

EVOLUÇÃO TEMPORAL DA FUNÇÃO RENAL ENTRE PACIENTES CRITICAMENTE DOENTES: PAPEL DOS POLIMORFISMOS I/D E -262A>T DO GENE DA ENZIMA CONVERSORA DE ANGIOTENSINA (ECA). DISSERTAÇÃO DE MESTRADO EM BIOLOGIA CELULAR E MOLECULAR-PUCRS

JOSÉ ALBERTO RODRIGUES PEDROSO; DIEGO D'ÁVILA PASKULIN; EVERALDO DE FRANÇA; LUIZ CLÁUDIO D'ÁVILA; FERNANDO SUPARREGUI DIAS; SIDIA MARIA CALLEGARI-JACQUES; CLARICE SAMPAIO ALHO

Introdução: A disfunção de múltiplos órgãos e a Insuficiência renal aguda compartilham muitos fatores fisiopatológicos. O gene da ECA poderia ser um potencial candidato a fator de risco genético em pacientes de UTI. **Objetivo:** Determinar se há efeito dos polimorfismos I/D e -262A>T do gene da ECA na tendência da função renal em pacientes criticamente doentes. **Material e Métodos:** Um escore de avaliação seqüencial da disfunção orgânica (SOFA) foi empregado para determinar o estado basal da saúde no 1º dia de admissão à UTI do HSL-PUCRS de 153 pacientes adultos (79 homens). A tendência da função renal foi obtida pelo SOFA renal (determinado pela medida diária da creatinina sérica e da diurese). Observou-se a progressão à disfunção renal (valores 3 e 4 de escores SOFA) nos primeiros 7 dias de admissão em UTI e necessidade de diálise durante este período. Outros desfechos de interesse: óbito e tempo permanência em UTI e hospitalar. Foi obtido Consentimento Informado e aprovação em Comitê de Ética. **Resultados:** As freqüências genotípicas totais em nossa amostra foram II=0.17; ID=0.46; DD=0.37 e AA=0.30; AT=0.55; TT=0.15, e as freqüências alélicas foram I=0.40; D=0.60 e A=0.56; T=0.44. Nenhuma associação significativa foi encontrada entre a evolução da função renal no período estudado e os genótipos ou freqüências alélicas dos polimorfismos em questão. **Conclusão:** Os polimorfismos I/D e -262A>T não apresentaram nenhum impacto significativo na tendência da função renal durante a primeira semana de internação na UTI. Não houve influência da herança genética dos mesmos sobre a mortalidade nos pacientes estudados. Este é o primeiro estudo delineado para verificar a influência de polimorfismos I/D e -262A>T do gene ECA na disfunção renal aguda entre pacientes de UTI.