

020

AMPLIFICAÇÃO POR PCR DO GENE *sod C* DE *Actinobacillus pleuropneumoniae*: APLICAÇÃO EM AMOSTRAS DE CAMPO. *Rúbia D. Ruppenthal, Augusto Schrank, Irene Schrank, Itamar Piffer, Sérgio C. da Silva* (Centro de Biotecnologia, UFRGS).

A pleuropneumonia suína, causada pelo *Actinobacillus pleuropneumoniae* (App), é uma doença infecto-contagiosa de grande prevalência. A enzima superóxido dismutase (SOD) permite ao App resistir à ação tóxica de espécies de oxigênio ativado, produzido por células inflamatórias do hospedeiro. Somados a outros fatores de virulência, a identificação por PCR do gene *sodC* em amostras de campo pode contribuir para caracterizar animais infectados pelo App. Foram analisadas 54 amostras de bactérias NAD-dependentes isoladas de suínos oriundos de diferentes rebanhos, assim como controles positivos e negativos de reação. Além das análises bioquímicas e de sorotipagem feitas previamente, os resultados foram comparados também quanto a presença de toxinas e cápsula. Os controles positivos apresentaram um produto de amplificação esperado de 446 pb e os negativos não apresentaram amplificação. Das 54 amostras testadas, 10 apresentaram o gene *sodC* de App, sendo que em todas as situações (100%) pode-se encontrar o padrão de toxinas e cápsula. Duas amostras apresentaram-se negativas para o gene *sodC*, porém foram positivas para toxinas e cápsula, o que indica uma possível mutação natural do gene *sodC* nestas amostras de App. As 42 amostras restantes apresentaram-se negativas para o gene *sodC* de App. Foi possível notar ainda que o resultado *sodC* caracteriza o microrganismo como App em 3 amostras sorotipadas e em 4 não-sorotipáveis e com resultado das análises bioquímicas duvidoso. A coexistência dos três fatores de virulência - toxinas, cápsulas e a enzima SODC - deve ser analisada para o diagnóstico preciso da pleuropneumonia suína (CNPq-PIBIC/UFRGS).