

DACTYLOGYRUS EXTENSUS PARASITANDO CYPRINUS CARPIO EN GRANJA DE CULTIVO DE LA PROVINCIA DE MISIONES.**Alegre Marinela¹, Marcotegui Paula², Montes Martin², Barneche Jorge², Martorelli Sergio²**¹ SENASA. ² Centro de Estudios Parasitológicos y Vectores (CCT- La Plata- UNLP). E-mail: alegremarinela@gmail.com

Uno de los principales productos de la acuicultura en nuestro país, está representado por el grupo de las carpas chinas, dentro del cual se incluye a la carpa común (*Cyprinus carpio*). Esta especie se cultiva mayormente en sistemas de policultivo, principalmente en la provincia de Misiones, donde se registran un gran número de pequeños productores que ubican la totalidad de su producción en el mercado local. La producción acuícola puede verse seriamente afectada por la presencia de parásitos, especialmente en condiciones de superpoblación, deficiente circulación de agua o nutrición inadecuada como las que se producen en los sistemas de cultivo. Típicamente, los peces con infecciones masivas dejan de alimentarse, exhibiendo una baja tasa de crecimiento y secreción de mucus. En particular los ectoparásitos pueden generar injurias mecánicas o destrucción del tejido a través de sus órganos de fijación, favoreciendo a su vez la aparición de otras infecciones, ya sea facilitando las invasiones bacterianas a través de las heridas causadas, por disminución de la resistencia del hospedador o actuando como vectores que vehiculizan a otros patógenos. Con el fin de analizar la presencia de ectoparásitos en sistemas de cultivo, se analizaron la superficie corporal y las branquias de 10 ejemplares de *C. carpio*, provenientes de un establecimiento de cultivo de la Ciudad de Campo Viera, Misiones. En todos los hospedadores se hallaron ejemplares de monogeneos Dactylogyridae en las lamelas branquiales. Para su identificación los mismos fueron tratados con una solución de digestión compuesta por proteinasa K y solución buffer del Kit de extracción DNA easy blood de Quiagen. La morfología y la morfometría de las piezas esclerotizadas del haptor y del órgano copulador permitieron identificar a dichos especímenes como *Dactylogyrus extensus*. La intensidad promedio hallada fue de 23,8 individuos/hospedador. El presente constituye el primer registro de esta especie en sistemas de cultivo de *C. carpio* para nuestro país.

PALABRAS CLAVE: *Dactylogyrus*, monogeneos, carpa, *C. carpio*, acuicultura

ANÁLISIS MOLECULAR DE LOS GENES COI Y 28S DE UN COPÉPODO DE LA FAMILIA PENNELLIDAE PARÁSITO DE *CUBICEPS CAERULEUS* (ACTINOPTERYGII: PERCIFORMES: NOMEIDAE)**Alegre Marinela¹; Montes, Martin M.²; Castro Romero Raul³; Croci, Yasmín²; Iglesias, Barbara³, Bovcon Nelson⁴; Ferrari, Walter²; Martorelli Sergio².**

¹ Facultad de Ciencias Naturales y Museo (FCNyM), Universidad Nacional de La Plata (UNLP), Calle 120 s/n e/ 60 y 64, La Plata, Argentina. ² Centro de Estudios Parasitológicos y Vectores (CEPAVE), Consejo Nacional de Investigaciones Científicas y Técnicas, Universidad Nacional de La Plata (CONICET-UNLP), Calle 120 s/n e/ 60 y 64, La Plata, Argentina. ³ Universidad de Antofagasta, Facultad de Ciencias del Mar y recursos naturales, Departamento de Ciencias Acuáticas y Ambientales, Casilla 170, Antofagasta, Chile. ⁴ Instituto de investigación en hidrobiología, Facultad de Ciencias Naturales y Ciencias de la Salud, Universidad Nacional de la Patagonia San Juan Bosco, Gales 49, CP: 9100, Trelew - Chubut

Durante la inspección de peces provenientes de pescadores locales se encontró un ejemplar de *Cubiceps caeruleus* que alojaba en el pedúnculo caudal dos copépodos de la Familia Pennellidae. El cuello del copépodo era muy largo y se extendía hacia la región anterior anclándose cerca de la columna vertebral del hospedador. Luego de la disección, se observó el extremo anterior con proyecciones que coinciden a las descritas para el género *Sarcotretes* sp. Las piezas bucales no pudieron recuperarse en su totalidad por lo cual fue imposible asignarle el nombre específico. Parte del tronco de los copépodos fue utilizado para realizar la extracción de ADN y se secuenciaron los genes COI y 28S. Se compararon las secuencias con las depositadas en el GenBank y se observó una mayor similitud con géneros de la Familia Pennellidae. Se construyeron dos matrices, una por gen y se alinearon con el programa MAFFT. Se utilizó el programa GBLOCKS para detectar las regiones hipervariables alineadas en forma ambigua las cuales fueron eliminadas del análisis. También se calculó con el programa MEGA X la distancia génica (p-value). Los árboles se generaron con el programa MrBayes. Analizando el filograma del gen COI se observa a *Sarcotretes* sp. en la base de la rama formada por (*Peniculus* sp. (*Metapeniculus* sp. + *Pennella* sp.)) y según el gen 28S, del cual hay pocos géneros secuenciados, *Sarcotretes* sp. es el grupo hermano de *Lernaenicus ramus* y *Haemobaphes* sp. Estos resultados representan las primeras secuencias del género *Sarcotretes* sp. y la primera cita para aguas de la República Argentina.

PALABRAS CLAVE: *Sarcotretes*, *Cubiceps caeruleus*, Argentina, COI, 28S
FINANCIAMIENTO: PIP 0015 otorgado por el CONICET