

ANÁLISIS DE ADN MITOCONDRIAL PARA COMPRENDER EL POBLAMIENTO PREHISTÓRICO DEL URUGUAY

Sans, Mónica¹; Figueiro, Gonzalo^{1,2}; Hidalgo, Pedro C³

¹Departamento de Antropología Biológica, FHCE, Universidad de la República, ²Sección Genética Evolutiva, FC, Universidad de la República, ³Instituto Nacional de Donación y Transplante (INDT), Hospital de Clínicas, Uruguay. E-mail: msans@fhuce.edu.uy

Numerosos estudios refieren a la cantidad de “oleadas” poblacionales que pudieron haberse asentado en América del Sur; las muchas oleadas propuestas en las décadas entre 1920 y 1960 se redujeron posteriormente a una o dos. Recientes estudios muestran que, al considerar haplogrupos mitocondriales, no todas las regiones presentan los cuatro que habrían llegado a la región, proponiéndose para el extremo sur la presencia de solo dos de éstos. En este estudio se propone analizar haplogrupos mitocondriales en pobladores prehistóricos del Uruguay, en una muestra de 27 esqueletos de dos áreas, y la relación de su frecuencia con regiones propuestas como propias de distintas oleadas utilizándose otras variables. Si bien el número de individuos en los que pudo ser analizado el ADNmt es escaso, los haplogrupos B y C son una clara mayoría, mientras que el haplogrupo A parece relacionarse a poblaciones que habrían llegado cercanas al momento de conquista europea. Se discute si estas diferencias se explican por deriva génica o por eventos migratorios distintos.

Palabras clave: oleadas poblacionales, procesos microevolutivos.

Keywords: population waves, microevolutionary processes.

Financiado por Comisión Sectorial de Investigación Científica, Universidad de la República