

SELEÇÃO DE PRIMERS PARA USO DE ISSR NA ANÁLISE DE DIVERSIDADE GENÉTICA EM PINHÃO-MANSO (*Jatropha curcas* L.)

HARTMANN NETO¹, Ivenio R.; ALENCAR², Juliana L. M.; DINIZ³, Fábio M.; SOUZA³, Valdomiro A.B.; ARAÚJO³, Eugênio C.E.; LIMA³, Paulo S.C.

¹Graduando Engenharia Agrônômica, Universidade Federal do Piauí, Teresina, Piauí, Brasil.

²Especializanda Genética e Evolução, Universidade Federal do Piauí, Teresina, Piauí, Brasil.

³Pesquisador, Embrapa Meio-Norte, Teresina, Piauí, Brasil. sarmanho@cpamn.embrapa.br

No Brasil, o pinhão-mansão pode ser considerado uma das mais promissoras oleaginosas como fonte de biodiesel. É sempre encontrado de forma dispersa, adaptando-se a condições edafoclimáticas das mais variáveis, ocorrendo nas regiões: sudeste, centro-oeste e nordeste brasileiro. O pinhão-mansão, com o advento do Programa Brasileiro de Biodiesel foi incluído como uma alternativa para fornecimento de matéria-prima, devido a sua alta produtividade de óleo e baixo custo de produção. O presente trabalho teve como objetivo selecionar primers para avaliar o potencial do marcador ISSR (inter-repetições de seqüências simples) para a análise da diversidade genética entre os acessos da coleção de germoplasma do pinhão-mansão da Embrapa Meio-Norte. Na realização desse estudo utilizaram-se dois genótipos: um coletado em Teresina – Pi e outro proveniente de Nova Porteirinha - MG. As reações de amplificação foram preparadas em volume final de 20µL, com Tampão 1X [20mM Tris-HCl ph 8,0; 0,1mM EDTA; 1,0mM DTT; 50% (v/v) glicerol]; MgCl₂ 0,6µL ; dNTPs 1,6µL; 0,5µL de primers, 0,2µL de Taq DNA Polimerase (INVITROGEN). Os produtos de amplificação foram separados por eletroforese em gel de agarose a 1,4 %, corado com 18µL de SYBR Safe DNA Gel Stain a 10.000x em tampão de TBE (Tris-Borato 100 mM, EDTA 2 mM). O processo de eletroforese ocorreu a 60V por 3h30min. No final da corrida o gel foi visualizado e fotografado sob luz ultravioleta. Foram selecionados cinco primers: UBC 816, UBC 821, UBC 822, UBC 830, UBC 880, em razão do polimorfismo e robustez das bandas obtidas, apresentando potencial para caracterização molecular da coleção estabelecida na Embrapa Meio-Norte.

