



SI, generating a high rate of fertilization in passion fruit, under field conditions. Further studies will be done in order to observe the effect of hormones in the fructification of passion fruit.

## GMV 102

### MICROSSATÉLITES PARA *Paspalum plicatulum*: CONSTRUÇÃO E CARACTERIZAÇÃO DE UMA BIBLIOTECA GENÔMICA ENRIQUECIDA

Oliveira FA<sup>1</sup>, FW Cidade<sup>1</sup>, CB Cardoso-Silva<sup>1</sup>, BB Zanotto Vigna<sup>2</sup>, A Pereira de Souza<sup>1</sup>. <sup>1</sup>Laboratório de Análise Genética Molecular - Centro de Biologia Molecular e Engenharia Genética (CBMEG), Instituto de Biologia - UNICAMP, Campinas, SP, <sup>2</sup>Embrapa Pecuária Sudeste, São Carlos, SP, Brasil.  
e-mail: nanda.bio2006@hotmail.com

*Paspalum plicatum* Michx., é uma gramínea com 2n=40 cromossomos, originária do Brasil e amplamente distribuída do sul dos Estados Unidos ao sul da Argentina e Índia Ocidental. De importância ecológica e forrageira, no Brasil essa espécie é conhecida como “pasto negro” graças a cultivar Hartley, que é comercializada para pastagens. *P. plicatum* pertence ao grupo Plicatula, tem ampla variabilidade morfológica e, por isso, há dificuldade de delimitação com outras espécies do grupo, inclusive formando um complexo agâmico. A falta de caracterização correta das espécies presentes nos bancos de germoplasma dificulta o uso delas em programa de melhoramento genético. O desenvolvimento de locos SSR específicos, até então inexistentes, constitui-se no primeiro passo para o conhecimento genético dessa forrageira tropical. Assim, objetivou-se desenvolver marcadores SSR para *P. plicatum* visando a futura caracterização genética da espécie. O protocolo de Billotte *et al.* (1999) foi utilizado para construção da biblioteca genômica enriquecida em SSR [(CT)<sub>n</sub> e (GT)<sub>n</sub>]. As sequências foram analisadas com os pacotes Phred & Phrap e a identificação das regiões SSR com o software MISA. A partir de 109 contigs, foram encontrados 33 SSR. Dentre os diferentes motivos nas sequências microssatélites os dinucleotídeos foram os mais abundantes (48,5%), seguidos pelos mono (36,4%), tri (6%), tetra (6%) e pentanucleotídeos (3%). Desses 23,3% foram classificadas como Classe I (>20pb) e 76,7% como Classe II (entre 12 a 20 pb). Numa segunda classificação, 20% eram imperfeitos e 80% perfeitos.

### CARACTERIZAÇÃO DO PROMOTOR DO GENE SP COMO ALTERNATIVA PARA A EXPRESSÃO FRUTO-ESPECÍFICA EM CAFÉ (*Coffea arabica*)

Ocampo QF, LG Pinto, CF Barsalobres-Cavallari, IG Maia. Departamento de Genética, Instituto de Biociências, Universidade Estadual Paulista. Botucatu-SP, Brasil.  
e-mail: fabiologa26@hotmail.com

O café é um importante produto agrícola no mundo, sendo o Brasil o maior produtor e exportador. Embora o seu sucesso, é uma espécie autógama e apresenta baixa variabilidade genética. Nos últimos trinta anos, várias pesquisas têm sido realizadas objetivando obter plantas com maior resistência a doenças, alta produtividade e melhor qualidade de bebida. Entretanto, e apesar das ferramentas moleculares disponíveis, os avanços nos programas de melhoramento do café são limitados. Neste contexto, a produção de plantas transformadas com transgenes de interesse representa uma alternativa interessante. Por isso, o uso de promotores com padrões de expressão conhecidos se faz necessário. Diante o exposto, o presente estudo foi realizado para caracterizar funcionalmente o promotor do gene *SP*, que apresenta expressão específica em fruto de *C. arabica*. Para tal fim, o referido promotor foi clonado em fusão transcricional ao gene reporte GUS usando o vetor pCambia-1381z. O cassete de expressão foi inserido em *Agrobacterium tumefaciens* cepa LBA4404, a qual foi utilizada para transformação estável de tabaco e transformação transiente de frutos de tomate. As análises fluorimétricas e histoquímicas da atividade GUS em plantas de tabaco transgênicas revelaram uma expressão generalizada. Nos ensaios de expressão transiente em frutos, a expressão de GUS dirigida pelo promotor investigado, foi muito similar àquela observada quando se utilizou um cassete 35S:GUS. Estes resultados indicam que o promotor em estudo é ativo em fruto mais não é capaz de manter uma expressão tecido-específica em tabaco.

## GMV 104

### UPLAND HERBICIDE TOLERANT RICE NEAR ISOGENIC LINES FOR LOW TILLAGE ROTATION SYSTEM IN BRAZIL

Rangel PHN<sup>1</sup>, JL Fuscaldi<sup>2</sup>, A Leites<sup>3</sup>, OP Morais<sup>1</sup>, T Cobucci<sup>1</sup>, FJ Wruck<sup>1</sup>, R Azevedo<sup>4</sup>, TGR Terra<sup>5</sup>, ASG Coelho<sup>2</sup>, ME Ferreira<sup>6</sup>. <sup>1</sup>Embrapa Arroz e Feijão, Caixa Postal 179, CEP 75375-000, Santo Antonio de Goiás, GO, Brazil, <sup>2</sup>Escola de