

Diversidade genética entre acessos de maracujazeiros avaliados a partir de caracteres morfoagronômicos

Fábio Nascimento de Jesus¹; Cristina de Fatima Machado²; Hélio Aparecido de Oliveira Lima Santos Junior³; Carlos Alberto da Silva Ledo²

¹Estudante de Agronomia da Universidade Federal do Recôncavo da Bahia; ²Pesquisador(a) da Embrapa Mandioca e Fruticultura; ³Estudante de Ensino Médio do Centro Educacional Cruzalense. E-mails: fabiorock222@yahoo.com.br, cristina.machado@cnpmf.embrapa.br, helhio_hipspar@hotmail.com, ledo@cnpmf.embrapa.br,

A análise conjunta de variáveis qualitativas e quantitativas tem sido apontada como uma ferramenta útil na estimativa da divergência genética entre os acessos de uma coleção de germoplasma. O presente trabalho teve como objetivo quantificar a diversidade genética entre acessos de maracujazeiros mantidos no BAG-Maracujá da Embrapa Mandioca e Fruticultura, utilizando uma lista de descritores mínimos para a cultura. A caracterização fenotípica foi realizada em 21 acessos, sendo avaliados 35 descritores (12 quantitativos e 13 qualitativos). Os descritores foram analisados conjuntamente usando o procedimento Ward-MLM. Foi utilizado o método de agrupamento de Ward, considerando a matriz conjunta obtida a partir do algoritmo de Gower. Foram avaliados descritores relacionados às folhas, flores e frutos, sendo discriminados seis descritores relacionados às folhas, 16 às flores e 12 aos frutos, além dos dados de produtividade do período de 2010 a 2012. Os grupos formados permitiram a distinção precisa de acessos de maracujazeiros. A análise simultânea das características qualitativas e quantitativas utilizando a análise da diversidade fenotípica pelo método Ward-MLM foi eficiente na avaliação da diversidade genética entre os genótipos de maracujazeiros quando comparado com as análises individuais dessas variáveis.

Palavras-chave: *Passiflora* spp.; germoplasma, análise multivariada, variabilidade genética