

119

**ANÁLISE DA EXPRESSÃO DO PROTO-ONCOGENE RAS NO BÓCIO MULTINODULAR.** *Rafael Lobato,**Mirelle Posser, Lenara Golbert, Ana L. Maia.* (Serviço de Endocrinologia, HCPA, Faculdade de Medicina, UFRGS)

O nódulo de tireóide é uma patologia clínica comum, acometendo 5 a 10 % da população. A doença nodular de tireóide aumenta significativamente em regiões de bócio endêmico como o Rio Grande do Sul. Várias alterações genéticas e fatores ambientais, em especial a deficiência de iodo, podem ser responsáveis pelo desenvolvimento dessas neoplasias. Dentre as alterações genéticas identificadas, o aumento da expressão ou mutações de proto-oncogenes estão relacionadas com o aumento do crescimento celular em detrimento da diferenciação. Estudos sugerem que o proto-oncogene *ras* pode estar envolvido na lesão inicial do processo de transformação neoplásica da célula tireoidiana da célula tireoidiana. Há controvérsia na literatura sobre a prevalência de alterações no proto-oncogene *ras* nos tumores benignos e malignos de tireóide. O objetivo deste estudo é determinar a expressão e a prevalência de mutações no proto-oncogene *ras* no bócio multinodular, patologia benigna, numa zona endêmica. Foram incluídos 93 pacientes com bócio multinodular ou uninodular atendidos no ambulatório de Endocrinologia e/ou Cirurgia Geral do HCPA, a partir de março de 1999, encaminhados à cirurgia. É preenchida ficha de avaliação clínica dos pacientes que aceitam participar do estudo. Durante o ato cirúrgico é coletado fragmento de tecido tireoidiano normal e nodular de cada paciente, imediatamente congelado em nitrogênio líquido e mantido a  $-70^{\circ}$ . O RNA total é extraído pelo método de Trizol (Gibco BRL) e o cDNA sintetizado através do Reverse Transcriptidase. O estudo histopatológico dos 50 casos coletados até o momento revelou que 8 pacientes apresentavam carcinoma de tireóide, sendo destes 5 do tipo papilar, 2 foliculares e 1 medular e os 42 restantes apresentavam bócio colóide multinodular. Serão avaliados os 3 genes da família *ras*: *H-ras*, *K-ras* e *N-ras*, através da técnica de RT-PCR. Estamos padronizando a expressão dos genes *H* e *K-ras* e em fase de análise do *N-ras*. Os resultados preliminares sugerem um aumento da expressão do proto-oncogene *N-ras* nos tecidos nodulares em comparação com tecido de tireóide normal. (CAPES, CNPq, FAPERGS)