
**Estimativa da diversidade genética para atributos físicos e químicos de qualidade de frutos em
germoplasma de abóbora**

AMARIZ, A.; LIMA, M.A.C. DE; ALVES, R.E.

Andréia Amariz (UFERSA); Maria Auxiliadora Coêlho de Lima (EMBRAPA SEMIÁRIDO); Ricardo Elesbão
Alves(EMBRAPA AGROINDÚSTRIA TROPICAL)

Palavras-Chave/Keywords: Cucurbita moschata, Variabilidade, Descritores

A abóbora é bastante consumida na Região Nordeste, sendo produzida por agricultores familiares, que, em geral, usam sementes locais. Por conseguinte, o material cultivado possui alta variabilidade, requerendo avaliação criteriosa que subsidie programas de melhoramento genético, visando melhor qualidade dos frutos. Este estudo estimou a divergência genética de acessos de *Cucurbita moschata* do Banco de Ativo de Germoplasma da Embrapa Semiárido, procedentes dos estados do Piauí e do Maranhão, identificados como 510, 515, 525, 560, 561, 564, 574, 575, 579, 581, 583, 585, 587, 589 e 592. O experimento foi realizado no Campo Experimental de Bebedouro, pertencente à Embrapa Semiárido, e os frutos foram transportados para o Laboratório de Fisiologia Pós-Colheita da mesma instituição para avaliação. O delineamento experimental foi em blocos casualizados, com três repetições, constituídas de oito frutos. Foram avaliados massa, comprimento, diâmetro, diâmetro da cavidade interna, espessuras da casca e da polpa, firmeza da polpa, luminosidade, croma e ângulo de cor da polpa, acidez titulável, sólidos solúveis, açúcares e amido, usando como medida de dissimilaridade a distância generalizada de Mahalanobis, os métodos de otimização de Tocher e UPGMA, além da importância dos caracteres pelo critério de Singh. Os dois primeiros agruparam os acessos 587 e 515 como os mais similares. Os métodos de Tocher e UPGMA foram parcialmente concordantes na separação dos acessos, permitindo agrupar igualmente 592, 561 e 575. Os descritores acidez titulável, açúcares, firmeza e ângulo de cor contribuíram para explicar cerca de 26,59 % da variabilidade, devendo ser utilizados na seleção de genótipos com frutos de qualidade superior.