

Primera detección de *Rickettsia asembonensis* en *Ctenocephalides felis felis* en Argentina

Un estudio epidemiológico en pulgas de animales de compañía y sinantrópicos en el triffinio del Noreste argentino

MARA URDAPILLETA¹, DANIELA LAMATTINA¹, ANGÉLICA DEL ROSARIO PECH MAY¹, ELIANA FLORENCIA BURGOS¹, DARÍO EMMANUEL BALCAZAR², WALTER ANTONIO OSCAR FERRARI³, MAGALÍ GABRIELA GIULIANI¹, MICAELA CORTÉS¹, MARÍA BELÉN MEICHTRY¹, OSCAR DANIEL SALOMÓN¹ Y MARCELA LARESCHI²

¹Instituto Nacional de Medicina Tropical (INMeT) (ANLIS-CONICET). Misiones, Argentina

²Centro de Estudios Parasitológicos y de Vectores (CEPAVE) (CONICET-UNLP). La Plata, Buenos Aires, Argentina

³Instituto de Biotecnología Ambiental y Salud (INBIAS) (CONICET-UNRC). Río Cuarto, Córdoba, Argentina

bupamara@gmail.com

Las rickettsiosis son enfermedades zoonóticas causadas por bacterias del género *Rickettsia* y transmitidas a humanos por medio de artrópodos vectores. En este sentido, las pulgas son importantes en salud pública debido a su rol como parásitos y como vectores de bacterias patógenas. *Rickettsia typhi* y *Rickettsia felis* son agentes causantes del tifus murino y de la fiebre maculosa, respectivamente. Ambas han sido notificadas como rickettsiosis humanas emergentes en todo el mundo, siendo las pulgas *Xenopsylla cheopis* y

Ctenocephalides felis felis los vectores y reservorios primarios, respectivamente. Si bien se conoce el rol vectorial de muchas especies de pulgas, de otras se desconoce como consecuencia de la escasez de estudios ecológicos y epidemiológicos. El objetivo de este trabajo fue evaluar la diversidad, abundancia y prevalencia de pulgas y la presencia de *Rickettsia* spp. en estos insectos, en el triffinio del noreste argentino. Se obtuvieron pulgas de animales de compañía, de comadrejas y roedores sinantrópicos de zonas urbanas y periurbanas de Puerto Iguazú. Los insectos se determinaron taxonómicamente como *C. f. felis*, *Polygenis (P.) rimatus*, *Adoratopsylla (Adoratopsylla) antiquorum antiquorum* y *Adoratopsylla (Tritopsylla) intermedia intermedia* y se analizaron 277 pulgas en 106 pools mediante PCR dirigida a los genes *gltA* y *ompB* de *Rickettsia* spp. El estudio reveló que *C. f. felis* es dominante en perros, gatos y comadrejas, con mayor prevalencia en la zona periurbana (P=75,16 %). Los índices de Shannon-Wiener y Morisita-Horn expresaron diferentes valores de diversidad y similitud de las abundancias absolutas de las especies entre las zonas comparadas. Las amplificaciones de ADN revelaron una prevalencia mínima de 31,04 % de *C. f. felis* positivos para *Rickettsia* spp. El análisis filogenético mostró que el haplotipo obtenido fue idéntico al de *Rickettsia asembonensis* de Perú y Brasil. Esta es la primera detección de *R. asembonensis* en *C. f. felis* en Argentina. Se destaca la importancia de realizar investigaciones desde la perspectiva de «Una Salud» sobre el rol de comadrejas y roedores en la integración de los ciclos de transmisión de rickettsias en ambientes de interfaz entre humanos, animales domésticos, sinantrópicos y fauna silvestre, con el fin de vigilar posibles enfermedades emergentes.

Palabras clave: *Rickettsia asembonensis*, Siphonaptera, animales de compañía, animales sinantrópicos, Puerto Iguazú, Argentina.