

**P 4279****Estudo da transmissão hospitalar do *Pneumocystis jirovecii* a partir de pacientes HIV-positivos colonizados**

Eliel Silva Alves, Ricardo Ariel Zimerman, André Luís Müller, Vitor Freitas Zinn, Nicolas Bioni Stefano, Rosicler Luzia Brackmann, Gustavo Wissmann

Hospital de Clínicas de Porto Alegre (HCPA)

**Introdução:** O *Pneumocystis jirovecii* é um fungo transmitido por via aérea. A transmissão do *P. jirovecii* a partir de pacientes com a pneumonia por *Pneumocystis* (PcP) já foi descrita. Não está esclarecida, entretanto, a possibilidade de transmissão a partir de um paciente que está somente colonizado pelo microrganismo. **Objetivo:** Investigar, através de técnicas moleculares, a transmissão do *P. jirovecii* de pacientes HIV-positivos colonizados a outros pacientes do mesmo quarto hospitalar. **Métodos:** Os pacientes-fonte do estudo foram 26 indivíduos HIV-positivos nos quais a colonização foi identificada através de uma *nested*-PCR que utilizou os *primers* pAZ102-E/pAZ102-H e pAZ102-X/pAZ102-Y em lavado de orofaringe coletado no primeiro dia de internação, no Hospital de Clínicas de Porto Alegre (HCPA), entre agosto e dezembro de 2012. Foram considerados contactantes os pacientes que compartilharam o quarto hospitalar. O lavado de orofaringe dos contactantes foi obtido nos dias 1, 3, 5, 7 e 10 após o início do contato, e a *nested*-PCR supracitada foi utilizada para a pesquisa da colonização. Para determinar a concordância genotípica, as amostras positivas dos contactantes e as amostras dos pacientes-fonte foram levadas à caracterização da grande e da pequena subunidade do RNA ribossômico mitocondrial (mtLSUrRNA, mtSSUrRNA) através de sequenciamento genético automatizado no Centro de Pesquisa Experimental do HCPA. O estudo foi aprovado pelo Comitê de Ética em Pesquisa do HCPA. **Resultados:** a) 13/43 (30,2%) dos pacientes denominados contactantes apresentaram-se colonizados; b) houve similaridade genotípica entre dois contactantes e os seus respectivos pacientes-fonte que estavam previamente colonizados: num caso, a concordância foi do padrão 85T/248C na mtLSUrRNA e 160A/196T na mtSSUrRNA; no outro, o padrão 85C/248C na mtLSUrRNA e 160A/196T na mtSSUrRNA. **Conclusões:** A taxa de colonização observada entre os pacientes contactantes é compatível com dados de estudos prévios, que demonstram a alta prevalência da colonização pelo *P. jirovecii* em diversos grupos de pacientes hospitalizados. A identificação da concordância genotípica entre dois contactantes e seus pacientes-fonte é uma evidência molecular de que houve a transmissão do *P. jirovecii* nestes casos. Os dados do estudo indicam que novas estratégias de controle da circulação deste microrganismo no ambiente hospitalar devem ser elaboradas. **Palavras-chaves:** *Pneumocystis jirovecii*, transmissão, colonização. Projeto 12-0282