

DISTRIBUCIÓN ALÉLICA DEL LOCUS HLA-DRB1 EN POBLACIONES SUDAMERINDIAS. SUS RELACIONES BIOLÓGICAS A NIVEL INTERCONTINENTAL

Parolín, ML; Carnese, FR

Sección Antropología Biológica, I.C.A., Facultad de Filosofía y Letras, UBA.
antbiol@filo.uba.ar

El estudio de la variabilidad del locus HLA-DRB1 en los amerindios, permitió identificar numerosos alelos que son característicos y constituyen una excelente herramienta para definir sus relaciones y afinidades biológicas. Mediante técnicas moleculares de PCR-SSOP y PCR-SSP se determinaron los alelos del locus HLA-DRB1 en cuatro poblaciones sudamerindias: mapuche (n=34) y tehuelche (n=23) de la Patagonia Argentina, wichi (n=24) y lengua (n=17) del Chaco Argentino y Paraguayo. Se observaron elevadas prevalencias de los alelos DRB1*0403, *0407, *0802, *0901, *1402, *1406 y *1602. Estas variantes caracterizan a las poblaciones amerindias y son, en parte, compartidas con grupos del noreste asiático. A su vez, se confirmó la presencia del alelo DRB1*0417 detectado, exclusivamente, en poblaciones del Chaco Argentino. Nuestros datos se compararon con los obtenidos por otros autores en 70 poblaciones mundiales, con el fin evaluar sus relaciones y afinidades biológicas. El dendrograma de distancias genéticas mostró una clara divergencia entre las poblaciones de América y Siberia por un lado, y de Europa, África, Oceanía y resto de Asia, por el otro. Los mapuche y tehuelche conformaron un núcleo de similitud genética con poblaciones de origen Andino, mientras que los wichi y los lengua se unieron a las poblaciones del Gran Chaco Argentino. Estos resultados se corresponden con la información lingüística, geográfica y con las relaciones interétnicas establecidas en el tiempo y en el espacio entre los grupos estudiados.

Palabras clave: HLA-Amerindios-Variabilidad / HLA-Amerindians-Variability.

Apoyo Financiero: CONICET- UBACyT