



## OUTROS

1379

### **Hospedeiros alternativos para *Pantoea ananatis*, agente causal da mancha branca do milho** (Alternative host plants for *Pantoea ananatis*, the causal agent of maize white spot (MWS) disease)

**Gonçalves, R.M.<sup>1</sup>; Pedro, E.S.<sup>1</sup>; Pedro, F. R.<sup>2</sup>; Figueiredo, J.E.F.<sup>3</sup>; Meirelles, W. F.<sup>3</sup>; Paccola-Meirelles, L.D.<sup>1</sup>**

<sup>1</sup>UEL; <sup>2</sup>UNIFEMM; <sup>3</sup>Embrapa Milho e Sorgo; E-mail: [paccola@uel.br](mailto:paccola@uel.br)

O agente causal da doença mancha branca do milho (MBM), a bactéria *Pantoea ananatis*, foi relatada como patogênica para diversas culturas como melão, arroz, cebola, aveia, eucalipto e tomate. Sintomas semelhantes à MBM também foram observados em capim-colchão (*Digitaria horizontalis* e *Digitaria* sp.) e estudos demonstraram a possibilidade dessas espécies serem hospedeiras alternativas para *P. ananatis*. O presente estudo objetivou estabelecer a identidade molecular de bactérias recuperadas das lesões do capim-colchão e do milho híbrido HS200 obtidas por meio de inoculação cruzada. O DNA de cada isolado foi extraído pela fervura de uma suspensão bacteriana por 15 min a 95 °C e centrifugado. O sobrenadante foi precipitado com isopropanol a 75%, lavado com álcool 70% e ressuspenso em TE. O gene para a subunidade 16S do gene ribossomal bacteriano foi amplificado pela técnica de PCR utilizando os primers universais (27F e 1494R). Também foram utilizados iniciadores desenhados para amplificação de uma sequência de DNA com aproximadamente 388pb encontrada unicamente na espécie *Pantoea ananatis*. Os produtos amplificados foram purificados de géis de agarose a 0,8% e sequenciados. As sequências obtidas foram comparadas entre os diferentes isolados e com aquelas sequências depositadas no GenBank para estabelecer o grau de similaridade e para confirmação da identidade. O sequenciamento parcial do gene ribossomal 16S, bem como do amplicom de 388pb confirmaram a identidade dos isolados como pertencentes à espécie *P. ananatis* e revelou a existência de diferenças entre as sequências de 388pb do capim-colchão e do milho. As informações moleculares possibilitaram concluir com segurança as respectivas identidades das bactérias recuperadas das inoculações cruzadas e forneceram importante subsídio para a afirmação de que o capim-colchão é hospedeiro alternativo para *P. ananatis*.

Hospedeiro: *Zea mays*

Patógeno: *Pantoea ananatis*

Doença: Mancha branca do milho

Área: Outras