiformes: Characidae)

Terán, Guillermo^{1*}; Mauricio Benitez²; J. Marcos Mirande¹