



MICOLOGIA

1075

Diversidade de homólogos do gene codificador da proteína alergênica *alt a 1* em isolados de *Alternaria* associados com aliáceas no Brasil

(Diversity of *Alt a 1* allergen protein-coding gene homologs in *Alternaria* isolates associated with Alliaceae crops in Brazil)

Andrade, M.T.^{1,3}; Santos, M.D.M.^{1,3}; Cabral, C.S.^{2,3}; Boiteux, L.S.^{3,4}; Reis, A.^{3,4}; Fonseca, M.E.N.^{3,4}.

¹Universidade de Brasília; ²Universidade Federal Rural de Pernambuco; ³Embrapa Hortaliças; ⁴Bolsista de Produtividade CNPq. E-mail: mairatandrade@gmail.com

Alternaria porri tem sido relatado como o principal agente causal da mancha púrpura de Aliáceas no Brasil. No entanto, diferenças morfológicas têm sido observadas entre isolados. A diversidade de seqüência de homólogos do gene codificador da proteína alergênica de *Alternaria alternata* (*Alt a 1*) tem sido utilizada para análises filogenéticas do gênero *Alternaria* devido à sua elevada taxa de evolução e maior número de nucleotídeos informativos em análise de parcimônia. No presente trabalho foi realizado um estudo da diversidade de isolados de *Alternaria* de aliáceas no Brasil usando informações genéticas derivadas do gene *Alt a 1*. Isolados de *Alternaria* foram obtidos de alho, cebola, alho-poró e cebolinha em diferentes regiões produtoras do Brasil. Os isolados foram cultivados em BDA e o DNA foi extraído do micélio pelo método CTAB. A amplificação via PCR foi conduzida com iniciadores de síntese específicos para o gene *Alt a 1*. Os amplicons (cerca de 534 pb) foram purificados do gel de agarose e seqüenciados diretamente com os mesmos iniciadores do gene *Alt a 1*. O alinhamento com seqüências disponíveis no GenBank foi realizado com os programas SeqMan e Megalign (Lasergene, Madison-WI). A análise filogenética foi realizada com os parâmetros de Hong *et al.* (Fungal Genetics and Biology, 42:119-129, 2005) utilizando o programa PAUP 4.0. Vinte isolados foram alocados no grupo-específico porri (que inclui *A. solani*, *A. porri*, *A. dauci*, *A. iranica* e *A. vanuatuensis*). Alguns desses isolados foram alocados em subgrupos (*dauci* e *macrospora*) dentro do grupo-específico porri. Três isolados foram alocados no grupo-específico *alternata* (que inclui *A. alternata*, *A. longipes* e *A. tenuissima*). Os agrupamentos revelados na presente análise foram semelhantes aos obtidos em estudos anteriores (Hong *et al.*, 2005). Esses resultados sugerem a presença de um complexo de distintas espécies de *Alternaria* associadas com Aliáceas no Brasil.