CARACTERIZACIÓN DE ALTO RENDIMIENTO EN BANCOS DE GERMOPLASMA USANDO APRENDIZAJE AUTOMÁTICO MEJORAN EL ANÁLISIS EN PARIENTES SILVESTRES Y DE CULTIVO: CASO FRIJOL Y MANÍ FORRAJERO

Conejo-Rodriguez F¹, Gonzalez-Guzman J¹, Ramirez-Gil J², Santaella M¹ y Wenzl P¹

¹Programa de recursos genéticos, Alianza Bioversity International – Centro Internacional de Agricultura Tropical (CIAT), Cali-Palmira, Valle del Cauca, Colombia.

² Departamento de Agronomía, Facultad de Ciencias Agrarias, Universidad Nacional de Colombia sede Bogotá, Bogotá Colombia

Caracterización oportunista en bancos de germoplasma

Regeneración de la colección





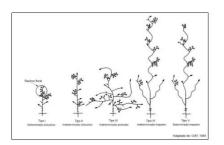
Viabilidad Distribución Incremento



Color de hipocotilo



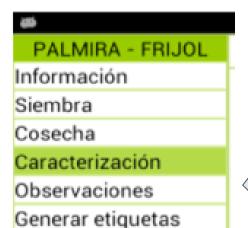
Color de flor Días a floración



Hábito de crecimiento Altura de planta









Días a cosecha Días a senescencia



Imagen de color vaina en madurez fisiologica



Imagen de semilla

Demanda de personal calificado

Descriptores subjetivos Ordinales / Nominales Altos costos operativos y logísticos



AGROBIODIVERSIDAD,

un mundo de oportunidades en tiempos de crisis.

Fuente: Manual de procedimientos operativos (CIAT) (2019)

Plataformas de fenotipado de alto rendimiento (high-throughput phenotyping) una oportunidad durante la regeneración de germoplasma

Plataformas de fenotipado de alto rendimiento: Capturar rasgos de plantas de forma detallada y no invasiva durante el ciclo de vida de la planta (Araus *et al.*, 2014).







Captura de imágenes con cámaras RGB



Flores

Pre-procesamiento de imágenes



Semillas

Morfometría Colorimetría

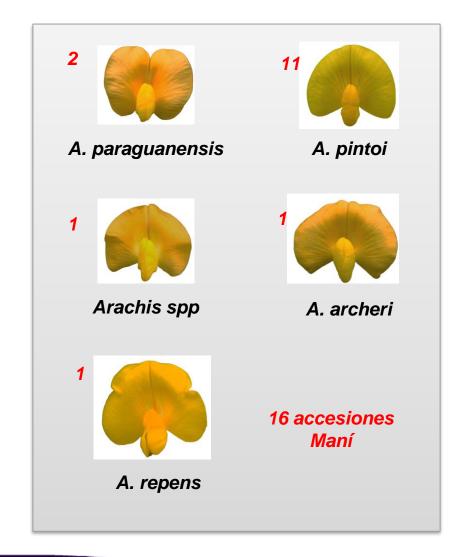


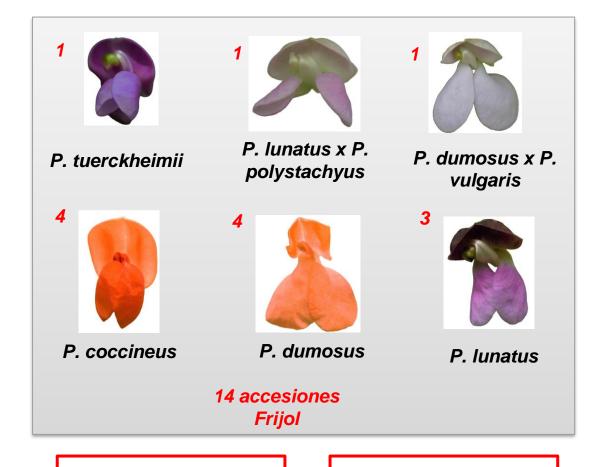
OBJETIVO

Caracterizar oportunistamente accesiones de maní forrajero (*Arachis* spp.) y frijol (*Phaseolus* spp.) cultivado y silvestre del banco de germoplasma de la Alianza Bioversity y CIAT usando herramientas de aprendizaje automático (*machine learning*) para el fenotipado de alto rendimiento y caracterización convencional.



Accesiones de estudio





10 plantas por Accesión

160 plantas -- Maní 140 plantas -- Frijol

Descriptores convencionales



Hábito de crecimiento Performancia Altura de planta Forma de la hoja



Hábito de crecimiento Relación de hoja Ancho de hoja Largo de hoja



Días a floración Color de flor



Días a floración Color de estandarte Color de alas



Días a cosecha Peso de 100 semillas Color de semilla primario Color de semilla secundario



Forma de semilla Brillo de semilla Peso de 100 semillas Color de semillas





Datos de caracterización históricos





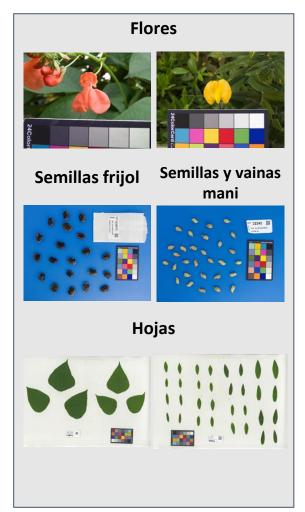
RHS Chart color

procesamiento de imágenes

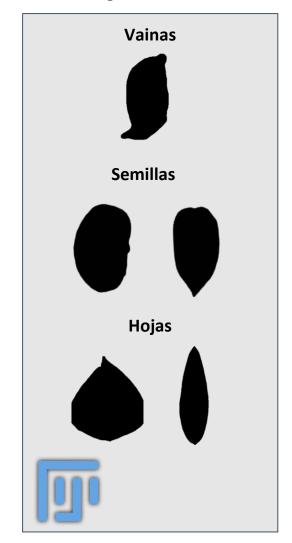
Captura de imágenes



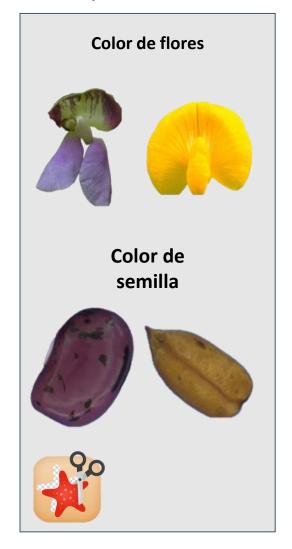
Imagenes JPG



Binarización - Morfometría geométrica

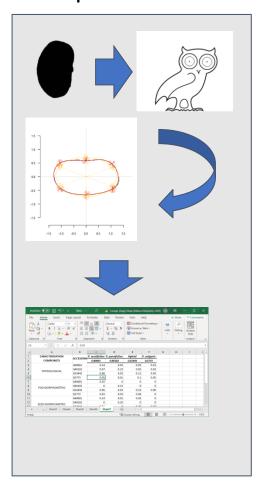


Extracción - Colorimetría espacios color RGB

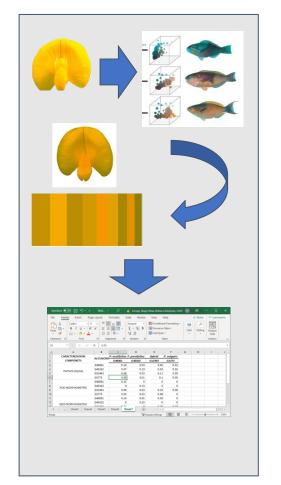




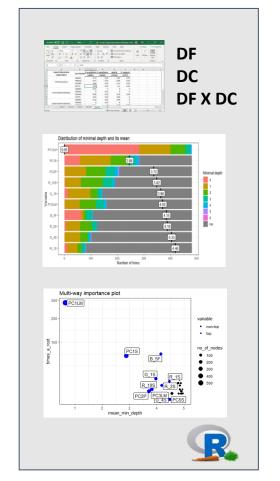
Análisis de contornos: Elípticas de Fourier



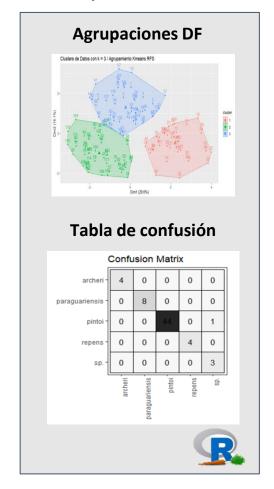
Agrupaciones colorimétricas k medias



Selección de descriptores: Bosques aleatorios



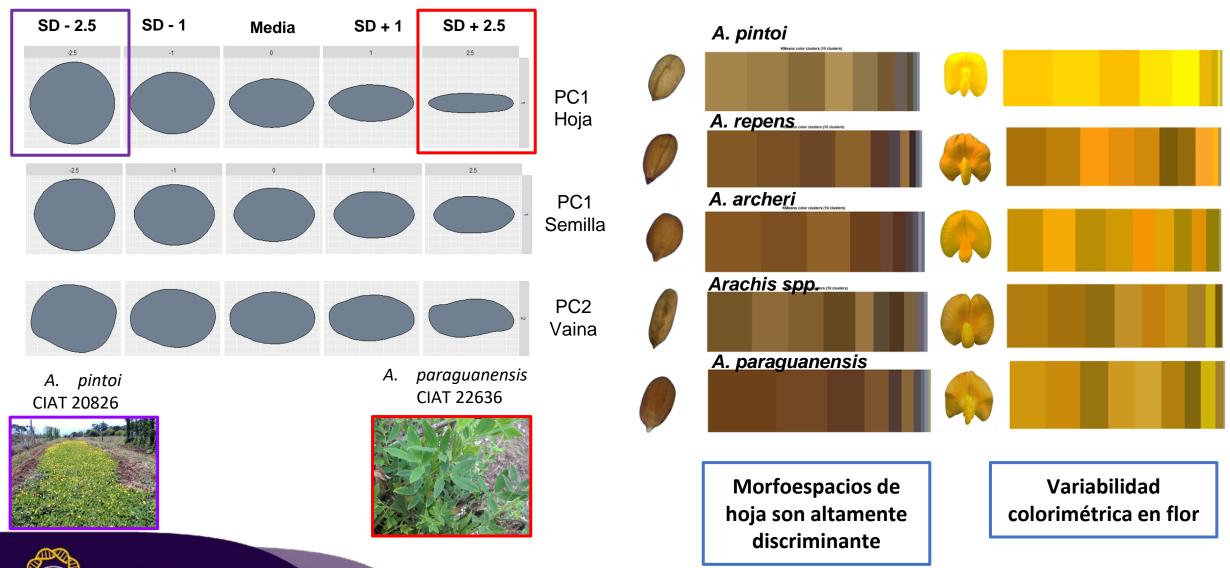
Agrupaciones y predicciones





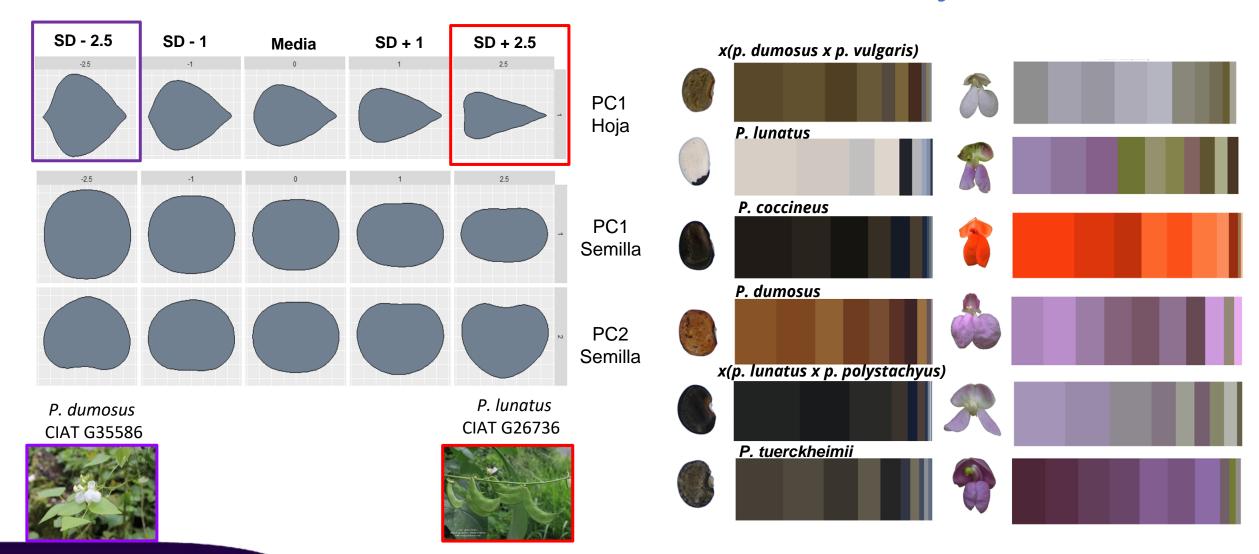


Caracterización fenómica en Maní



SIRGEAC COLOMBIA 2021

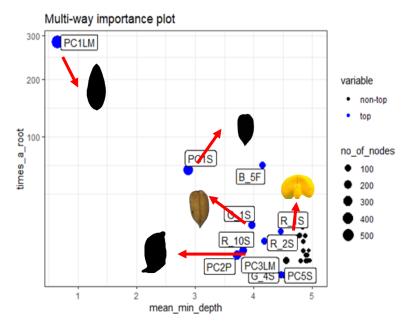
Caracterización fenómica en frijol



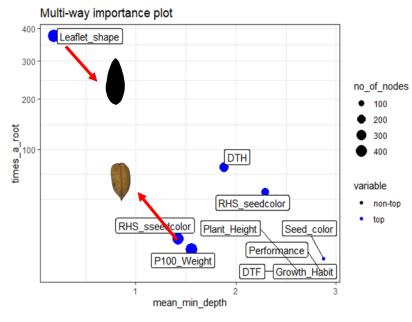


Selección de descriptores informativos en Maní usando ML

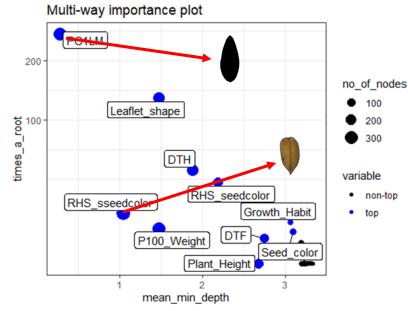
Descriptores Fenómicos



Descriptores Convencionales



Fenómicos + Convencionales

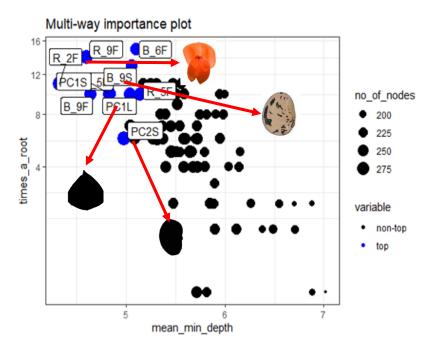


Los descriptores en maní que presentan mayor discriminación es la forma de hoja y color de semilla

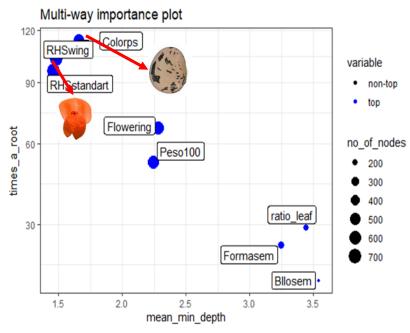


Selección de descriptores informativos en Frijol usando ML

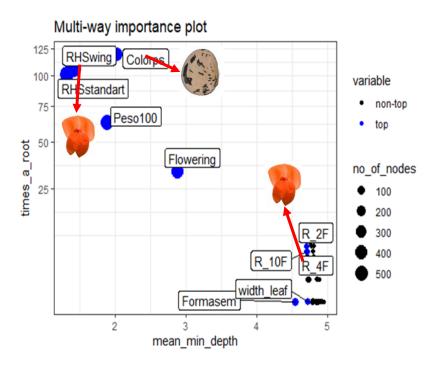
Descriptores Fenómicos



Descriptores Convencionales



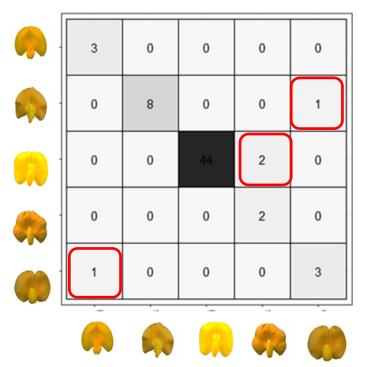
Fenómicos + Convencionales



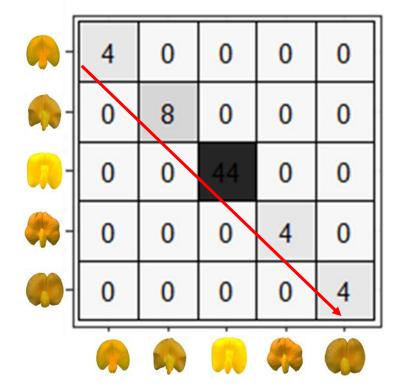
Los descriptores en frijol que presentan mayor discriminación es el color de flor y semilla. El descriptor convencional de color de flor a partir de la carta color RHS presenta mayor importancia

Clasificación de las especies de maní usando ML

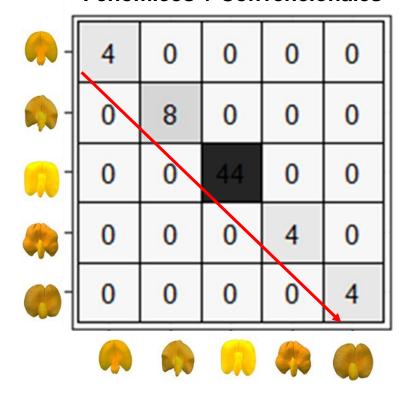
Descriptores Fenómicos



Descriptores Convencionales



Fenómicos + Convencionales











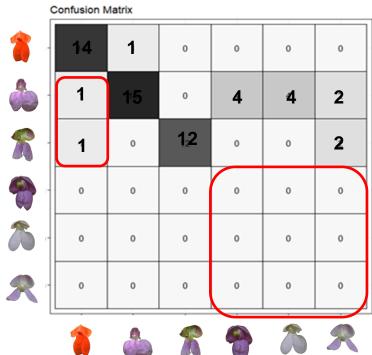




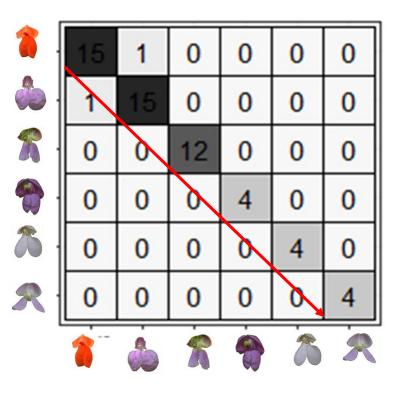
A. pintoi

Clasificación de las especies de frijol usando ML

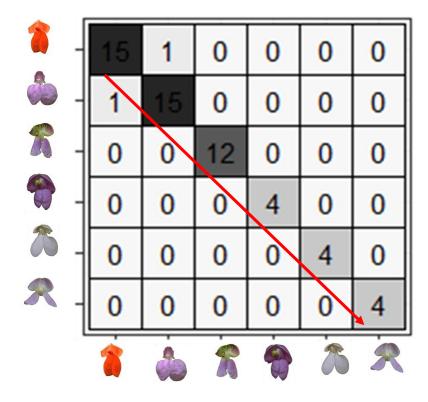
Descriptores Fenómicos Confusion Matrix



Descriptores Convencionales



Fenómicos + Convencionales





P. coccineus



P. dumosus



P. lunatus



P. tuerckheimii



x(p. dumosus x p. vulgaris)



x(p. lunatus x p.polystachyus)



Conclusiones

El uso de descriptores fenómicos y convencionales combinados aumentan la precisión en la clasificación de especies del los géneros Phaseolus y Arachis en nuestras condiciones de trabajo.

Las herramientas de ML permiten optimizar la caracterización rápida y eficiente de bancos de germoplasma al seleccionar descriptores fenómicos y convencionales en función de su importancia

El uso de descriptores fenómicos disminuye los tiempos y la subjetividad de rasgos que son empleados en descriptores convencionales como los colorimétricos y formas, sin embargo requieren de estandarización lumínica en condiciones de campo

La caracterización al ser de forma oportunista no presenta diseño experimental, capturando datos de las accesiones que estén durante los procesos de regeneración.



Perspectivas

La estandarización de captura y procesamiento de imágenes requiere de infraestructura computacional (Almacenamiento y procesamiento), fotográfica (Cámaras profesionales y sistemas de iluminación) y sensores remotos (Multiespectrales e hiperespectrales)

Es importante desarrollar procesos integrados a las operaciones de regeneración, conservación y sanidad de germoplasma basados en las estrategias de caracterización de alto rendimiento

La captura y almacenamiento de imágenes y firmas espectrales pueden ser parte de librerías digitales de caracterización que se asocien con los bancos digitales



MUCHAS GRACIAS

