

309

CONTRIBUIÇÃO AO ESCLARECIMENTO DA ORIGEM EVOLUTIVA DO GRUPO ACHE. Renata Schmitt^{1,2}, Carla Finkler¹, Loreta B. de Freitas¹, Sandro L. Bonatto², Francisco M. Salzano¹ (¹Departamento de Genética – UFRGS; ² Faculdade de Biociências - PUCRS, Porto Alegre, RS).

O povo Ache, devida sua linguagem, está inserido junto à família lingüística Tupi-Guarani. Porém, os Ache apresentam um modo de vida semelhante a indígenas do grupo lingüístico Macro-Gê: habitam florestas, praticam caça e coleta de subsistência e vivem em pequenos grupos. Além disso, são índios de pele clara, baixa estatura e isolados. Sendo assim, objetiva-se ajudar no esclarecimento da origem evolutiva deste grupo através do seqüenciamento do Segmento Hipervariável I (HVS-I) da região controladora do mtDNA de indivíduos da tribo. As amostras obtidas para o estudo são de uma população localizada próxima a reserva Cerro Moroti no Paraguai. Primeiramente elas foram separadas de acordo com o parentesco, totalizando $n=64$. Utilizou-se a técnica de PCR, a partir de DNA genômico total e em diluições, com *primers* específicos para a obtenção do fragmento desejado. Para as amostras de difícil amplificação, dispôs-se de duas outras técnicas, seguidas do PCR específico: PEP e DOP. Os fragmentos amplificados foram submetidos ao seqüenciamento em ciclos e, levados ao seqüenciador automático ABI 310. As seqüências obtidas foram processadas e alinhadas manualmente. Até o presente momento, foram seqüenciadas e analisadas 12 amostras sendo encontradas três seqüências diferentes. Duas pertencem ao Haplogrupo B e outra, ao Haplogrupo A. Sendo que a seqüência mais freqüente nos Ache, é a mesma que ocorre com maior freqüência dentro do Haplogrupo B. Esses resultados preliminares indicam que os Ache possuem uma baixa variabilidade no mtDNA que, pode estar relacionada com seu isolamento histórico e com o seu modo de vida. Futuramente, serão feitas análises mais apuradas (com restante das amostras) a fim de se obter maiores informações quanto a origem do grupo. (BPA/PUCRS, PRONEX, CNPq, FINEP, FAPERGS.)