

**256 - CARACTERIZAÇÃO MOLECULAR DO *Sugarcane Streak Mosaic Virus* (SCSMV) / Molecular characterization of *Sugarcane Streak Mosaic Virus*\*. H.E. SAWAZAKI<sup>1</sup>; C.R.N.C.B. GONÇALVES<sup>2</sup>; V.L.P.POLEZ<sup>3</sup>; L.A.N.SÁ<sup>4</sup>; R.F.A.VEIGA<sup>1</sup>; S.H.R.GRANDI<sup>\*\*</sup>. <sup>1</sup>IAC/APTA/SAA, C.P.28, 13012-970, Campinas, SP; <sup>2</sup>Centro de Tecnologia Canavieira, C.P. 162, CEP 13400-970, Piracicaba, SP; <sup>3</sup>Embrapa Biotecnologia, Pq Estação Biológica, CEP:70770-900, Brasília, DF; <sup>4</sup>Embrapa Meio Ambiente, C.P 69, 13820-000, Jaguariúna, SP; \*\* Bolsista.**

Como além do *Sugarcane mosaic virus* (SCMV), o *Sugarcane streak mosaic virus* (SCSMV) pode causar mosaico em cana (ambos da família Potyviridae) e, tendo sido observado alto nível de variação entre isolados SCSMV provenientes da China, Paquistão e Índia (Li et al, Arch Virol 156:2101-2104, 2011), sugestivo da existência de diferentes linhagens, sequenciou-se o DNA correspondente ao fragmento amplificado com o par de iniciadores de Viswanathan et al.(Virus Genes, 36:553–564, 2008), de cerca de 800pb, de um suposto isolado de SCSMV de cana, fornecido pelo Centro de Tecnologia Canavieira, para sua caracterização. A comparação pelo BLAST resultou na confirmação de um isolado SCSMV, tendo similaridade de cerca de 83,6% com o isolado paquistanês de 2010 (GQ388116), cerca de 97,1-97,4% com os isolados indianos de Viswanathan de 2008 (EF079665) e 2009 (EF655864), porém, cerca de 83,4% com um indiano de 2011 (EU883391), e cerca de 97,6% com um chinês (JF488065), corroborando a variabilidade genética entre os isolados de SCSMV.

*Summa Phytopathologica*, v. 38 (supplement), February 2012. XXXV Congresso Paulista de Fitopatologia. Jaguariúna, 2012.