



**ESTUDO COMPARATIVO DE MÉTODOS DE PRODUÇÃO DE AMOSTRAS PARA IDENTIFICAÇÃO DE ESPÉCIES DE *Trichoderma* PELA TÉCNICA MALDI-TOF MS**

EDER MARQUES<sup>1</sup>; DANIELA AGUIAR SOUZA<sup>2</sup>; JOÃO BATISTA TAVARES DA SILVA<sup>3</sup>, SUELI CORRÊA MARQUES DE MELLO<sup>4</sup>

<sup>1</sup> Pós-doutorando, Embrapa Recursos Genéticos e Biotecnologia, e-mail: eder.marques.08@gmail.com

<sup>2</sup> Analista- Embrapa Recursos Genéticos e Biotecnologia, e-mail: daniela.aguiar@embrapa.br

<sup>3</sup> Analista- Embrapa Recursos Genéticos e Biotecnologia, e-mail: joao.tavares@embrapa.br

<sup>4</sup> Pesquisadora- Embrapa Recursos Genéticos e Biotecnologia, e-mail: sueli.mello@embrapa.br

**Resumo:** Este trabalho foi desenvolvido com 12 isolados de *Trichoderma* previamente identificados pelo seqüenciamento de fragmentos das regiões *its1-2* e *tef* do rDNA. Seu objetivo foi testar 3 métodos de produção de amostras de *Trichoderma*, para uso em identificação de espécies pela técnica MALDI-TOF MS: 1) cultivo do fungo em arroz parboilizado por 5-7 dias, 2) cultivo em BDA por 5 dias (em ambos, coletando-se a massa fúngica em álcool 75%, seguido-se a digestão ácida das amostras) e 3) cultivo por 2 dias em meio BDA e aplicação direta do micélio na placa alvo (MSP96), sobre a solução matriz (ácido  $\alpha$ -ciano-4-hidroxicinâmico). Todas as amostras foram analisadas em espectrômetro de massa *MicroFlex* LRF (Bruker Daltonics GmbH). O software de aquisição utilizado foi o *FlexControl*. Os dados foram interpretados com o uso do *Biotyper* 3.0, onde se criou dendogramas baseados na análise de componentes principais. Com o primeiro método não foi possível separar os isolados por espécie, enquanto com o segundo, todas as espécies foram separadas em grupos diferentes. O terceiro método separou apenas *T. brevicompactum* do segundo grupo formado por *T. harzianum*, *T. spirale* e *T. koningiopsis*. Portanto, o segundo método mostrou ser o mais adequado para identificação do fungo em nível específico, pois separou todas as espécies utilizadas neste estudo.

**Palavras-chave:** espectrometria de massa; Microflex; PCA.

**Apoio:** CAPES