

## ANÁLISIS DE MARCADORES DE HERENCIA UNIPARENTAL EN “LA ESPERANZA” (SAN PEDRO, JUJUY)

*Altuna, M Eugenia<sup>1</sup>; Modesti, Nidia M<sup>1</sup>; Demarchi, Darío A<sup>2</sup>*

<sup>1</sup>Unidad CEPROCOR, Agencia Córdoba Ciencia, Córdoba

<sup>2</sup>Museo de Antropología, FFyH, UNC. dariodemarchi@gmail.com

En el presente trabajo se analizó una muestra de pobladores “criollos” obtenida en el Ingenio La Esperanza (San Pedro, Jujuy) constituida por 92 individuos (38 varones, 54 mujeres) en los polimorfismos que definen los 4 linajes maternos amerindios, y en 11 microsatélites (STRs) del cromosoma Y. El ADN fue extraído a partir de hisopados bucales. Los polimorfismos mitocondriales fueron determinados a través de protocolos ya publicados. Los STRs del cromosoma Y fueron tipificados empleando el kit *Powerplex Y-system* (Promega) y el analizador genético *ABI 3130xl*. El 91% de los individuos analizados posee uno de los 4 linajes maternos amerindios, distribuidos según las siguientes proporciones: Linaje A 11%, B 49%, C 18% y D 23%. Esta distribución de frecuencias resulta similar a la observada en poblaciones de la región chaqueña. En cuanto a los linajes paternos, se encontraron 34 haplotipos diferentes, de los cuales sólo 3 se repitieron, lo que sugiere gran heterogeneidad en la población. De la búsqueda en el *Y Chromosome Haplotype Reference Database* se infiere que 11 de los haplotipos encontrados serían amerindios, 14 europeos, 2 árabes y 2 africanos. Los restantes individuos requerirán el análisis de marcadores bialélicos para poder ser asignados de manera inequívoca.

*Palabras clave:* Ancestros genéticos, ADNmt, Cromosoma Y.

*Keywords:* Genetic ancestors, mtDNA, Y-Chromosome.