



XXIV CONGRESO LATINOAMERICANO
DE MICROBIOLOGIA
Santiago, Chile



ASOCIACIÓN LATINOAMERICANA
DE MICROBIOLOGÍA



XXIV Congreso Latinoamericano de Microbiología
XL Congreso Chileno de Microbiología
II Reunión Anual de la Asociación Chilena de Inmunología
IX Reunión de la Sociedad Latinoamericana de Tuberculosis
y otras Micobacteriosis

Centro de Eventos y Convenciones Centroparque,
ubicado en el Parque Araucano, Santiago, Chile
Del 13 al 16 de noviembre de 2018
alam.science/alam-2018

LIBRO DE RESÚMENES



MI359

Detección y caracterización genotípica de *Escherichia coli* productor de toxina Shiga (STEC) y *Escherichia coli* enterotoxigénica (EPEC) en terneros neonatales

Julia Ruiz¹, Rocío Colello¹, Hernan Moscuza², Guadalupe Alvarez², Analía Etcheverría¹, Padola Nora Lía¹. ⁽¹⁾ Laboratorio de Inmunoquímica y Biotecnología, Centro de Investigación Veterinaria de Tandil (CIVETAN), CONICET, CICPBA, Facultad de Ciencias Veterinarias, UNCPBA ⁽²⁾ Cátedra de Clínica Médica y Quirúrgica de Rumiantes, Facultad de Ciencias Veterinarias, UBA, CABA, AR

Las ETA constituyen un problema sanitario y económico de relevancia mundial debido a la ingestión de alimentos o agua contaminados. STEC está asociado a casos esporádicos de colitis hemorrágica y síndrome urémico hemolítico. Su principal reservorio es el bovino. Tiene la capacidad de producir y liberar toxinas Shiga (Stx1 y Stx2), otros factores de virulencia como la intimina, codificada en el gen *eae* y el gen *ehxA* codificado en un megaplásmido. EPEC causa patologías en el humano por desequilibrio hidroeléctrico de las células de la mucosa intestinal por producción de toxinas termolábil (LT) y/o termoestable (ST) codificadas en los genes *lt* y *st*, respectivamente. La utilización de antibióticos ha sido de suma importancia para resolver infecciones, pero la presión sobre las poblaciones bacterianas condujo a la aparición de mecanismos de resistencia tales como los integrones. Estos son elementos genéticos capaces de integrar genes de resistencia a antibióticos. El objetivo fue detectar y caracterizar STEC y EPEC en terneros neonatales de tambo de la provincia de Buenos Aires, Argentina. Se realizaron dos muestreos de 8 y 15 animales mediante hisopado rectal. Los hisopos fueron diluidos en 2 ml de solución fisiológica y sembrados en placas de agar MacConkey a 37°C durante 24 h. La presencia de genes de virulencia de STEC: *stx1*, *stx2*, *ehxA*, *eae* se determinó por PCR multiplex. La detección de los genes *lt* y *st* de EPEC e integrasas *int1* e *int2* se determinaron por PCR monoplex. Se lograron caracterizar 93 aislamientos. Se detectó 18,3% de STEC con los genes *stx1*, *ehxA* y *eae*, 3,2% con los genes *stx1* y *eae*, y 3,2% con el gen *eae*. En cuanto a EPEC, se detectó 2,15% de genes *st*. Del total de STEC y EPEC se obtuvo 28% que portaban el gen *int1* y 1,1% portaban los genes *int2*. Estos resultados indican que los terneros son portadores de cepas STEC y EPEC. Se detectaron aislamientos que poseían genes que codifican integrasas, siendo importante ya que la selección de cepas resistentes a los antibióticos contribuye al incremento de la emergencia de patógenos multiresistentes, incrementando la patogenicidad y morbilidad de estas cepas.