

Caracterização molecular de híbridos de citros com potencial para porta-enxerto com tolerância à seca

Rafael Reis Campos da Matta¹; Edímille Vívian Batista Menezes Ramalho¹; Abelmon Gesteira da Silva²; Claudia Fortes Ferreira²

¹Estudante de Biologia da Universidade Federal do Recôncavo da Bahia; ²Pesquisador da Embrapa Mandioca e Fruticultura. E-mails: rafaeldamatta19@gmail.com, viih_viih@hotmail.com, abelmon@cnpmf.embrapa.br, claudiaf@cnpmf.embrapa.br

A caracterização agronômica e molecular é uma atividade essencial no manejo de coleções de germoplasma, pois consiste em tomar dados para descrever, identificar e diferenciar acessos dentro de espécies, classes ou categorias. As análises moleculares permitem uma visão do polimorfismo genético que muitas vezes difere do polimorfismo derivado da análise fenotípica. Algumas técnicas estão disponíveis para a detecção de diferenças genéticas dentro e entre cultivares. Dentre os diversos tipos de marcadores moleculares estão os microssatélites (SSR), os IRAPs (*Inter-Retrotransposon Amplified Polymorphism*) e REMAPs (*Retrotransposon-microssatellite amplified polymorphism*). Eles são altamente informativos, permitindo detectar polimorfismo molecular com grande eficácia. Partindo desse princípio, objetivou-se neste trabalho estudar a variabilidade genética de 95 híbridos de citros com potencial para porta-enxerto com tolerância à seca utilizando marcadores do tipo ISSR, IRAP e REMAP e paralelamente dar início ao primeiro banco de DNA de citros da Unidade. Até o momento, os 95 acessos foram caracterizados com 10 primers ISSR. Sendo que os marcadores ISSR 50 (TriAAG 3'RC) e ISSR 77 (TriCAA 3'RC) apresentaram-se como os mais informativos, permitindo detectar polimorfismo molecular entre os 95 acessos do BAG-CITROS da Embrapa Mandioca e Fruticultura. Esforços devem ser envidados para melhorar os trabalhos voltados para a caracterização molecular de germoplasma de citros, a fim de tornar os trabalhos de caracterização realizados até o presente momento, uma ferramenta a ser utilizada no melhoramento genético de citros.

Palavras-chave: Citros; marcadores moleculares; ISSR; primer
