

Resumen | Presentación en Modalidad Oral

Área Biotecnología. *Proyecto en curso*

## Análisis de diversidad genética en poblaciones de *Bauhinia forficata subsp. pruinosa* (Pezuña de vaca, o buey, Pata de vaca) mediante el uso de marcadores moleculares

### *Genetic analysis of populations of Bauhinia forficata subsp. pruinosa (Pezuña de vaca, buey, Pata de vaca) using molecular markers- Production*

Vazquez, C.<sup>2</sup>; Mirra, F.<sup>2</sup>; Spotorno, V.<sup>1</sup>; Fortunato, R.<sup>1,3,4</sup>; Lopez, M.<sup>1,2</sup>

<sup>1</sup>Instituto de Recursos Biológicos, Centro de Investigaciones de Recursos Naturales, INTA.

<sup>2</sup>Universidad del Salvador

<sup>3</sup>CONICET

<sup>4</sup>Universidad de Morón.

Contacto: micaela.lopez@usal.edu.ar

Palabras clave: SSR - Bauhinia - transferencia

Keywords: SSR- Bauhinia- transferability

*Bauhinia. forficata* Link. subsp. *pruinosa* (Vogel) Fortunato & Wunderlin, crece naturalmente desde Paraguay, Sur de Brasil hasta Argentina, y tiene antecedente de uso ornamental y terapéutico (diurético, antidiarreico, hipoglucemiante). Este proyecto tiene como objetivo la caracterización de poblaciones de *bauhinia forficata subsp pruinosa* utilizando marcadores moleculares. Existen SSRs diseñados en taxones afines: *Cercis canadensis* L. y *C. chinensis*, de los que hay antecedentes de transferibilidad entre especies. Por ello se evaluó su transferencia en las poblaciones de *Bauhinia*. Estos resultados asociados a los que se obtengan de las evaluaciones químicas permitirán conocer su relación con los biotipos que se identifiquen. Para esto, se extrajo ADN mediante el método de Dellaporta (1983)<sup>1</sup> de 10 individuos del Jardín botánico Arturo E. Ragonese, se cuantificó y se realizó PCR de los SSRs seleccionados. El producto se sembró, junto con un marcador de peso molecular, en geles desnaturalizantes de poliacrilamida en cubas de secuen-

ciación teñidos con nitrato de plata y revelados con hidróxido de sodio. Hasta el momento, se evaluaron 15 SSRs (6 provinieron de *C. chinensis* y 9 de *C. canadensis*). De estos 15 SSRs, 11 mostraron productos de amplificación. De ellos 9 fueron polimórficos indicando diferencias interpoblacionales, que podrían indicar variabilidad química y por lo tanto resta correlacionar la actividad biológica de los distintos biotipos. Además, algunos SSRs mostraron más de un locus, información que respalda lo señalado por Poggio *et al.*<sup>2</sup> que en la subfamilia *Cercidoideae*, *Bauhinia* (2n=28) se generó por hibridación y poliploidía a partir del ancestro *Cercis* (2n= 14).

Además, se realizó el muestreo de 20 puntos de colecta distribuidas en las provincias de Misiones, Córdoba y Buenos Aires de por lo menos tres individuos por punto. Estos individuos serán evaluados mediante técnicas de SSR para determinar mediante distintos parámetros la variabilidad intra e interpoblacional.

#### Referencias bibliográficas

<sup>1</sup>Dellaporta, S.L., Wood, J. and Hicks, J.B. (1983) A plant DNA mini preparation: version II, Plant Molecular Biology Reporter, 1, 19-21. doi.10.1007/BF02712670 Poggio et al.

<sup>2</sup>Poggio, L., Espert, S., & Fortunato, R. (2008). Citogenética evolutiva en Leguminosas americanas. Rodriguésia, 59(3), 423-433. <http://www.jstor.org/stable/23499869>