

57-2 **Variabilidade genética de *Fusarium decemcellulare* isolado de três diferentes sintomas em guaranazeiro (*Paullinia cupana* var. *sorbilis*)**
(Genetic variability of *Fusarium decemcellulare* isolated from three different symptoms in guarana plant (*Paullinia cupana* var. *sorbilis*))

Autores: **SILVA, J. A. D.** - jonathas.agronomia@gmail.com (EMBRAPA-CPAA - Empresa Brasileira de Pesquisa Agropecuária) ; **LOBO, I. K. C.** (EMBRAPA-CPAA - Empresa Brasileira de Pesquisa Agropecuária) ; **SOUZA, Á.** (EMBRAPA-CPAA - Empresa Brasileira de Pesquisa Agropecuária) ; **SILVA, A. F. D.** (EMBRAPA-CPAA - Empresa Brasileira de Pesquisa Agropecuária) ; **SOUSA, N. R.** (EMBRAPA-CPAA - Empresa Brasileira de Pesquisa Agropecuária) ; **GASPAROTTO, L.** (EMBRAPA-CPAA - Empresa Brasileira de Pesquisa Agropecuária) ; **HANADA, R. E.** (INPA - Instituto Nacional de Pesquisas da Amazônia) ; **FILHO, F. J. D. N.** (EMBRAPA-CPAA - Empresa Brasileira de Pesquisa Agropecuária) ; **SILVA, G. F. D.** (EMBRAPA-CPAA - Empresa Brasileira de Pesquisa Agropecuária)

Resumo

O guaranazeiro (*Paullinia cupana* var. *sorbilis*) é uma planta intensamente cultivada na região amazônica, com teor de cafeína até três vezes maior que o do café. Contudo, entre os principais problemas da cultura do guaraná no Amazonas estão as doenças causadas por *Fusarium decemcellulare*, que apresenta três sintomas bem característicos: 1-superbrotamento de gemas vegetativas, 2- hiperplasia floral e 3- galhas do caule. Até o presente momento, não há estudos para analisar a filogenia e diversidade dos isolados obtidos dos diferentes sintomas em guaranazeiro. Desse modo, o objetivo deste trabalho foi analisar a variabilidade entre isolados obtidos de diferentes genótipos de guaranazeiro e de diferentes sintomas. A análise da variabilidade foi realizada pela técnica de BOX-PCR utilizando o *primer* BOX-A1R (5'-CTACGGCAAG GCGACGCTGACG-3'). Foram analisados 22 isolados dos três diferentes sintomas (5 de galhas, 13 da hiperplasia floral e 4 do superbrotamento) obtidos de 6 plantas de 2 municípios (Manaus e Maués). Os resultados revelaram que em diferentes plantas a similaridade entre os isolados foi de até 100%, contudo foi verificada a ocorrência de variabilidade genética entre isolados da hiperplasia floral e galhas dentro da mesma planta. Os isolados do superbrotamento obtidos de dois locais e quatro plantas formaram um único grupo separado dos isolados dos demais sintomas.

Apoio: CNPq