

Identificación de agentes patógenos causantes de mastitis bovina proveniente de diferentes provincias de Argentina

VERÓNICA ELIZABETH NEDER¹, LUIS FERNANDO CALVINHO^{1,2}, CARLOS ALBERTO VITULICH^{1,2} Y ALEJANDRO SMULOVITZ FERRERO¹

¹ Laboratorio de Diagnóstico Microbiológico, Estación Experimental Agropecuaria Rafaela (EEA-INTA Rafaela). Rafaela, Santa Fe, Argentina

² Facultad de Ciencias Veterinarias, Universidad Nacional del Litoral (UNL). Esperanza, Santa Fe, Argentina

neder.veronica@inta.gob.ar

La mastitis es la inflamación de la glándula mamaria (GM), causada por microorganismos que dañan el tejido mamario, alteran la calidad y cantidad de leche producida, generando grandes pérdidas económicas tanto al productor como a la industria láctea. Es una enfermedad multicausal, ya que aparte del organismo causante, influyen el ambiente, el estado de la vaca y las prácticas de manejo deficientes. Los patógenos de mastitis se clasifican en contagiosos y ambientales. Los primeros viven y se multiplican en la GM y la piel del pezón, se transmiten de animal a animal principalmente durante el ordeño, mientras que los segundos tienen como principal reservorio el ambiente donde vive la vaca. El objetivo de este estudio fue determinar la frecuencia y distribución de organismos causantes de infecciones intramamarias. Se procesaron un total de 2294 muestras de mastitis clínicas y subclínicas provenientes de tambos ubicados en

las provincias de Santa Fe, Córdoba, Entre Ríos y Buenos Aires, que fueron remitidas al laboratorio de microbiología de la EEA-INTA Rafaela durante los años 2018-2020. Las muestras se cultivaron (10 µl) en agar base Columbia enriquecido al 5% con sangre bovina en aerobiosis, incubándose durante 24-48 h a 37 °C y los aislamientos fueron identificados por metodología clásica. En el **GRÁFICO 1** se muestran los microorganismos aislados.

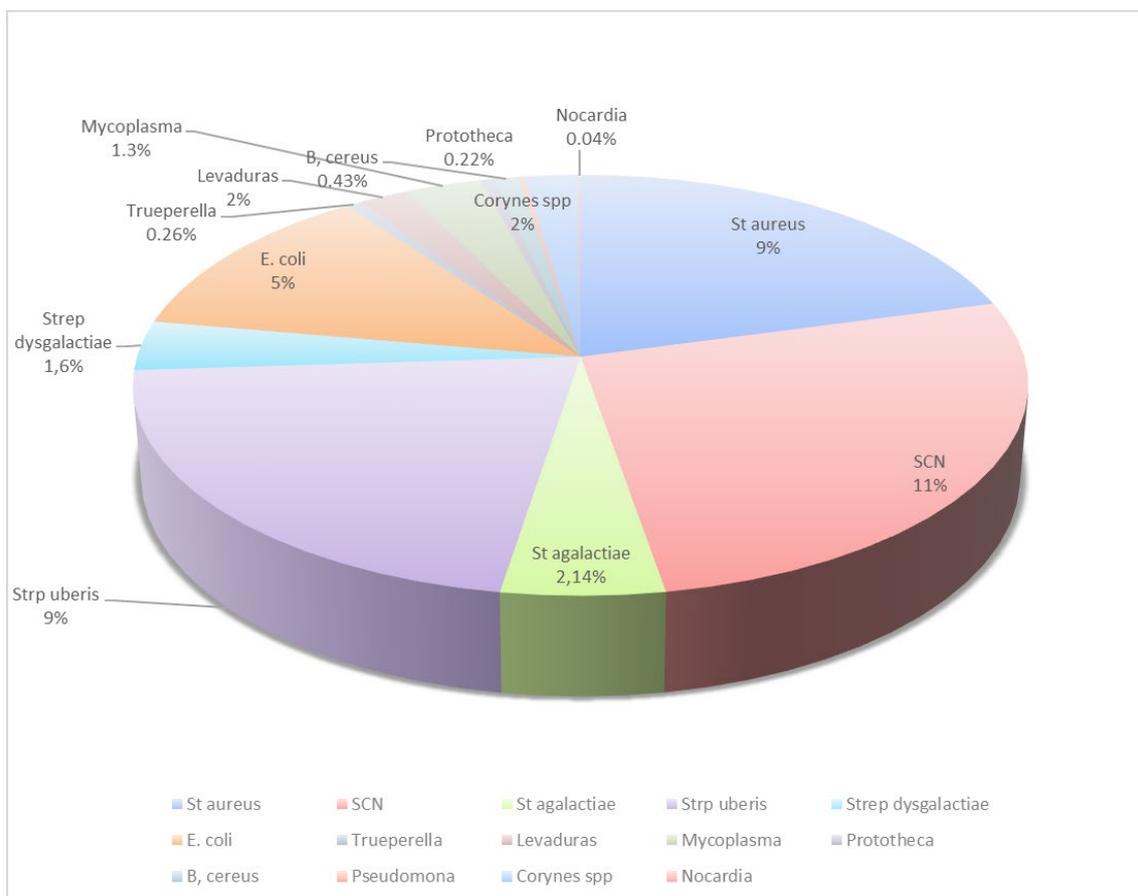


GRAFICO 1. Distribución de patógenos de mastitis sobre 2294 muestras de leche procesadas en el laboratorio de microbiología EEA-INTA Rafaela durante el periodo 2018-2020

Los principales patógenos intervinientes fueron bacterias ambientales y *Staphylococcus coagulasa negativos* (SCN) junto con S.

aureus. Algunos autores como [DIESER \(2014\)](#) también hallaron SCN como patógeno más aislado seguido por *S. aureus*. En escaso porcentaje se evidenció la presencia de patógenos mayores generalmente aislados con baja frecuencia como *Trueperella pyogenes*, *Prototheca spp*, *Nocardia spp* y *Bacillus cereus*. El aislamiento de *Mycoplasma spp*, si bien ocurre en un número bajo de muestras, puede afectar a un porcentaje muy alto de las vacas ya que es un patógeno contagioso emergente en nuestro país ([NEDER et al., 2020](#)). Hubo un 52 % de muestras sin desarrollo. Si bien se utilizó una muestra de conveniencia, estos resultados muestran un incremento relativo del aislamiento de patógenos ambientales respecto de los contagiosos, comparado con estudios realizados antes de la década de 2010.

Palabras clave: mastitis, bovinos, diagnóstico, Argentina.