



DOCUMENTAÇÃO E INFORMATIZAÇÃO DO BANCO ATIVO DE GERMOPLASMA DE BABAÇU DA EMBRAPA MEIO-NORTE (EMBRAPA CPAMN), TERESINA-PI

Ilza Maria Sittolin¹; José Mário Ferro Frazão¹; Eugênio Celso Emerito¹; Paulo Sarmanho Lima¹; Valdomiro Aurélio Barbosa de Souza

¹Embrapa Meio-Norte, ilza@cpamn.embrapa.br; jmfrazão@uol.com.br; emérito@cpamn.embrapa.br; paulosarmanho@cpamn.embrapa.br; valdo@cpamn.embrapa.br

Palavras-chave: *Orbignya*, babaçu, germoplasma, variabilidade

A partir de 2002, a Embrapa Meio-Norte iniciou um processo de revitalização e resgate de informações de dois bancos de germoplasma de babaçu implantados em 1980 e 1990. Objetivando documentar e cadastrar os acessos do BAG-Babaçu registraram-se para cada acesso os dados de passaporte e de caracterização das plantas e de frutos. Os principais dados de passaporte enumerados foram: código local e código BRA, número de introdução, local de manutenção, família, gênero, espécie, nome comum, coletor, procedência, e demais informações que indiquem como a variabilidade foi obtida. Os descritores anotados para planta e frutos foram: porte, altura, tipo de folhas, inflorescências, razão sexual, e tamanho do fruto, forma, peso, comprimento, diâmetro, porcentagem de epicarpo, mesocarpo, endocarpo, número de sementes, teor de óleo, entre outros. Registraram-se 185 acessos, constituídos por cinco espécies: *Orbignya phalerata*, *O. oleifera*, *O. brejinoensis*, *O. teixerana*, *O. eichleri*. Atualmente as informações de passaporte e de dados gerados na forma de listagens (dados qualitativos e quantitativos) estão sendo cadastrados na base de dados do Sistema Brasileiro de Informação de Recursos Genéticos (SIBRARGEN). A constatação de palmeiras como *O. eichleri* com inserção baixa dos cachos e de *O. teixerana* de porte médio, considerada como híbrido natural entre *O. phalerata* e *O. eichleri*, constituem populações coletadas que poderão levar a determinação de linhagens e seleção de caracteres que serão usados no melhoramento genético. Os dados disponibilizados e informatizados constituem uma ferramenta importante para programas de manejo de recursos genéticos e melhoramento genético da espécie além de propiciar a preservação dos dados e o intercâmbio de informações.