

CARACTERIZAÇÃO CITOGENÉTICA DE GENÓTIPOS DE *PASPALUM* L. PROMISSORES PARA O PROGRAMA DE MELHORAMENTO

Nicolle Vieira Santos Costa¹; Maria Luiza Melaré Gomes¹; Francisco Sassi¹;
Marcelo de Bello Cioffi¹; Frederico de Pina Matta², Marcelo Mattos Cavallari²,
Alessandra Pereira Fávero²;

¹ Universidade Federal de São Carlos, São Carlos, SP. ² Embrapa Pecuária Sudeste São Carlos, SP.; nicolle@estudante.ufscar.br

O gênero *Paspalum* L. (Poaceae) é formado por cerca de 330 espécies, sendo muitas dessas caracterizadas por alto potencial forrageiro no Brasil. Alguns genótipos foram selecionados dentro do programa de melhoramento genético principalmente para seu uso em áreas mal drenadas ou em integração lavoura-pecuária-floresta. A caracterização quanto ao número de cromossomos faz-se fundamental para o avanço do uso desses materiais, sendo, portanto, o objetivo do presente estudo identificar o número de cromossomos e o comportamento meiótico de acessos de *Paspalum*. As inflorescências ainda imaturas e dentro do cartucho foram coletadas e fixadas em solução de Carnoy por 24hrs, seguido de armazenamento em álcool 70% a 10°C até o uso. Para o preparo das amostras, as anteras foram removidas com o uso de microscópio estereoscópio e pinças e transferidas para lâminas onde foram maceradas em ácido acético 45% e pressionadas com uma lamínula para análise por microscopia de contraste fase. Para remoção da lamínula foram utilizadas duas abordagens distintas a depender dos materiais disponíveis e condição da amostra: I) submersa em ácido acético 100% por 24 horas, II) imersão em nitrogênio líquido e deixada para secar por 2h. A primeira abordagem de remoção utilizada trouxe alguns problemas, logo, padronizou-se a segunda. Em seguida, foram coradas com 20µl de DAPI a 1,5 µg.ml⁻¹, 30 minutos armazenados na geladeira para estabilização do marcador e análise no microscópio com o uso do programa Isis Fluorescence Imaging System. Foram analisados sete acessos: BGP 149 (*P. rojasii*), BGP 210 (*P. maritimum*), BGP 289 (*P. malacophyllum* Trin.), BGP 337 (*P. maritimum*), BGP 401 (*P. conjugatum*), BGP 436 (*P. dilatatum* Poir.) e BGP 486 (*P. malacophyllum* Trin.), e todos foram considerados tetraploides, 2n=40. A análise do comportamento meiótico identificou irregularidades em algumas células, contudo, todos os acessos apresentaram prevalência na formação de 20 bivalentes. Dado que os acessos foram considerados tetraploides, esses podem ser utilizados dentro do programa de melhoramento como genitores em cruzamentos com outros materiais de mesma ploidia ou de ploidia distinta no intuito de produção de apomíticos de interesse para uso em áreas mal drenadas ou na integração lavoura-pecuária-floresta.

Palavras-chave: meiose; gramíneas; caracterização de germoplasma

Agradecimentos: EMBRAPA e CNPq