

Modeste Chabi^{1,2}, Anicet Gbèblonoudo Dassou³, Hubert Adoukonou-Sagbadja², Aman Bonaventure Omondi^{1,4}

¹Alliance of Bioversity International and CIAT, Cotonou; ²Laboratory of Genetics Resources and Molecular Breeding (LaREGAME), Department of Genetics and Biotechnology, Faculty of Sciences and Techniques University of Abomey-Calavi; ³Laboratory of Biotechnology, Genetic Resources and Plant and Animal Breeding (BIORAVE); National High School of Biosciences and Applied Biotechnologies (ENSBBA); National University of Sciences, Technologies, Engineering and Mathematics (UNSTIM); Dassa, République de Bénin

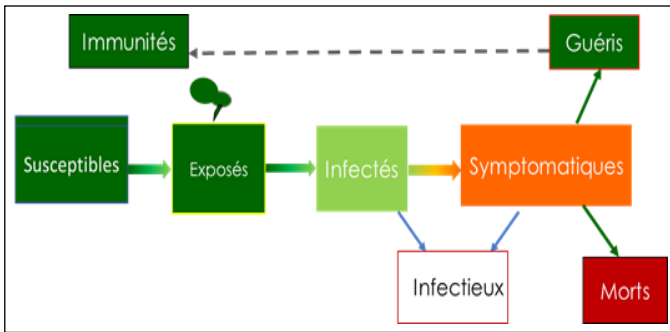


Fig 1: Progression des maladies

Contexte

La maladie de bunchy top du bananier (BBTD) est une maladie virale qui se propage rapidement en Afrique. Le rognage en temps opportun est une option de gestion efficace[1]. Mais peut être influencé par des variations génétiques et environnementales dans l'expression des symptômes[2,3]. Nous avons évalué la relation entre l'expression des symptômes et le caractère infectieux du BBTV chez quatre cultivars de bananiers.

Méthodologie

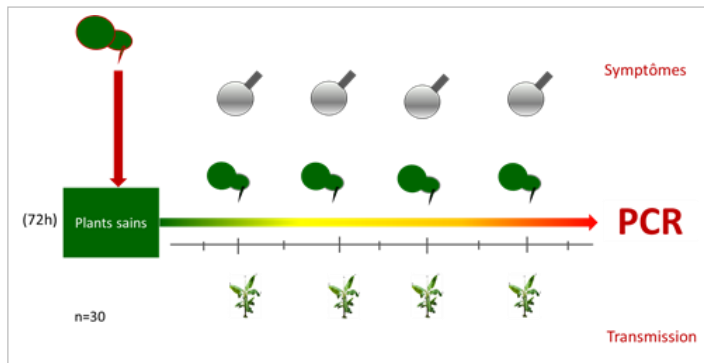


Fig 2: Exposition des plants au virus ; observation des infections

Expression des symptômes

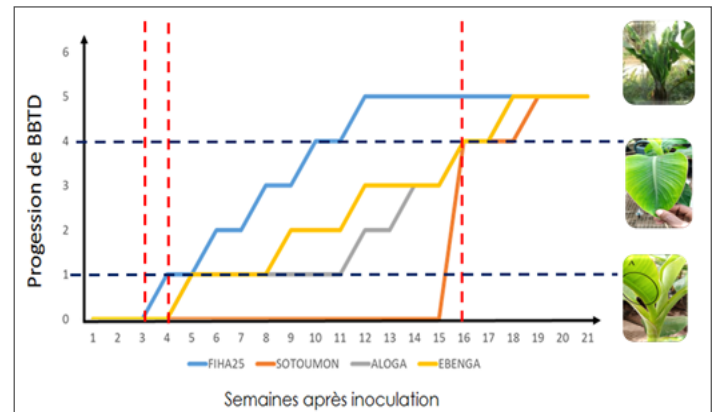


Fig 3: Expression et progression de BBTD sur quatre variétés

Transmission de BBTD

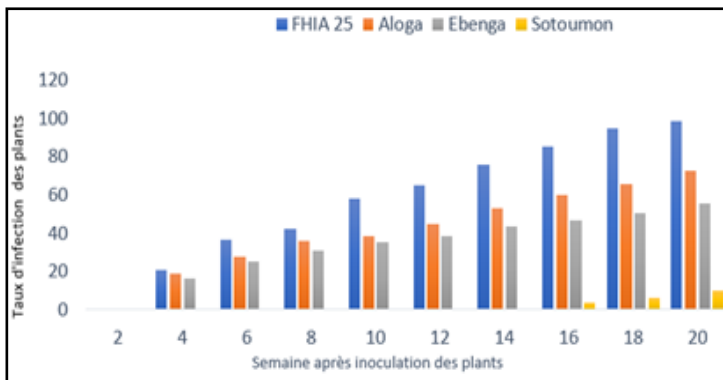


Fig 4: Transmission de BBTD des plants de chaque variétés aux plants test exposés

Table 1: Taux moyen d'émergence des feuilles des cultivars

Cultivar	Leaf number at onset		
	Morse code	Marginal chlorosis	Stunting onset
FHIA 25	3.59 ± 0.48 ^c	4.59 ± 0.48 ^c	5.59 ± 0.48 ^a
Ebenga	5.23 ± 0.37 ^b	6.18 ± 0.30 ^b	6.77 ± 0.49 ^b
Aloga	5.09 ± 0.17 ^b	6.09 ± 0.17 ^b	7.09 ± 0.17 ^c
Sotoumon	0.00 ± 0.00 ^a	0.00 ± 0.00 ^a	10.47 ± 0.56 ^d

Conclusion

- Variation variétale dans la présentation des symptômes : Expression précoce (FHIA 25), Expression retardée (Sotoumon).
- Absence de certains symptômes typiques chez Sotoumon.
- Globalement, transmission de BBTV dès l'apparition des symptômes de BBTD.
- La gestion de la BBTD doit tenir compte de la diversité des réactions des cultivars aux maladies.

Références

1. Omondi et al., 2020. *Plant Pathology*, 69, 1754-1766 .
2. Allen, R. N. (1978). *Australian Journal of Agricultural Research*, 29, 535-544.
3. Ngat et al., (2017). *Journal of Applied Biosciences*, 114, 11324-11335.

Remerciements

Financement : CGIAR—RTB— BA 3.4 Banana diseases cluster; University of Queensland, Gates Foundation Project. Université Nationale d'Agriculture (Projet BBTD)—Source of banana cultivars