

NOME DO PRIMEIRO AUTOR**THIAGO DUTRA DE CARVALHO**

5^a Jornada Científica da Embrapa Gado de Corte
21 a 23 de outubro de 2009

Campo Grande - MS

TÍTULO

AVALIAÇÃO DE POLIMORFISMOS DE NUCLEOTÍDEOS ÚNICOS (SNPs) EM GENES RELACIONADOS ÀS CARACTERÍSTICAS DE QUALIDADE DE CARNE EM BOVINOS DE CORTE

AUTORES

CARVALHO, T. D. (1)*; SIQUEIRA, F. (2); SOARES, C. O. (2); TORRES JUNIOR, R. A. A. (2); MEDEIROS, S. R. (2); SOUZA JUNIOR, M. D. (3); BLECHA, I. M. Z. (4); FLORES, R. S. (5); MACHADO, C. O. F. (6)

CHAMADA DE RODAPÉ

(1) Mestrando em Ciência Animal da UFMS, bolsista Fundect na Embrapa Gado de Corte, bio_thiago@hotmail.com. (2) Pesquisador da Embrapa Gado de Corte. (3) Mestrando em Ciência Animal da UFMS, bolsista DTI-III/CNPq na Embrapa Gado de Corte (4). Acadêmica do curso de Ciências Biológicas da Uniderp/Anhanguera, bolsista IC na Embrapa Gado de Corte. (5) Bolsista DTI-III/CNPq na Embrapa Gado de Corte. (6) Acadêmica de Ciências Biológicas da UFMS, bolsista IC/Fundect na Embrapa Gado de Corte

RESUMO

A identificação precoce de animais que apresentam potencial para produção de carne de qualidade é um passo fundamental para melhoria da produtividade do rebanho. Os testes de DNA constituem uma importante ferramenta para viabilizar a seleção, aumentando assim a qualidade da carne. A descoberta de polimorfismos genéticos do tipo *Single Nucleotide Polymorphism* (SNP) associados a genes relacionados às características de qualidade da carcaça e de carne poderá facilitar a inclusão desses nos programas de melhoramento genético de bovinos de corte no Brasil. Este trabalho tem como objetivo avaliar as frequências alélicas e genotípicas de SNPs nos genes *CAPN1*, *CAST*, *TG*, *DGAT1* e *LEP*, e a associação desses com características como maciez, marmoreio e deposição de gordura na carcaça em 200 animais (machos e fêmeas) cruzados. Para a obtenção dos animais foram utilizadas 50 matrizes $\frac{1}{2}$ Valdostana + $\frac{1}{2}$ Nelore (VN), 50 matrizes $\frac{1}{2}$ Angus + $\frac{1}{2}$ Nelore (AN), inseminadas com touros Caracu e Canchim, e 80 matrizes $\frac{1}{2}$ Caracu + $\frac{1}{2}$ Nelore (CN) inseminadas com Caracu e Angus nas estações de monta de 2006-2007 e 2007-2008. Após o desmame os animais foram submetidos a confinamento mantido em baias individuais até o abate. A genotipagem dos 200 bezerros (machos e fêmeas) e dos 36 touros será realizada pela técnica de PCR-RFLP. Os cinco polimorfismos de restrição, um SNP para cada gene, serão comparados aos dados obtidos na avaliação das carcaças. Os resultados poderão contribuir para o melhoramento genético de bovinos de corte, favorecendo a utilização de marcadores moleculares na seleção de animais mais produtivos e adaptados às nossas condições climáticas da região Centro-Oeste.

PARCERIA/APOIO FINANCEIRO

Embrapa Gado de Corte, UFMS, Uniderp/Anhanguera, Fundect e CNPq

* autor correspondente