





Evento	Salão UFRGS 2018: SIC - XXX SALÃO DE INICIAÇÃO CIENTÍFICA
	DA UFRGS
Ano	2018
Local	Campus do Vale - UFRGS
Título	Avaliação De Bacilos Gram Positivos Esporulados Eficientes No
	Biocontrole Da Curvularia Sp. Causador Da Mancha Da
	Curvularia Na Palmeira Juçara (Euterpe Edulis Mart.)
Autor	SIMONE FURTUNATO LANGE
Orientador	ANELISE BENEDUZI DA SILVEIRA

AVALIAÇÃO DE BACILOS GRAM POSITIVOS ESPORULADOS EFICIENTES NO BIOCONTROLE DA *Curvularia* sp. CAUSADOR DA MANCHA DA CURVULARIA NA PALMEIRA JUÇARA (*Euterpe edulis* MART.)

<sup>1</sup>Simone Furtunato Lange, <sup>2</sup>Andrea Rotta de Oliveira, <sup>2</sup>Letícia Longoni, <sup>1, 2</sup>Anelise Beneduzi.

Euterpe edulis Martius (palmeira juçara) pertencente a família Arecaceae é uma espécie nativa da Mata Atlântica, sendo conhecida pela intensa extração do palmito e por ser uma espécie ameaçada de extinção. O fitopatógeno denominado Curvularia sp. é causador da mancha da curvularia, doença que acomete nas folhas da juçara. Devido a isso foram isoladas em trabalhos anteriores bactérias Gram-positivas esporuladas da rizosfera de palmiteiro, com características de promoção do crescimento vegetal e/ou biocontroladoras, coletada numa região de Mata Atlântica, localizada no Centro de Pesquisa do Litoral Norte (DDPA/SEAPI) em Maquiné/RS. Para o isolamento do patógeno, Curvularia sp., foram retiradas amostras das folhas da palmeira juçara e colocadas em meio BDA para o crescimento e caracterização do fungo. Os testes para biocontrole foram feitos por antagonismo, inserindo os isolados nas extremidades das placas, em tripicatas, dispostos na forma de uma estria, onde o patógeno foi colocado no centro da placa em forma de disco. Uma placa contendo somente o fungo Curvularia sp. sem qualquer isolado bacteriano, serviu de controle. No período de sete dias, o patógeno cresceu na superfície da placa contendo o meio de cultura e serviu para indicar o momento de avaliar a inibição. No total, foram obtidos vinte e três isolados de bacilos Gram positivos esporulados com potencial biocontrolador da doença, dos quais vinte foram caracterizados como os mais promissores. A identificação destes isolados bacterianos foi realizada através do sequenciamento do gene 16S rRNA, onde foram encontrados os gêneros Bacillus, Lysinibacillus e Viridibacillus.

<sup>&</sup>lt;sup>1</sup> Universidade La Salle

<sup>&</sup>lt;sup>2</sup> Departamento de Diagnóstico e Pesquisa Agropecuária (DDPA, ex-FEPAGRO)/ Secretaria da Agricultura, Pecuária e Irrigação (SEAPI)/RS