

As actinas são proteínas componentes do citoesqueleto de células eucarióticas, de estrutura globular, capazes de assumir um estado polimérico de dinâmica de formação, direção e sentido regulada de maneira refinada pela maquinaria celular. Estudos de caracterização das seqüências codificantes revelaram que as isoformas de actina são codificadas por famílias multigênicas, em geral organizadas em "clusters" gênicos, observando-se regulação temporal e espacial na expressão dessas isoformas. Assim sendo, as actinas constituem um interessante modelo em estudos de regulação gênica em eucariotos. Contudo, pouco se sabe a respeito da organização e regulação dos genes de actina de *Echinococcus granulosus*, verme cestóide pertencente à família Taeniidae, agente causador da hidatidose cística. Já foram isolados e caracterizados dois genes a partir de recombinantes genômicos (EgactI e EgactII) além de um clone (EgactIII) de cDNA parcial (Silva et al 1993). Um clone genômico, chamado de p3.3, contendo uma quarta seqüência relacionada a genes de actina parcialmente caracterizada (EgactIV) também foi isolada a partir de uma sonda correspondente à região 3' de EgactIII (Castro, 1995). O presente trabalho constitui-se em uma continuação desses estudos, no sentido de caracterizar a seqüência de EgactIV. Já foi anteriormente demonstrado que a seqüência completa de EgactIV está presente no clone p3.3 e que ela está posicionada internamente a uma região de 3 kb flanqueada por dois sítios de HindIII. Essa região foi subclonada em pBS SK, tendo sido produzido um mapa de restrição mais refinado. Além disso, o seqüenciamento dessa região pelo método de Sanger está sendo efetuado.