

361

**ISOLAMENTO E SEQUENCIAMENTO DE FRAGMENTOS DE UMA BIBLIOTECA DE cDNA DE GLÂNDULA SALIVAR DE *Boophilus microplus*.** Moyses C. Barbosa<sup>1</sup>; Juliana Dalpian<sup>1</sup>; Carlos A. S. Ferreira<sup>1</sup>; Itabajara S. V. Junior<sup>1,2</sup>; Aoi Masuda<sup>1,3</sup>; (Centro de Biotecnologia<sup>1</sup>, Faculdade de Veterinária-UFRGS<sup>2</sup>, Departamento de Biologia Molecular e Biotecnologia-UFRGS<sup>3</sup>).

O carrapato bovino *Boophilus microplus* é um ectoparasita hematófago de bovinos cujo controle é de grande interesse econômico devido a perdas que causa na pecuária, tais como: queda na produção de carne e leite, danos ao couro e também por ser vetor dos protozoários causadores da babesiose e anaplasose. O controle do carrapato *B. microplus* é feito predominantemente com acaricidas. Devido aos acaricidas apresentarem alto custo, poluírem o ambiente e selecionarem populações de carrapatos resistentes aos princípios ativos, vários grupos de pesquisa têm procurado métodos alternativos para o controle do parasita. O objetivo do presente estudo é isolar e seqüenciar clones da biblioteca de cDNA de glândula salivar de fêmeas de *B. microplus* e analisar as seqüências obtidas para auxiliar na identificação de proteínas de carrapato que possam viabilizar o desenvolvimento de uma vacina. Foram isolados 286 clones e até o momento foram seqüenciados 96 utilizando o primer T7 reverse (5'taatacgcactactatagg3'). Alguns clones seqüenciados apresentaram similaridade com seqüências depositadas no GenBank que poderão ser úteis para identificar genes relevantes para o estudo da fisiologia do carrapato, para o desenvolvimento de vacinas e caracterização de isolados de carrapatos resistentes a acaricidas. (CNPq, Fapergs, PRONEX, PADCT).