

Caracterização da divergência genética de sorgo sacarino na região de Cáceres-MT

Fabio Tomaz de Oliveira¹; Taiana Paula Streck Vendruscola²; Marcilene Alves de Souza
Castrillon²; Carla Lima Corrêa³; Flávio Dessaune Tardin⁴; Marco Antonio Aparecido Barelli⁵

¹Mestrando em Genética e Melhoramento de Plantas – UNEMAT/Cáceres-MT/Brasil. Bolsista
CAPES – email: tomaz_ofit@yahoo.com.br; ²Mestrando em Genética e Melhoramento de Plantas
– UNEMAT/Cáceres-MT/Brasil. ³PNPD/CAPES/PGMP/UNEMAT/Cáceres-MT/Brasil.

⁴Pesquisador - Embrapa Milho e Sorgo - Sete Lagoas –MG/Brasil. ⁵Professora da Universidade
do Estado de Mato Grosso/Cáceres-MT/ Brasil

O *Sorghum bicolor* (L.) Moench é uma cultura que apresenta diferentes potencialidades, sendo a produção de etanol pelo sorgo sacarino uma delas. Uma característica relevante desta espécie é a sua vasta variabilidade genética. Neste contexto o escopo do trabalho foi estimar a divergência genética entre genótipos de sorgo sacarino através dos métodos de agrupamento de Tocher e UPGMA. O experimento foi conduzido na área experimental do Laboratório de Recursos Genéticos & Biotecnologia da universidade do Mato grosso (UNEMAT), em Cáceres – MT. Foram avaliados nove genótipos de sorgo sacarino em delineamento de blocos casualizados, com três repetições. As variáveis analisadas foram: florescimento (FLOR); altura de planta (ALTP); peso de massa verde (PMV); peso da massa seca (PMS); peso do caldo (PES); volume do caldo (VC) e sólidos solúveis totais (SST). A divergência genética entre os genótipos foi estimada a partir da distância generalizada de Mahalanobis ($2 D_{ii}'$) e posterior agrupamento pelo método de otimização de Tocher e agrupamento médio entre grupos UPGMA, utilizando o recurso computacional Genes. O agrupamento realizado pelo método de Tocher permitiu a formação de dois grupos distintos, Com a análise realizada pelo método Hierárquico UPGMA, possibilitou a formação de dois grupos distintos. Os resultados obtidos a partir da distância generalizada de Mahalanobis evidenciou a existência de variabilidade genética entre os 9 genótipos de sorgo sacarino. O método de Otimização de Tocher e o método Hierárquico UPGMA, demonstraram semelhança no agrupamento dos genótipos.

Palavras-chave: *Sorghum bicolor*; divergência genética; variabilidade genética.

Apoio Financeiro: CNPq