

Diferenciação de linhagens de *Saccharomyces cerevisiae* por PCR-RAPD

(Differentiation strains of *Saccharomyces cerevisiae* by PCR- RAPD)

Canossa, S.¹, Agustini, C. B. ², Silva, G. A. da², Manfroi, V. ¹

¹Universidade Federal do Rio Grande do Sul- UFRS. CEP 91501970, Porto Alegre, Brasil. ²Laboratório de Microbiologia, Embrapa Uva e vinho. CEP 95700000, Bento Gonçalves, Brasil. E-mail: sheilacssa@gmail.com

As linhagens do gênero *Saccharomyces cerevisiae* possuem grande importância na produção de bebidas e alimentos. A Embrapa uva e vinho possui em sua coleção, diversas leveduras autóctones isoladas de bagas de uvas oriundas de diversas regiões do Brasil. Algumas destas leveduras pertencem ao gênero de *Saccharomyces cerevisiae*. Entretanto não se sabe a diversidade genética entre as linhagens deste gênero. O objetivo deste estudo foi verificar a diversidade genética de 23 linhagens de *Saccharomyces cerevisiae* da coleção do Laboratório de Microbiologia-CNPUV, usando a técnica de RAPD. A técnica de RAPD consiste na amplificação de DNA genômico utilizando pequenos iniciadores de sequência arbitrária (10-15 pares de bases) resultando em amplificações de fragmentos de DNA polimórficos. Foram empregados para detectar a viabilidade genética das leveduras os oligonucleotídeos iniciadores: (GTG)₅ e (GAC)₅. As linhagens estudadas foram isoladas de bagas de uva das regiões de Pinto Bandeira (RS) na safra de 2012, Colombo (PR), e Monte Belo do Sul (RS). As 23 linhagens de *Saccharomyces cerevisiae* da coleção do Laboratório de microbiologia- CNPUV utilizadas foram: A1, A5, A8, A10, A12, A15, A16, A18, A21, A25, A30, A33, A35, A36, A38, A40 (Pinto Bandeira, RS), 2MB13 (Monte Belo do Sul - RS). Foram também incluídas a linhagem comercial K1 da Lallemand, a linhagem 2CO13 de Colombo e as demais linhagens referência 1vvt97, 91B84, 1B84, 26B84. Os iniciadores utilizados apresentaram-se aptos na diferenciação de todas as linhagens em estudo. Verificou-se a existência de diferenças genéticas entre as linhagens de *Saccharomyces cerevisiae* estudadas, especialmente entre as linhagens 1vvt97, 91B84, 1B84, 26B84 e K1.

Tema: Microbiologia

Área: Enologia

Apoio: FAPERGS/Embrapa Uva e Vinho