

Uso de técnicas multivariadas na seleção de genitores potenciais para desenvolvimento de populações de melancia de sementes pequenas.

NASCIMENTO, TL¹; SOUZA, FF²; DIAS, RCS²; BRITO, ETS¹; SANTOS, DEPS¹; SOUSA, II¹.

¹Graduando em Ciências Biológicas, Universidade de Pernambuco, Petrolina, PE; ²Eng. Agrônomo, pesquisador da Embrapa Semiárido, Petrolina, PE

flavio.franca@embrapa.br, tiago_lim.a@hotmail.com

Palavras-chave: *Citrullus lanatus*; análise multivariada, seleção, descritores, melhoramento genético.

A quantidade e o tamanho das sementes em melancia [*Citrullus lanatus* (Thunb.) Matsum. & Nakai] têm sido objeto de programas de melhoramento da espécie, haja vista que os consumidores têm preferência por frutas com sementes pequenas, pouco numerosas ou ausentes. Portanto, conhecer as características do germoplasma quanto aos descritores de sementes e a divergência entre os acessos disponíveis pode auxiliar na escolha dos genitores e na condução das populações segregantes. Desse modo, o presente trabalho objetivou avaliar a divergência fenotípica de acessos de melancia do Banco Ativo de Germoplasma da Embrapa Semiárido, utilizando descritores quantitativos de sementes. Avaliaram-se os seguintes acessos: T01='BRS Soleil', T02='Casca Amarela', T03='Omaru Yamato', T04='Sugar Baby', T05='BRS Opara', T06='Jenny', T07='Kodama', T08=LDRO, T09='Orange', T10='Peacock', T11='Charleston Tetra' e T12='Charleston Gray'. Empregou-se delineamento inteiramente casualizado, com quatro repetições de 10 sementes. Os descritores empregados foram: comprimento (CS) e largura da semente (LS); relação CS/LS; espessura da semente (ES) e massa da semente (MS). Os dados foram submetidos à análise de variância e a distância entre os acessos foi estimada utilizando-se o método de Mahalanobis (D^2). Para representação da diversidade do germoplasma utilizou-se a técnica de agrupamento hierárquico de pareamento não ponderado dos acessos com base na média aritmética de D^2 (UPGMA). Verificaram-se diferenças altamente significativas entre os acessos para todos os descritores e as seguintes amplitudes foram observadas: CS [3,98 mm (T06) – 11,45 mm (T09)], MS [0,06 g (T06) – 0,75 g (T09)], LS [2,60 mm (T06) – 7,28 mm (T09)], ES [1,53 mm (T06) – 2,25 mm (T04)] e CS/LS [1,45 (T11) – 1,59 (T01)]. Esses resultados indicam que o acesso 'Jenny' é o genitor mais promissor para uso em cruzamentos que visem à obtenção de populações para frutos com sementes pequenas. A contribuição relativa dos descritores CS, LS, MS e CS/LS para a divergência genética foi de, respectivamente: 43,48%, 28,38%, 24,82%, 2,87% e 0,43%, indicando que CS/LS apresentou baixo poder discriminatório e, portanto, não é um descritor eficiente para caracterização de acessos de melancia. Três grupos foram formados: o primeiro foi composto por 'Orange' e 'Charleston Gray'; o segundo por 'Jenny' e 'Kodama'; e o terceiro pelos demais acessos. Os acessos mais similares foram 'Omaru Yamato' e 'BRS Opara', enquanto os mais dissimilares foram 'Jenny' e 'Charleston Gray'. Deste último par de acessos espera-se obter o cruzamento mais divergente, com relação às características de sementes.