



DIVERGÊNCIA MULTICATEGÓRICA ENTRE ACESSOS DE FEIJÃO-CAUPI DA SUBCLASSE FRADINHO

José Ribamar de Assunção Filho¹; Artur Mendes Medeiros¹; Kaesel Jackson Damasceno e Silva; Maurisrael de Moura Rocha²; Francisco Rodrigues Freire Filho²

¹ Bolsistas de Iniciação Científica, e-mail: ribamarfh@hotmail.com,

² Pesquisadores – Embrapa Meio-Norte, e-mail: kaesel@cpamn.embrapa.br, mmrocha@cpamn.embrapa.br, freire@cpamn.embrapa.br;

Palavras-chave: *Vigna unguiculata*, Fradinho, Multicategórica, Divergência.

O BAG de feijão-caupi da Embrapa Meio-Norte dispõe de ampla variabilidade genética e entre os acessos disponíveis destacam-se os pertencentes à subclasse fradinho, a qual tem boa aceitação comercial, principalmente no mercado externo. A análise da divergência genética entre esses acessos é uma etapa fundamental do melhoramento. O presente trabalho teve como objetivo estimar a divergência genética entre acessos da subclasse fradinho do feijão-caupi por meio de análise multicategórica. Foram avaliados 30 descritores morfológicos relacionados à planta, à flor, à vagem e à semente de vinte acessos pertencentes ao BAG de feijão-caupi, sendo eles: (1) MNC-1751, (2) MNC-1752, (3) MNC-1753, (4) MNC-1754, (5) MNC-1755, (6) MNC-1756, (7) MNC-1757, (8) MNC-1758, (9) MNC-1759, (10) MNC-1760, (11) MNC-1761, (12) MNC-1762, (13) MNC-1763, (14) MNC-1764, (15) MNC-1765, (16) MNC-1766, (17) MNC-1767, (18) MNC-1768, (19) MNC-1769, (20) MNC-1770. O delineamento experimental utilizado foi o de blocos casualizados com quatro repetições. A unidade experimental foi composta por quatro linhas de cinco metros, sendo a área útil composta pelas duas linhas centrais, com espaçamento de 0,125 m entre plantas e de 0,4 m entre linhas. Para a análise multicategórica utilizaram-se dados de moda. A característica que apresentou maior variação entre os acessos foi a cor da vagem madura. Contudo, os genótipos 14 e 20 apresentaram a maior concordância de valores possível, não diferindo quanto aos 30 caracteres analisados. Os acessos 11 e 18 apresentaram o maior grau de discordância, diferindo em 40% dos caracteres avaliados. Os genótipos estudados apresentaram grau de divergência genética satisfatório para os caracteres considerados, sendo esta população promissora para a identificação de parentais para o Programa de Melhoramento de Feijão-caupi.

Fonte financiadora: Embrapa Meio-Norte