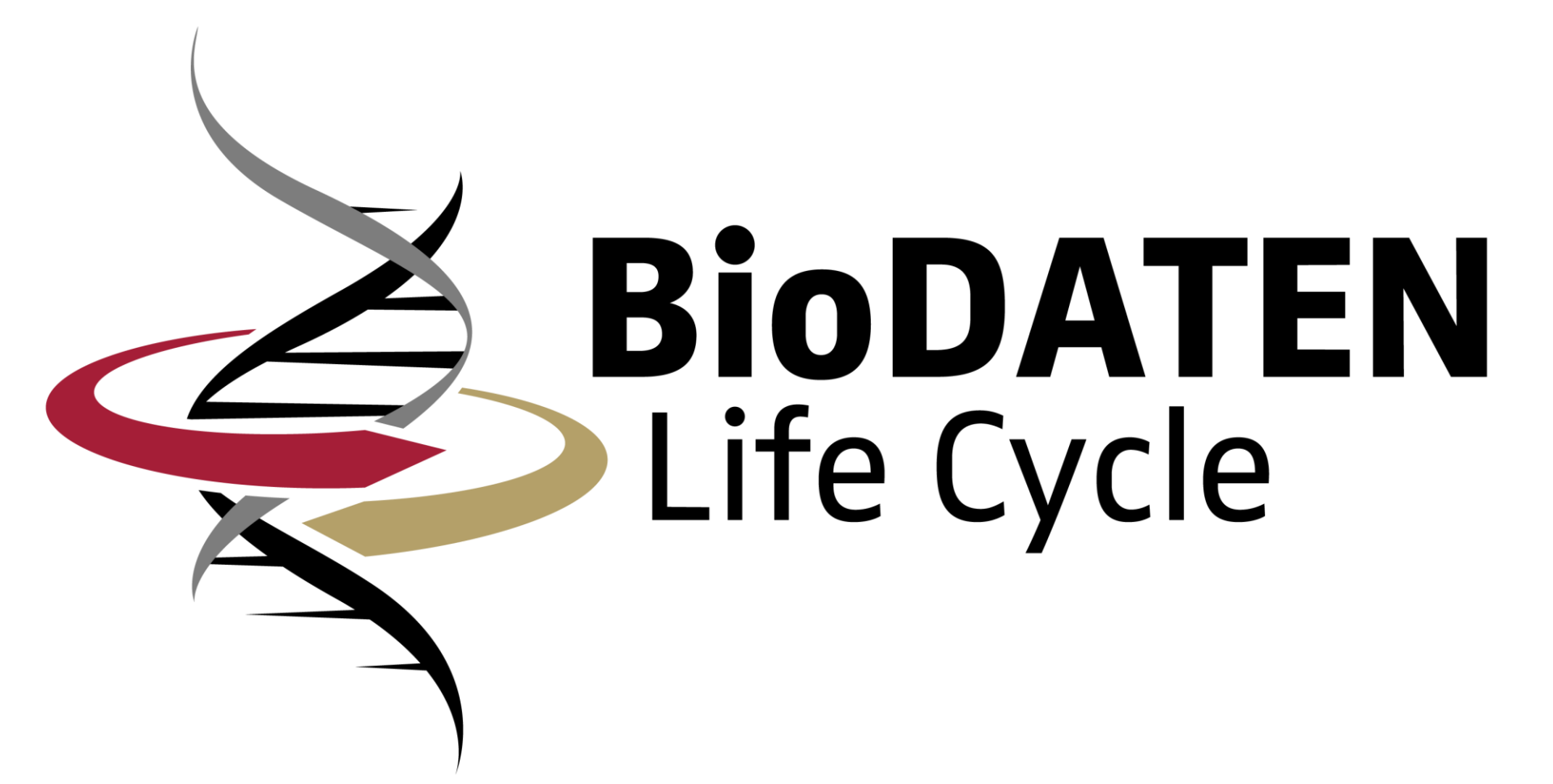


Ein Werkzeug zur XSD basierten Metadatenannotation



Olaf Brandt, Holger Gauza, Jan Kaltenbach, Maximilian Müller, Gabriel Schneider, Claus Zinn

Annotationstool

Die Annotation der Metadaten findet über ein ausfüllbares **HTML-Formular** statt.

Das Annotationstool verwendet einen **XSLT-Prozessor**, um aus den Schemadateien (XSD-Format) das Formular zu generieren.



Hierfür können **beliebig viele Schemadateien** hinterlegt werden. Für jedes dieser Schemata wird ein Reiter im Annotationstool-Frontend erstellt, in dem die einzelnen Felder des Schemas als Eingabefeld angezeigt werden.

Metadata Annotation
Metadata for resource: 61332970-edd7-45ba-94f5-5b7de6841f24

Descriptive Metadata

Research Metadata

File Metadata

Current status: In progress

Save Validate

BiodatenMinimal

Studied object/sample: material entity from which the data was derived [Remove](#)

unique identifier of the studied object/sample (autogenerated)

1

description of the studied object/sample

add free text (e.g., Arabidopsis thaliana)

type of the studied object/sample

Organism (i.e., eukaryota, bacteria, archaea)

Anpassungen im Schema

Um das Formular möglichst **übersichtlich** und **minimal** zu gestalten, besteht die Möglichkeit über spezielle **Parameter innerhalb der Schemadateien** Abhängigkeiten zwischen mehreren Feldern zu definieren. Dies führt dazu, dass einzelne Eingabefelder nur dann angezeigt werden, wenn weitere Voraussetzungen, wie z.B. eine spezifische Auswahl in einem Dropdown-Feld, erfüllt sind.

class of method used

Analytical method

name of the analytical method used

High performance liquid chromatography (HPLC)

+ link to scientific paper where method has been described (use persistent identifiers such as DOIs, if possible) (optional)

Beispiel: Die Auswahl für die Art der analytischen Methode wird nur dargestellt, wenn zuvor als Methodentyp auch analytische Methode ausgewählt wurde.

Eigene Datensätze

Eine **Übersicht aller Datensätze** und deren **aktueller Status** ist im Benutzermenü einsehbar. Nach erfolgreicher Anmeldung an der Anwendung erscheint hier eine tabellarische Übersicht, in der alle Datensätze dargestellt werden. Die Anmeldung ist über ELIXIR AAI / ORCID möglich.

No.	Title	Last change ↓	Status
1	Test Resource X	2023-02-21 14:18	Finished
3	Test title X	2023-02-21 14:17	In progress
2	No title set (datacite)	2023-02-21 14:16	new

Ontologien

Um die bestmögliche **Qualität der Metadaten** sicherzustellen, gibt es innerhalb des Annotationstools die Möglichkeit, für einzelne **Eingabefelder Vokabulare zu hinterlegen**. Diese Vokabulare werden aus ausgewählten Ontologien exportiert und innerhalb der Administrationsoberfläche mit dem entsprechenden Eingabefeld verknüpft.

Das **Eingabefeld** wird anschließend um eine **Autocomplete-Funktion** erweitert.

Sind innerhalb der Ontologie **Beschreibungstexte** zu den Begriffen enthalten, können diese innerhalb des Autocomplete-Fensters über einen **Info-Button** angezeigt werden.

name of the organism of the studied object/sample. Use a controlled vocabulary by make reference to an ontology such as <https://bioportal.bioontology.org/ontologies/BERO/> [Remove](#)

e.g., Arabidopsis thaliana

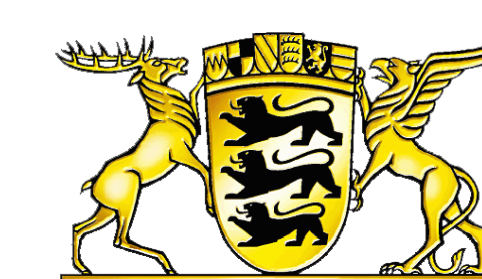
name of the cell type of the studied object/sample. Use controlled vocabulary by make reference to an ontology such as <https://bioportal.bioontology.org/ontologies/CL/> [Remove](#)

ske

skeletal muscle satellite cell

skeletogenic cell

Skeletal muscle satellite cells are not traditionally referred to as myoblasts. They are a heterogeneous population whose division, following activation, contributes to the formation of skeletal muscle fibers and to maintenance of the skeletal muscle satellite cell population.



Baden-Württemberg

MINISTERIUM FÜR WISSENSCHAFT, FORSCHUNG UND KUNST

