



“CARACTERIZAÇÃO DA PROTEÍNA P61: POSSÍVEL GLICOPROTEINA DOS CILEVIRUS”

Giovanne Lopes **Martinelli**¹; Juliana **Freitas-Astúa**²; Pedro L.**Ramos-González**³

Nº 21816

RESUMO – A leprose dos citruss, causada pelo *citrus leprosis virus C* (*CiLV-C*; gênero *Cilevirus*, família *Kitaviridae*) é uma das principais doenças que afetam à citricultura. *CiLV-C* codifica uma glicoproteína tentativa denominada *P61*. A expressão heteróloga desta proteína mediante agroinfiltração em plantas de *Nicotiana benthamiana* resulta em lesões semelhantes à reação de hipersensibilidade (*HR-like*) que aparece nas plantas infectadas com o vírus. Desde o ponto de vista molecular, a expressão da *P61* produz o acúmulo de moléculas reativas de oxigênio (ROS) e a ativação genes relacionados à via do ácido salicílico (AS). Para aprofundar no papel do AS na resposta à presença da *P61*, neste estudo avaliamos a sua expressão em plantas *N. benthamiana* transgênicas que expressam constitutivamente o gene bacteriano *NahG* que codifica a enzima salicilato hidroxilase. As plantas transgênicas e selvagens serão infiltradas com *Agrobacterium tumefaciens* linhagem GV3101 que portam as construções *pCAMBIA-2300 Q8 P61 CiLV-C CRD* e *pCAMBIA-2300 Q8*, essa última como controle negativo. Se avaliara a intensidade das lesões produzidas. Como parte do estudo, os genes *p61* dos cilevirus *CiLV-C* estirpe SJP, passion fruit green spot virus, e *solanum violifolium ringspot virus* e o *higrevirus hibiscus green spot virus* serão amplificados, clonados em vetores apropriados, sequenciados, ligados em vetores binarios para sua futura avaliação funcional mediante agroinfiltração.

Palavras-chaves: Ácido Salicílico, *N. benthamiana*, citricultura, Kitavírus

¹ Autor, Bolsista CNPq (PIBIC): Graduação em Ciências Biológicas, UAM, São Paulo-SP; giovanne_martinelli7@hotmail.com

² Coorientadora: Pesquisadora da Embrapa Mandioca e Fruticultura, Cruz das Almas-BA; Instituto Biológico de São Paulo.

³ Orientador: Instituto Biológico de São Paulo, São Paulo-SP; plrg1970@gmail.com.



15º Congresso Interinstitucional de Iniciação Científica – CIIC 2021

01 a 02 de setembro de 2021

ISBN 978-65-994972-0-9

ABSTRACT –*Citrus leprosis*, caused by *citrus leprosis virus C* (*CiLV-C*; genus *Cilevirus*, family *Kitaviridae*), is one of the major diseases affecting citrus fruit production. *CiLV-C* encodes a tentative glycoprotein called *P61*. Heterologous expression of this protein by agroinfiltration in *Nicotiana benthamiana* plants results in lesions similar to the hypersensitivity reaction (HR-like) that appears in plants infected with the virus. Molecularly, the expression of *P61* produces the accumulation of reactive oxygen molecules (ROS) and the activation of genes related to the salicylic acid (AS) pathway. To get insight into the role of AS in the response to the presence of *P61*, in this study we aim to evaluate its expression in transgenic *N. benthamiana* plants constitutively expressing the bacterial gene *NahG*, which encodes the enzyme salicylate hydroxylase. Transgenic and wild-type plants will be infiltrated with *Agrobacterium tumefaciens* strain GV3101 carrying the constructs *pCAMBIA-2300 Q8 P61 CiLV-C CRD* and *pCAMBIA-2300 Q8*, the latter used as a negative control. The intensity of the lesions produced will be evaluated. As part of the study, the *p61* genes from *CiLV-C* strain SJP, passion fruit green spot virus, and *solanum violifolium* ringspot virus, and hibiscus green spot virus will be amplified, cloned in appropriate vectors, sequenced and ligated in a binary vector, and their further functional evaluation by agroinfiltration.

Keywords: Salicylic Acid, *N. benthamiana*, citriculture, Kitavirus