

SELEÇÃO DE PRIMERS PARA O USO DE RAPD NA ANÁLISE DE DIVERSIDADE GENÉTICA EM BABAÇU (*Orbignya ssp.* Mart.)

SANTOS¹, Michelli F.; SOUSA², Isis G. B.; DINIZ⁴, Fábio M.; SOUZA⁴, Valdomiro A. B.; ARAÚJO⁴, Eugênio C. E.; SITOLIN³, Ilza M.; LIMA⁴, Paulo S.C.

¹Graduanda Biologia, Universidade Estadual do Piauí, Teresina, Piauí, Brasil.

²Graduanda Biologia, Universidade Federal do Piauí, Teresina, Piauí, Brasil.

³Pesquisadora, EPAMIG a disposição da Embrapa Meio-Norte, Teresina, Piauí, Brasil.

⁴Pesquisador, Embrapa Meio-Norte, Teresina, Piauí, Brasil, sarmanho@cpamn.embrapa.br.

Entre as espécies de palmeiras exploradas na atividade extrativista brasileira destaca-se o babaçu (*Orbignya ssp.* Mart), a mais rica do ponto de vista econômico, pois é aproveitada por inteiro. Palmeira oleaginosa, o babaçu é de grande valor industrial e comercial e é encontrado em maiores formações naturais nos estados do Maranhão e Piauí. Atualmente é uma das alternativas promissoras para produzir o biodiesel, combustível biodegradável derivado de fontes renováveis. O presente trabalho teve como objetivo selecionar primers para avaliar o potencial do marcador RAPD (Polimorfismo de DNA amplificado ao acaso) para a análise da diversidade genética entre os acessos do banco de germoplasma do babaçu da Embrapa Meio-Norte. Na realização desse estudo utilizaram-se dois genótipos: BRA 000078/1 e BRA 000044/2. As reações de amplificação na seleção dos primers foram preparadas em volume final de 20 µL, com Tampão 1X [20mM Tris-HCL ph 8,0; 0,1 mM EDTA; 1,0 mM DTT; 50% (v/v) glicerol]; MgCl₂ ; 1,5 mM; dNTPs 250 µM; 0,2 µM de primer, 1U de Taq DNA Polimesase (INVITROGEN). Foram testados 22 primers (Gibco BRL). Os produtos de amplificação foram separados em gel de agarose 1,4% em tampão TBE (Tris-Borato-100 mM; EDTA 2 mM), corado com Sybr 10,000 X. A partir de critérios como a presença de bandas robustas e polimórficas para a realização de futuras análises, foram selecionados os primers M16, M05, M20, A03, A05, A09, A15 para o estudo da diversidade e conseqüente o uso eficiente dos genótipos de babaçu que compõem a coleção da Embrapa Meio-Norte.